
International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances (INN)

Notice is hereby given that, in accordance with article 3 of the Procedure for the Selection of Recommended International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances, the names given in the list on the following pages are under consideration by the World Health Organization as Proposed International Nonproprietary Names. The inclusion of a name in the lists of Proposed International Nonproprietary Names does not imply any recommendation of the use of the substance in medicine or pharmacy.

Lists of Proposed (1–117) and Recommended (1–78) International Nonproprietary Names can be found in *Cumulative List No. 17, 2017* (available in CD-ROM only). The statements indicating action and use are based largely on information supplied by the manufacturer. **This information is merely meant to provide an indication of the potential use of new substances at the time they are accorded Proposed International Nonproprietary Names.** WHO is not in a position either to uphold these statements or to comment on the efficacy of the action claimed. Because of their provisional nature, these descriptors will neither be revised **nor included in the Cumulative Lists of INNs.**

Dénominations communes internationales des Substances pharmaceutiques (DCI)

Il est notifié que, conformément aux dispositions de l'article 3 de la Procédure à suivre en vue du choix de Dénominations communes internationales recommandées pour les Substances pharmaceutiques les dénominations ci-dessous sont mises à l'étude par l'Organisation mondiale de la Santé en tant que dénominations communes internationales proposées. L'inclusion d'une dénomination dans les listes de DCI proposées n'implique aucune recommandation en vue de l'utilisation de la substance correspondante en médecine ou en pharmacie.

On trouvera d'autres listes de Dénominations communes internationales proposées (1–117) et recommandées (1–78) dans la *Liste récapitulative No. 17, 2017* (disponible sur CD-ROM seulement). Les mentions indiquant les propriétés et les indications des substances sont fondées sur les renseignements communiqués par le fabricant. **Elles ne visent qu'à donner une idée de l'utilisation potentielle des nouvelles substances au moment où elles sont l'objet de propositions de DCI.** L'OMS n'est pas en mesure de confirmer ces déclarations ni de faire de commentaires sur l'efficacité du mode d'action ainsi décrit. En raison de leur caractère provisoire, ces informations **ne figureront pas dans les listes récapitulatives de DCI.**

Denominaciones Comunes Internacionales para las Sustancias Farmacéuticas (DCI)

De conformidad con lo que dispone el párrafo 3 del "Procedimiento de Selección de Denominaciones Comunes Internacionales Recomendadas para las Sustancias Farmacéuticas", se comunica por el presente anuncio que las denominaciones detalladas en las páginas siguientes están sometidas a estudio por la Organización Mundial de La Salud como Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas. La inclusión de una denominación en las listas de las DCI Propuestas no supone recomendación alguna en favor del empleo de la sustancia respectiva en medicina o en farmacia.

Las listas de Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (1–117) y Recomendadas (1–78) se encuentran reunidas en *Cumulative List No. 17, 2017* (disponible sólo en CD-ROM). Las indicaciones sobre acción y uso que aparecen se basan principalmente en la información facilitada por los fabricantes. **Esta información tiene por objeto dar una idea únicamente de las posibilidades de aplicación de las nuevas sustancias a las que se asigna una DCI Propuesta.** La OMS no está facultada para respaldar esas indicaciones ni para formular comentarios sobre la eficacia de la acción que se atribuye al producto. Debido a su carácter provisional, esos datos descriptivos **no deben incluirse en las listas recapitulativas de DCI.**

Proposed International Nonproprietary Names: List 119

Comments on, or formal objections to, the proposed names may be forwarded by any person to the INN Programme of the World Health Organization within four months of the date of their publication in *WHO Drug Information*, i.e., for **List 119 Proposed INN not later than 19 November 2018**.

Publication date: 19 July 2018

Dénominations communes internationales proposées: Liste 119

Des observations ou des objections formelles à l'égard des dénominations proposées peuvent être adressées par toute personne au Programme des Dénominations communes internationales de l'Organisation mondiale de la Santé dans un délai de quatre mois à compter de la date de leur publication dans *WHO Drug Information*, c'est à dire pour la **Liste 119 de DCI Proposées le 19 novembre 2018 au plus tard**.

Date de publication: 19 juillet 2018

Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas: Lista 119

Cualquier persona puede dirigir observaciones u objeciones respecto de las denominaciones propuestas, al Programa de Denominaciones Comunes Internacionales de la Organización Mundial de la Salud, en un plazo de cuatro meses, contados desde la fecha de su publicación en *WHO Drug Information*, es decir, para la **Lista 119 de DCI Propuestas el 19 de noviembre de 2018 a más tardar**.

Fecha de publicación: 19 de julio de 2018

<i>Proposed INN</i> (Latin, English, French, Spanish)	<i>Chemical name or description: Action and use: Molecular formula</i> <i>Chemical Abstracts Service (CAS) registry number: Graphic formula</i>
<i>DCI Proposée</i>	<i>Nom chimique ou description: Propriétés et indications: Formule brute</i> <i>Numéro dans le registre du CAS: Formule développée</i>
<i>DCI Propuesta</i>	<i>Nombre químico o descripción: Acción y uso: Fórmula molecular</i> <i>Número de registro del CAS: Fórmula desarrollada</i>

abelacimabum

abelacimab

immunoglobulin G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* F11 (coagulation factor XI, FXI, plasma thromboplastin antecedent, PTA)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-452) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (219) (123-220), hinge (221-235), CH2 D27>A (270), P114>A (334) (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-215')-disulfide with lambda light chain (1'-216') [*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGLV1-44*01 (93.5%) -IGLJ2*01 (100%)) [8.3.11] (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (111'-216')]; dimer (231-231":234-234")-bisdisulfide
immunomodulatory, blood coagulation factor inhibitor

abélacimab

immunoglobuline G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* F11 (facteur de coagulation XI, FXI, antécédent de la thromboplastine plasmatique, PTA)], *Homo sapiens* anticorps monoclonal;

chaîne lourde gamma1 (1-452) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (219) (123-220), charnière (221-235), CH2 D27>A (270), P114>A (334) (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-215')-disulfure avec la chaîne légère lambda (1'-216') [*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGLV1-44*01 (93.5%) -IGLJ2*01 (100%)) [8.3.11] (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (111'-216')]; dimère (231-231":234-234")-bisdisulfure
immunomodulateur, inhibiteur de facteur de la coagulation sanguine

abelacimab

inmunoglobulina G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* F11 (factor de coagulación XI, FXI, antecedente de la tromboplastina plasmática, PTA)], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma1 (1-452) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (219) (123-220), bisagra (221-235), CH2 D27>A (270), P114>A (334) (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-215')-disulfuro con la cadena ligera lambda (1'-216') [*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGLV1-44*01 (93.5%) -IGLJ2*01 (100%)) [8.3.11] (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (111'-216')]; dímero (231-231":234-234")-bisdisulfuro
immunomodulatory, blood coagulation factor inhibitor

2098724-83-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLLESQGG	LVQPGGSLRL	SCAASGFTFS	TAAMSWRQA	PGKLEWVSG	50
ISGSGSSTYY	ADSVKGRFTI	SRDINSKNTLY	LQMSLRRAED	TAVYVCAREL	100
SYLYSGYFD	YWGQGLVTV	SSASTKGPSV	FPLAPSSKST	SGGTAALGCL	150
VKDYFPEPVT	VSWNSGALTS	GVHTFPAVLQ	SSGLYSLSSV	VTVPSSSLGT	200
QTYICNVNKK	PSNTRKVDKRV	EPKSCDRTHT	CPPCFAPPELL	GGPSVFLPPP	250
KPKDTLMISR	TPEVTCVVVA	VSHEDPEVRF	NWYVDGVEVH	NAKTKPREEQ	300
YNSTYRVSV	LTVLHQDWLN	GKEYKCRVSN	KALAAPIEKT	ISKAKGQPRE	350
PQVYTLPPSR	EEMTKNQVSL	TCLVKGFYPS	DAVEWESNG	QPENNYKTTT	400
PVLDSGDSFF	LYSKLTVDKS	RWQGNVFC	SVMHEALHNN	YTQKSLSLSP	450
GK					452

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

QSVLTQPPSA	SGTPEGQRTI	SCSGSSSNIG	SNDVSWYQQL	PGTAPKLLIY	50
KNYNRPSGVP	DRFSGSKSGT	SASLAIISGLQ	SEDEADYCS	AWDQRQFDVV	100
FGGKTLTVL	GQPKAAPSVT	LFPSSSEELQ	ANKATLVCLI	SDFYPGAVTV	150
AWKADSSPVK	AGVETTTFSK	QSNKYAASS	YLSLTPEQWK	SHRSYSCQVT	200
HEGSTVEKTV	APTECS				216

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 149-205 266-326 372-430
22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"
Intra-L (C23-C104) 22'-89' 138'-197'
22"-89" 138"-197"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 225-215' 225"-215"
Inter-H-H (h 11, h 14) 231-231" 234-234"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:
302, 302"
fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

N-terminal glutamine cyclization to pyroglutamate (pE, 5-oxoproline)

H VH Q1: 1, 1"
L VL Q1: 1, 1"

C-terminal lysine clipping

H CHS K2: 452, 452"

abivertinibum

abivertinib

N-[3-({2-[3-fluoro-4-(4-methylpiperazin-1-yl)anilino]-7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin-4-yl}oxy)phényl]prop-2-enamide
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

abivertinib

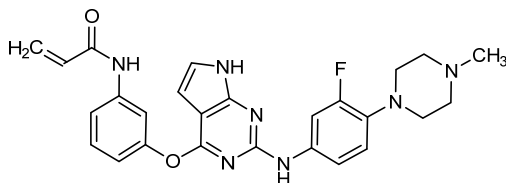
N-[3-({2-[3-fluoro-4-(4-méthylpipérazin-1-yl)anilino]-7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin-4-yl}oxy)phényl]prop-2-énamide
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

abivertinib

N-[3-({2-[3-fluoro-4-(4-metilpiperazin-1-il)anilino]-7*H*-pirrolo[2,3-*d*]pirimidin-4-il}oxi)fenil]prop-2-enamida
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₂₆H₂₆FN₇O₂

1557267-42-1

**adriforantum**

adriforant

*N*⁴-(cyclopropylmethyl)-6-[(3*R*)-3-(methylamino)pyrrolidin-1-yl]pyrimidine-2,4-diamine
histamine H4 receptor antagonist

adriforant

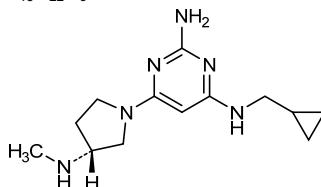
*N*⁴-(cyclopropylméthyl)-6-[(3*R*)-3-(méthylamino)pyrrolidin-1-yl]pyrimidine-2,4-diamine
antagoniste du récepteur H4 de l'histamine

adriforant

*N*⁴-(ciclopropilmetil)-6-[(3*R*)-3-(metilamino)pirrolidin-1-il]pirimidina-2,4-diamina
antagonista del receptor H4 de histamina

C₁₃H₂₂N₆

943057-12-3

**alteminostatium**

alteminostat

N-[7-(hydroxyamino)-7-oxoheptyl]-4-methyl-*N*-[4-(1-methyl-1*H*-indazol-6-yl)phényl]piperazine-1-carboxamide
histone deacetylase inhibitor, antineoplastic

altéminostat

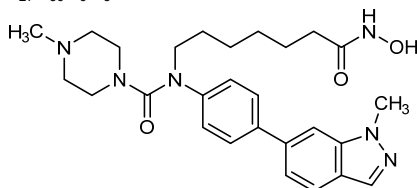
N-[7-(hydroxyamino)-7-oxoheptyl]-4-méthyl-*N*-[4-(1-méthyl-1*H*-indazol-6-yl)phényl]pipérazine-1-carboxamide
inhibiteur de l'histone désacétylase, antinéoplasique

alteminostat

N-[7-(hidroxiamino)-7-oxoheptil]-4-metil-*N*-[4-(1-metil-1*H*-indazol-6-il)fenil]piperazina-1-carboxamida
inhibidor de la histona desacetilasa, antineoplásico

C₂₇H₃₆N₆O₃

1246374-97-9



amelparibum
amelparib

10-ethoxy-8-[(morpholin-4-yl)methyl]-2,3,4,6-tetrahydrobenzo[*h*][1,6]naphthyridin-5(1*H*)-one
poly-ADP-ribose polymerase inhibitor

amelparib

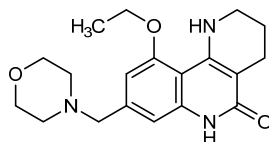
10-éthoxy-8-[(morpholin-4-yl)méthyl]-2,3,4,6-tétrahydrobenzo[*h*][1,6]naphtyridin-5(1*H*)-one
inhibiteur de poly-ADP-ribose polymérase

amelparib

10-etoxi-8-[(morfolin-4-il)metil]-2,3,4,6-tetrahidrobenzo[*h*][1,6]naftiridin-5(1*H*)-ona
inhibidor de poli-ADP-ribosa polimerasa

C₁₉H₂₅N₃O₃

1227156-72-0



amlivirsenum
amlivirsen

all-P-ambo-2'-O-(2-methoxyethyl)-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-*P*-thioadenilyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-*P*-thioadenilyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenilyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenilyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenilyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidine 5'-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-13,13-bis[[3-[(6-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]hexyl)amino]-3-oxopropoxy]methyl]-8,15,19-trioxo-11-oxa-7,14,20-triazahexacosan-26-yl hydrogen phosphate)
antiviral

amlivirsén

5'-(hydrogénophosphate de 1-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-13,13-bis[[3-((6-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]hexyl)amino)-3-oxopropoxy]méthyl]-8,15,19-trioxo-11-oxa-7,14,20-triazahexacosan-26-yle) de *tout-P-ambo-2'-O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidine
antiviral

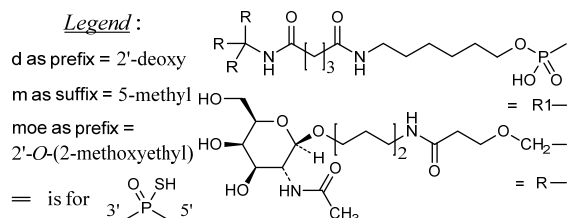
amlivirsén

5'-(hidrogenofosfato de 1-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxil]-13,13-bis[[3-((6-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxil]hexil)amino)-3-oxopropoxil]metil]-8,15,19-trioxo-11-oxa-7,14,20-triazahexacosan-26-ilo) de *todo-P-ambo-2'-O*-(2-metoxietil)-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-5-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-5-metil-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-5-metilcitidina
antiviral

C₂₉₆H₄₂₈N₉₆O₁₄₄P₂₀S₁₉

1637640-12-0

R1-moeG=moeCm=moeA=moeG=moeA=dG=dG=dT=dG=dA=dA=dG=dCm=dG=dA=moeA=moeG=moeUm=moeG=moeCm

Legend :

amprelozetinum

amprelozetine

4-{2-[(2,4,6-trifluorophenoxy)methyl]phenyl}piperidine
norepinephrine reuptake inhibitor

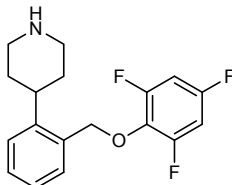
ampréloxétine

4-{2-[(2,4,6-trifluorophénoxy)méthyl]phényl}pipéridine
inhibiteur de la recapture de la norépinéphrine

amprelozetina

4-{2-[(2,4,6-trifluorofenoxi)metil]fenil}piperidina
*inhibidor de la recaptación de la norepinefrina*C₁₈H₁₈F₃NO

1227056-84-9

**asalhydromorphonum**

asalhydromorphone

17-methyl-4,5 α -epoxy-6,7-didehydromorphinan-3,6-diyl
bis[2-(acetyloxy)benzoate]
opioid analgesic

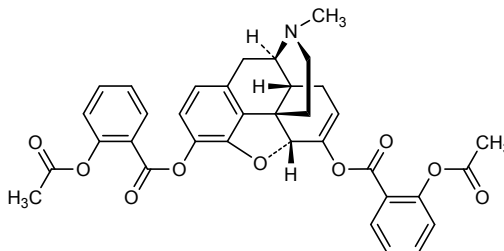
asalhydromorphone

bis[2-(acétyloxy)benzoate] de 17-méthyl-4,5 α -époxy-6,7-
didéshydromorphinane-3,6-diyle
analgésique opioïde

asalhidromorfona

bis[2-(acetiloxi)benzoato] de 17-metil-4,5 α -epoxi-6,7-
dideshidromorfinano-3,6-diilo
*analgésico opioide*C₃₅H₃₁NO₉

1431529-94-0

**aticaprantum**

aticaprant

4-(4-[(2S)-2-(3,5-dimethylphenyl)pyrrolidin-
1-yl]methyl]phenoxy)-3-fluorobenzamide
kappa-opioid receptor antagonist

aticaprant

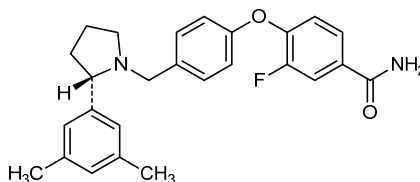
4-(4-[(2S)-2-(3,5-diméthylphényl)pyrrolidin-
1-yl]méthyl]phénoxy)-3-fluorobenzamide
antagoniste des récepteurs opioïdes kappa

aticaprant

4-(4-[[[(2S)-2-(3,5-dimetilfenil)pirrolidin-1-il]metil]fenoxi]-3-fluorobenzamida
antagonista de los receptores de opiáceos kappa

C₂₆H₂₇FN₂O₂

1174130-61-0

**avasopasemum manganesum**

avasopasem manganese

(PBPY-7-11-2344'3')-dichlorido[[1¹S,1²S,7¹S,7²S]-2,6,8,11-tetraaza-4(2,6)-pyridina-1,7(1,2)-dicyclohexanacycloundecaphane-κ⁵N²,N^{1.4},N⁶,N⁸,N¹¹]manganese
superoxide dismutase mimetic

avasopasem manganèse

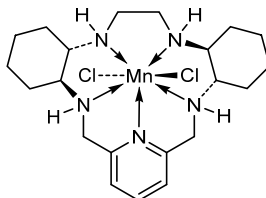
(PBPY-7-11-2344'3')-dichlorido[[1¹S,1²S,7¹S,7²S]-2,6,8,11-tetraaza-4(2,6)-pyridina-1,7(1,2)-dicyclohexanacycloundécaphane-κ⁵N²,N^{1.4},N⁶,N⁸,N¹¹]manganèse
mimétique de la superoxyde dismutase

avasopasem manganeso

(PBPY-7-11-2344'3')-diclorido[[1¹S,1²S,7¹S,7²S]-2,6,8,11-tetraaza-4(2,6)-piridina-1,7(1,2)-dicyclohexanacycloundecafano-κ⁵N²,N^{1.4},N⁶,N⁸,N¹¹]manganeso
mimético de superóxido dismutasa

C₂₁H₃₅Cl₂MnN₅

435327-4-5

**avoplacelum**

avoplacel

human culture expanded allogenic adherent mesenchymal-like stromal cells for cell-based therapy. Cells are of fetal origin and derived from isolated placentae of healthy donors following a cesarean section. Cells express cell surface markers CD29, CD73, and CD105 and exhibit immunomodulatory, and pro-angiogenic and muscle regeneration effects.
cell therapy substance (ischemic conditions)

avoplaceL
 cellules stromales semblables au mésenchyme, humaines, allogéniques, adhérentes, en culture d'expansion, pour thérapie cellulaire. Les cellules sont d'origine fœtale et dérivent du placenta isolé de donneuses en bonne santé, à la suite d'une césarienne. Les cellules expriment les marqueurs de surface CD29, CD73 et CD105 et montrent des effets immunomodulateurs, pro-angiogéniques et de régénération musculaire.
substance de thérapie cellulaire (conditions ischémiques)

avoplaceL
 células similares a mesenquimales, estromales, alogénicas, humanas, expandidas en cultivo para terapia celular. Las células son de origen fetal y derivadas de placentas aisladas de donantes sanas tras una cesárea. Las células expresan los marcadores de superficie CD29, CD73 y CD105, y poseen efectos inmunomoduladores, pro-angiogénicos y de regeneración muscular.
sustancia de terapia celular (condiciones isquémicas)

azelapragum
 azelaprag

(2*S*,3*R*)-*N*-[4-(2,6-dimethoxyphenyl)-5-(5-methylpyridin-3-yl)-4*H*-1,2,4-triazol-3-yl]-3-(5-methylpyrimidin-2-yl)butane-2-sulfonamide
apelin receptor agonist

azélaprag

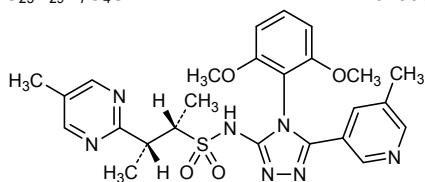
(2*S*,3*R*)-*N*-[4-(2,6-diméthoxyphényl)-5-(5-méthylpyridin-3-yl)-4*H*-1,2,4-triazol-3-yl]-3-(5-méthylpyrimidin-2-yl)butane-2-sulfonamide
agoniste du récepteur de l'apéline

azelaprag

(2*S*,3*R*)-*N*-[4-(2,6-dimetoxifenil)-5-(5-metilpiridin-3-il)-4*H*-1,2,4-triazol-3-il]-3-(5-metilpirimidin-2-il)butano-2-sulfonamida
agonista del receptor de apelina

C₂₅H₂₉N₇O₄S

2049980-18-7



bamadutidum
 bamadutide

L-histidyl-D-seryl-L-glutaminyglycyl-L-threonyl-L-phenylalanyl-L-threonyl-L-seryl-L- α -aspartyl-L-leucyl-L-seryl-L-lysyl-L-glutaminyL-N⁶-(N-hexadecanoyl-L- γ -glutamyl)-L-lysyl-L- α -glutamyl-L-seryl-L-lysyl-L-alanyl-L-alanyl-L-glutaminyL-L- α -aspartyl-L-phenylalanyl-L-isoleucyl-L- α -glutamyl-L-tryptophyl-L-leucyl-L-lysyl-L-alanylglycylglycyl-L-prolyl-L-seryl-L-serylglycyl-L-alanyl-L-prolyl-L-prolyl-L-prolyl-L-serinamide
antidiabetic

bamadutide

L-histidyl-D-séryl-L-glutaminyglycyl-L-thréonyl-L-phénylalanil-L-thréonyl-L-séryl-L- α -aspartyl-L-leucyl-L-séryl-L-lysyl-L-glutaminy-L- N^{δ} -(N-hexadécanoil-L- γ -glutamyl)-L-lysyl-L- α -glutamyl-L-séryl-L-lysyl-L-alanyl-L-alanyl-L-glutaminy-L- α -aspartyl-L-phénylalanil-L-isoleucyl-L- α -glutamyl-L-tryptophyl-L-leucyl-L-lysyl-L-alanylglycylglycyl-L-prolyl-L-séryl-L-sérylglycyl-L-alanyl-L-prolyl-L-prolyl-L-prolyl-L-sérinamide
hypoglycémiant

bamadutida

L-histidil-D-seril-L-glutaminilglicil-L-treonil-L-fenilalanil-L-treonil-L-seril-L- α -aspartil-L-leucil-L-seril-L-lisil-L-glutaminil- N^{δ} -(N-hexadecanoil-L- γ -glutamil)-L-lisil-L- α -glutamil-L-seril-L-lisil-L-alanil-L-alanil-L-glutaminil-L- α -aspartil-L-fenilalanil-L-isoleucil-L- α -glutamil-L-triptofil-L-leucil-L-lisil-L-alanilglicilglicil-L-prolil-L-seril-L-serilglicil-L-alanil-L-prolil-L-prolil-L-prolil-L-serinamida
hipoglucemiante

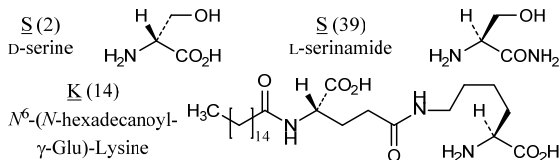
C₂₀₀H₃₁₃N₅₁O₆₃

1596343-09-7

Sequence / Séquence / Secuencia

HSQGTFTSDL SKQKESKAAQ DFIEWLKAGG PSSGAPPPS 39

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados



bempegaldesleukinum #
bempegaldesleukin

human interleukin-2 variant (Ala¹ removed, C¹²⁵>S) produced in *Escherichia coli*, in which an average of 6 lysine residues are N⁶ substituted with [(2,7-bis[[methylpoly(oxyethylene)]carbamoyl]-9H-fluoren-9-yl)methoxy]carbonyl
immunomodulator, antineoplastic

bempégaldesleukine

variant de l'interleukine 2 humaine (Ala1 supprimée, C¹²⁵>S), produit par *Escherichia coli*, dans lequel environ 6 lysines sont N⁶ substituées par le radical [(2,7-bis[[méthylpoly(oxyéthylène)]carbamoyl]-9H-fluorén-9-yl)méthoxy]carbonyl
immunomodulateur, antinéoplasique

bempegaldesleukina

variante de la interleukina 2 humana (Ala1 suprimida, C¹²⁵>S), producida por *Escherichia coli*, en la que una media de 6 lisinas son N⁶ sustituidas por el radical [(2,7-bis[[metilpoli(oxietileno)]carbamoyl]-9H-fluoren-9-il)metoxi]carbonilo
immunomodulador, antineoplásico

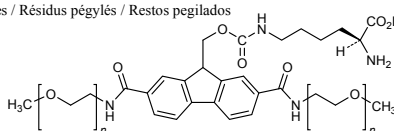
C₆₉₀H₁₁₁₃N₁₇₇O₂₀₃S₆ (C₁₉H₁₆N₂O₄ [C₂H₄O]_{2n})₆ 1939126-74-5

Sequence (132 residues) / Séquence (132 résidus) / Secuencia (132 restos)
 PTSSSTKKT QLQLEHLLLD LQMILNGINN YKNPKLTRML TFKFYMPKKA 50
 TELKHLQCLE BELKPLEEVL NLAQSKNFHL RPRDLISNIN VIVLELKGSE 100
 TTFMCEYADE TATIVEFLNR WITFSQSIIS TLT 133

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
 58-105

Pegylated residues / Résidus pégylés / Restos pegilados

#6 K
 N⁶-peg-Lys
 n # 230



bevifimodum #
 bevifimod

staphylococcal protein A (SpA), purified from *Staphylococcus aureus* strain A676 culture medium
immunomodulator

bévifimod

protéine A staphylococcique (SpA), purifiée à partir de milieu de culture de la souche A676 de *Staphylococcus aureus*
immunomodulateur

bevifimod

proteína A estafilocócica (SpA), purificada a partir del medio de cultivo de la cepa A676 de *Staphylococcus aureus*
immunomodulador

2223113-32-2

Sequence / Séquence / Secuencia

AQHDEAQQNA FYQVLNMPNL NADQRNGFIQ SLKDDPSQSA NVLGEAQKLN 50
 DSQAPKADAQ QNNFNKDQQS AFYEILNMPN LNEAQRNGFT QSLKDDPSQS 100
 TNVLGEAKKL NESQAPKADN NFNKEQQNAF YEILNMPNLN EEQRNGFIQS 150
 LKDDPSQSAN LLSEAKKLINE SQAPKADNKF NKEQQNAFYE ILHLPNLNEE 200
 QRNGFIQSLK DDPSQSANLL AEAKKLNDAAQ APKADNKFNK EQQNAFYEIL 250
 HLPNLTEEQR NGFIQSLKDD PSVSKEILAE AKKLNDAAQAP KEEDNNKPGK 300
 EDNNKPGKED NNKPGKEDNN KPGKEDGNKP GKEDNKKPGK EDGNKPGKED 350
 NKKPGKEDGN KPGKEDGNKP GKEDGNVHV VKPGDVTNDI AKANGTTADK 400
 IAADNKLADK NMIKPGQEGS VAK 423

bintrafuspum alfa #
 bintrafusp alfa

human immunoglobulin G1-lambda, anti-[human programmed cell death 1 ligand 1 (PD-L1, programmed death ligand 1, PDCD1 ligand 1, B7 homolog 1, B7-H1, CD274)], human monoclonal antibody, anti-(human programmed death ligand 1) immunoglobulin G1, lambda light chain, fused at the C-terminus of both heavy chains via a peptidyl linker (450-471), to a fragment of the mature human extracellular domain of human TGF-beta receptor type-2 (TGFR-2, TGFBR2, transforming growth factor-beta receptor type II) TGFβ type II receptor (472-607), dimer, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa;

- gamma1 heavy chain fused to TGFR-2 (1-607) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23*01 -(IGHD) -IGHJ4*01) [CDRKabatH1: SYIMM (31-35); CDRKabatH2: SIYPSGGITFYADTVKG (50-66); CDRKabatH3: IKLGTVTTVDY (99-109)] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03, (CH1 (121-218), hinge (219-233), CH2 (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-449, K450del)) (121-449)], (223-215')-disulfide with lambda light chain (1'-216') [*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGLV2-14*01 -IGLJ1*01) [CDRKabatL1: TGTSSDVGGYNYVS (23-36); CDRKabatL2: DVSNRPS (52-58); CDRKabatL3: SSYTSSSTRV (91-100)] (1'-110') -IGLC1*02 (111'-216'')]; dimer (229-229'':232-232'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic
- bintrafusp alfa immunoglobuline G1-lambda humaine, anti-[ligand 1 de la protéine 1 de mort cellulaire programmée humain (PD-L1, ligand 1 de mort programmée, ligand 1 PDCD1, homologue 1 de B7, B7-H1, CD274)], anticorps monoclonal humain, fusionnée à l'extrémité C-terminale des deux chaînes lourdes via un linker peptidique (450-471), à un fragment du domaine extracellulaire du récepteur de type-2 du TGF- β humain (TGFR-2, TGFBR2, récepteur de type-2 du facteur de croissance transformant- β) (472-607), dimère, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa;
- chaîne lourde gamma1 fusionnée au TGFR-2 (1-607) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23*01 -(IGHD) -IGHJ4*01) [CDRKabatH1: SYIMM (31-35); CDRKabatH2: SIYPSGGITFYADTVKG (50-66); CDRKabatH3: IKLGTVTTVDY (99-109)] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03, (CH1 (121-218), charnière (219-233), CH2 (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-449, K450del)) (121-449)], (223-215')-disulfure avec la chaîne légère lambda (1'-216') [*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGLV2-14*01 -IGLJ1*01) [CDRKabatL1: TGTSSDVGGYNYVS (23-36); CDRKabatL2: DVSNRPS (52-58); CDRKabatL3: SSYTSSSTRV (91-100)] (1'-110') -IGLC1*02 (111'-216'')]; dimère (229-229'':232-232'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique
- bintrafusp alfa inmunoglobulina G1-lambda, anti-[ligando 1 de la proteína 1 de muerte celular programadahumana (PD-L1, ligando 1 de muerte programada, ligando 1 PDCD1, homólogo 1 de B7, B7-H1, CD274)], anticuerpo monoclonal humano,anti-(human programmed death ligand 1) immunoglobulin G1, lambda light chain, fusionado en el extremo C-terminal de las diez cadenas pesadas mediante un conector peptídico (451-471), a un fragmento del dominio mature human extracelular del receptor tipo-2 del TGF-beta humano (TGFR-2, TGFBR2, receptor tipo-2 del factor de crecimiento transformante-beta)TGF β type II receptor (472-607), dímero, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofoma alfa;
- cadena pesada gamma1 fusionada al TGFR-2 (1-607) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23*01 -(IGHD) -IGHJ4*01) [CDRKabatH1: SYIMM (31-35); CDRKabatH2: SIYPSGGITFYADTVKG (50-66); CDRKabatH3: IKLGTVTTVDY (99-109)] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03, (CH1 (121-218), bisagra (219-233), CH2 (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-449, K450del)) (121-449)], (223-215')-disulfuro con la cadena ligera lambda (1'-216') [*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGLV2-14*01 -IGLJ1*01) [CDRKabatL1: TGTSSDVGGYNYVS (23-36); CDRKabatL2: DVSNRPS (52-58); CDRKabatL3: SSYTSSSTRV (91-100)] (1'-110') -IGLC1*02 (111'-216'')]; dímero (229-229'':232-232'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofoma alfa
immunomodulador, antineoplásico

1918149-01-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYIMMMVQRQA PCKGLEWVSS 50
 IYPSGGITFY ADTVKGRFTI SRDMSKNTLY LQMNSLRQED TAVYYCARLK 100
 LGTVTTVDYDW QGGTLVTVSS ASTFKGSPVFP LAPSSKSTGT GTAALGCLVK 150
 DYFPEPVTVS WNGSALTSKV HTPFVAVLQSS GLYSLSVVT VPSSSLGTQT 200
 YICNVNHPKS NTKVDRKVEF KSCDKHTHCP PCFAPPELLGG PSVFLFPPK 250
 KDTLMI SRF P FVTCVVVDVSD HEDEPEVKFHW YVDOGEVHNA KTKPREEQYN 300
 STYRVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSKKA LPAPIEKTI S KAKGQPREPQ 350
 VYTLFPPSREE MTKNQVSLTLC LVRKGFVPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
 LDSGGGFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFCFSV MHEALHNHT QKLSLSPGA 450
 GGGGSGGGG GGGGSGGGG G1PFPHVQKSV NNDMLVTDNN GAVKFPQLCK 500
 FCDVRFSTCD NQKSCMSNCS ITSICEKPEE VCVAVWRKND ENITLETVCH 550
 DKPLFYHDFI LEDAASP KCI MREKPKKGET FFMCSCSSDE CNDNII FSEE 600
 YNTSNPD 607

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

QSALTQFASV SGSPGQSITI SCTGTSSDVG GYNYVSWYQQ HPGKAPKLM 50
 YDWSNRPSGV SNRFSGSKSG NTASLTISGL QAEDEADYIC SSYTSSTRV 100
 FTGTGKVTVL GQPKANPTVT LFPFSSSEELQ ANKATLVCL I SDPYFGAVT 150
 AWKADGSPVK AGVETTKPSK QSNNKYARSS YLSLTPGQWK SHRSYSQV 200
 HEGSTVEKTV APTECS 216

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H: 22-96 147-203 264-324 370-428
 22-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
 Intra-H (TGR-2) 499-532 502-519 509-515 525-549 569-584 586-591
 499"-532" 502"-519" 509"-515" 525"-549" 569"-584" 586"-591"
 Intra-L: 22-90 138-197
 22"-90" 138"-197"
 Inter-H-L: 223-215 223"-215"
 Inter-H-H: 229-229 232-232"

Glycosylation sites (N) / Sites de glycosylation (N) / Posiciones de glicosilación (N)

H CH2: Asn-300
 TGR-2: Asn-518, Asn-542, Asn-602

birtamimabum #
 birtamimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* serum amyloid A (AA) and immunoglobulin amyloid light chain (AL)], monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain (1-449) [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (89.8%)/*Homo sapiens* IGHV3-72*01 (84.0%) - (IGHD) -*Homo sapiens* IGHJ4*01 (92.9%))] [8.10.10] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (216) (120-217), hinge (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-219')-disulfide with kappa light chain (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-110*01 (91.0%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (87.0%) -*Homo sapiens* IGKJ4*01 (91.7%))] [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3A45.1 (158), V101 (196)(113'-219)]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide
 immunomodulator

birtamimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* amyloïde A sérique (AA) et chaîne légère amyloïde (AL) d'immunoglobuline], anticorps monoclonal;
 chaîne lourde gamma1 (1-449) [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (89.8%)/*Homo sapiens* IGHV3-72*01 (84.0%) - (IGHD) -*Homo sapiens* IGHJ4*01 (92.9%))] [8.10.10] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (216) (120-217), charnière (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-219') -disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-110*01 (91.0%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (87.0%) -*Homo sapiens* IGKJ4*01 (91.7%))] [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3A45.1 (158), V101 (196)(113'-219)]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure
 immunomodulateur

birtamimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* amiloide A sérica (AA) y cadena ligera amiloide (AL) de inmunoglobulina], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-449) [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (89.8%)/*Homo sapiens* IGHV3-72*01 (84.0%) -(IGHD) -*Homo sapiens* IGHJ4*01 (92.9%)) [8.10.10] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (216) (120-217), bisagra (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-219') -disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-110*01 (91.0%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (87.0%) -*Homo sapiens* IGKJ4*01 (91.7%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3A45.1 (158), V101 (196)(113'-219')]; dimero (228-228":231-231")-bisulfuro inmunomodulador

1608108-91-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMYWIRQA PGRGLEWVAR 50
 IRSKSNYYAI YYADSVKDRF TISRDDSKNS LYLQMNLSKT EDTAVYICAR 100
 PYSDSFAYWG QGTLVTVSSA STKGPSVFP LAPSRSKSTSGG TAALGCLVKD 150
 YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPVAVLQSSG LYSLSVVTV PSSLGQTQY 200
 ICNVNHHKPSN TKVDKRVKPEK SCDKTHTCP CPAPPELLGGP SVFLFPPKPK 250
 DTLMISRTPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQVNS 300
 TYRIVSVLTV LHQDNLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
 YTLPPSREEM TRNQVSLTCL VRGPFYPSDIA VENESNGQPE NNYKTTTPVVL 400
 DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSQVM HEALNHYTQ KSLSLSPGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DVVMNTQSP LSPVTPGEPAS ISCRSSQSLV HSTGNTYLHW YLQKPGQSPQ 50
 LLIYKVSNR FSGVPRDFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGV YYCSQSTHVP 100
 FTFGGGTRVE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
 VQWIKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDYSTSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
 VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-98 146-202 263-323 369-427
 22"-98" 146"-202" 263"-323" 369"-427"

Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199"
 23'''-93''' 139'''-199'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-219' 222"-219"

Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228" 231-231"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

299, 299"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

brilaroxazinum

brilaroxazine

6-{4-[4-(2,3-dichlorophenyl)piperazin-1-yl]butoxy}-2*H*-1,4-benzoxazin-3(4*H*)-one
anxiolytic

brilaroxazine

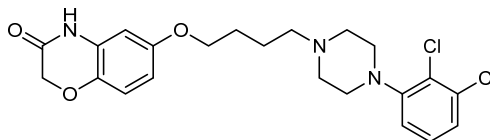
6-{4-[4-(2,3-dichlorophényl)pipérazin-1-yl]butoxy}-2*H*-1,4-benzoxazin-3(4*H*)-one
anxiolytique

brilaroxazina

6-{4-[4-(2,3-diclorofenil)piperazin-1-il]butoxi}-2*H*-1,4-benzoxazin-3(4*H*)-ona
ansiolítico

C₂₂H₂₅Cl₂N₃O₃

1239729-06-6



budigalimabum #
budigalimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (76.5%) -(IGHD) -IGHJ6*03 (90.9%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (215) (119-216), hinge (217-231), CH2 L1.3>A (235), L1.2>A (236) (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-219')-disulfide with kappa light chain (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (89.0%)/*Homo sapiens* IGKV2-28*01 or IGKV2-29*02 (85.0%) -*Homo sapiens* IGKJ2*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

budigalimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal;
chaîne lourde gamma1 (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (76.5%) -(IGHD) -IGHJ6*03 (90.9%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (215) (119-216), charnière (217-231), CH2 L1.3>A (235), L1.2>A (236) (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (89.0%)/*Homo sapiens* IGKV2-28*01 or IGKV2-29*02 (85.0%) -*Homo sapiens* IGKJ2*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure
immunomodulateur, antinéoplasique

budigalimab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma1 (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (76.5%) -(IGHD) -IGHJ6*03 (90.9%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (215) (119-216), bisagra (217-231), CH2 L1.3>A (235), L1.2>A (236) (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (89.0%)/*Homo sapiens* IGKV2-28*01 or IGKV2-29*02 (85.0%) -*Homo sapiens* IGKJ2*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro
immunomodulador, antineoplásico

2098225-93-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EIQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGYTFT HYGMINWRQA PGQGLEWVGV 50
 VNTYTGETPY ADDFKGRLLTF TLDTSSTAY MELSSLRSED TAVVYCTREG 100
 EGLFGDWGQ GTTVTVSSAS TRGSPVFLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
 FPBFTVSWN SGALTSVGHV FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
 CNVNHKPSNT KVDKKVEPKS CDKHTCCPC PAPEAAGGGS VFLEFPKPKD 250
 TLMISRTPEV TCVVVDVSHV DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST 300
 YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
 TLPFSREEMT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPVLD 400
 SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSMH EALHNHYTQK SLSSLSPGK 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DVVMTQSPLS LPVTPGEPAS ISCRSSQSIY HSHGDTYLEW YLQKPGQSPQ 50
 LLIYKVSNRV SGVPRDFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGV YYCFQGSHP 100
 VTFGQGTKLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVCL LNNFYPREAK 150
 VQWKVDNALQ SGNQSQESVTE QDSKDSYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
 VTHQGLSSPV TRKSNRGEV 219

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
 22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"

Intra-L (C23-C104) 23"-93" 139"-199"
 23"-93" 139"-199"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 221"-219" 221"-219"

Inter-H-H (h 11, h 14) 227"-227" 230"-230"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

298, 298"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

camsirubicinum

camsirubicin

(8*R*,10*S*)-10-[(3-amino-2,3,6-trideoxy- α -L-lyxo-hexopyranosyl)oxy]-6,8,11-trihydroxy-8-(2-hydroxyethyl)-12-imino-1-methoxy-7,9,10,12-tetrahydrotetracen-5(8*H*)-one
antineoplastic

camsirubicine

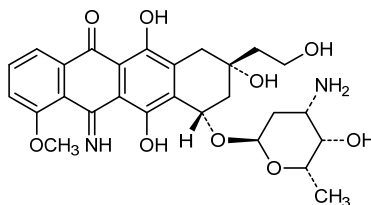
(8*R*,10*S*)-10-[(3-amino-2,3,6-tridésoxy- α -L-lyxo-hexopyranosyl)oxy]-6,8,11-trihydroxy-8-(2-hydroxyéthyl)-12-imino-1-méthoxy-7,9,10,12-tétrahydrotétracén-5(8*H*)-one
antineoplasique

camsirubicina

(8*R*,10*S*)-10-[(3-amino-2,3,6-tridesoxi- α -L-lixo-hexopiranosil)oxi]-6,8,11-trihidroxii-8-(2-hidroxiétil)-12-imino-1-metoxi-7,9,10,12-tetrahidrotetracén-5(8*H*)-ona
antineoplásico

C₂₇H₃₂N₂O₉

236095-26-4



cemiplimabum #

cemiplimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma4 heavy chain (1-444) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23*01 (86.7%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (118-215), hinge S10>P (225) (216-227), CH2 (228-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (118-444)], (131-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-39*01 (86.3%) - IGKJ3*01 (75.0%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (223-223":226-226")-bisdisulfide immunomodulator, antineoplastic

cémiplimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], *Homo sapiens* anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma4 (1-444) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23*01 (86.7%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (118-215), charnière S10>P (225) (216-227), CH2 (228-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (118-444)], (131-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-39*01 (86.3%) - IGKJ3*01 (75.0%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (223-223":226-226")-bisdisulfure immunomodulateur, antinéoplasique

cemiplimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma4 (1-444) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23*01 (86.7%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (118-215), bisagra S10>P (225) (216-227), CH2 (228-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (118-444)], (131-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-39*01 (86.3%) - IGKJ3*01 (75.0%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (223-223":226-226")-bisdisulfuro immunomodulador, antineoplásico

1801342-60-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLLESGGV LVQPGGSLRL SCAASGFTFS NFGMTVWRQA PGKGLEWVSG 50
ISQGGRTDYF ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLKGED TAVYYCVKWG 100
NIYFDYWGQG TLVTVSSAST KGPSVFPPLAP CSRSTSESTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVPFS SSLGTRKTYTC 200
NVDHKPSNTK VDKRVEVKYG PFCPCPEAPE FLGGPSTVFLF PPKPKDTLMI 250
SRTPEVTCVV VDVQEDPEV QFNWYVDGVE VHNAKTKPRE EQFNSTYRVV 300
SVLTVLHQDW LNKREYKCKV SNKGLPSSIE KTISKAKGQP REPQVYTLPP 350
SQEEMTRNQV SLTCLVKGFY PSDIAVEWES NGQPENNYKT TPPVLDSDGS 400
FFLYSRLTVD KSRWQEGNVF SCSVMHEALH NHYTQKLSLS SLGK 444
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS LSASVGSIT FICRAFLSIN TFLNYYQQPK GKAPNLLIYA 50
ASSLHGCVPS RFGSSGSGTD FTLTIRTLQF EDFATYYCQQ SSNTPTFFGP 100
GTIVDFRRITV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNMFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSLTIT LSKADYERKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSPN RGEK 214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 144"-200" 258"-318" 364"-422"
 22"-96" 144"-200" 258"-318" 364"-422"
 Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
 23"-88" 134"-194"
 Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 131-214' 131"-214"
 Inter-H-H (h 8, h 11) 223-223" 226-226"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

294, 294*

C-terminal lysine clipping:

H CHS K2: 444, 444*

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de tipo CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

cenupatidum

cenupatide

*N*²-acetyl-L-arginyl-2-methylalanyl-L-arginyl- α -methyl-L-phenylalaninamide
urokinase plasminogen activator receptor (uPAR) inhibitor

cénupatide

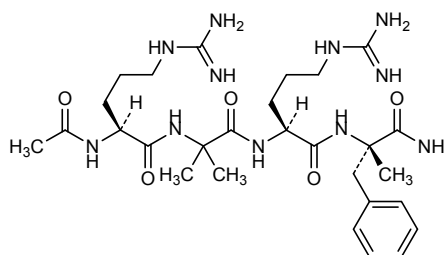
*N*²-acétyl-L-arginyl-2-méthylalanyl-L-arginyl- α -méthyl-L-phénylalaninamide
inhibiteur du récepteur activateur du plasminogène de type urokinase (uPAR)

cenupatida

*N*²-acetil-L-arginil-2-metilalanil-L-arginil- α -metil-L-fenilalaninamida
inhibidor del receptor activador del plasminógeno tipo uroquinasa (uPAR)

C₂₈H₄₇N₁₁O₅

1006388-38-0

**ceralasertibum**

ceralasertib

(*R*)-imino(methyl)(1-{6-[(3*R*)-3-methylmorpholin-4-yl]-2-(1*H*-pyrrolo[2,3-*b*]pyridin-4-yl)pyrimidin-4-yl}cyclopropyl)- λ ⁶-sulfanone
antineoplastic

céralasertib

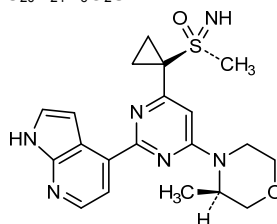
(*R*)-imino(méthyl)(1-{6-[(3*R*)-3-méthylmorpholin-4-yl]-2-(1*H*-pyrrolo[2,3-*b*]pyridin-4-yl)pyrimidin-4-yl}cyclopropyl)- λ ⁶-sulfanone
antineoplasique

ceralasertib

(*R*)-imino(metil)(1-{6-[(3*R*)-3-metilmorfolin-4-il]-2-(1*H*-pirrolo[2,3-*b*]piridin-4-il)pirimidin-4-il}ciclopropil)- λ ⁶-sulfanona
antineoplásico

C₂₀H₂₄N₆O₂S

1352226-88-0



cimlanodum

cimlanod

N-hydroxy-5-methylfuran-2-sulfonamide
HNO donor

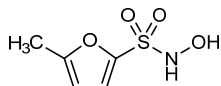
cimlanod

N-hydroxy-5-méthylfurane-2-sulfonamide
donneur de HNO

cimlanod

N-hidroxi-5-metilfurano-2-sulfonamida
*donantes de HNO*C₅H₇NO₄S

1620330-72-4

**cintirorgonum**

cintirorgon

3-((2*S*)-6-[3-(difluoromethoxy)-5-fluorophenyl]-4-[3-(trifluoromethyl)benzene-1-sulfonyl]-3,4-dihydro-2*H*-1,4-benzoxazin-2-yl]-2,2-dimethylpropanoic acid
antineoplastique

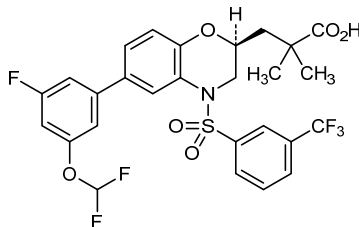
cintirorgon

ide 3-((2*S*)-6-[3-(difluorométhoxy)-5-fluorophényl]-4-[3-(trifluorométhyl)ben-zène-1-sulfonyl]-3,4-dihydro-2*H*-1,4-benzoxazin-2-yl]-2,2-diméthylpropanoïque
antineoplastique

cintirorgón

ácido 3-((2*S*)-6-[3-(difluorometoxi)-5-fluorofenil]-4-[3-(trifluorometil)ben-ceno-1-sulfonyl]-3,4-dihidro-2*H*-1,4-benzoxazin-2-il]-2,2-dimetilpropanoico
*antineoplásico*C₂₇H₂₃F₆NO₆S

1227156-72-0

**coblopasvirum**

coblopasvir

methyl {(2*S*)-1-[(2*S*)-2-(4-{4-[7-(2-[(2*S*)-1-[(2*S*)-2-[(methoxycarbonyl)amino]-3-methylbutanoyl]pyrrolidin-2-yl]-1*H*-imidazol-4-yl)-2*H*-1,3-benzodioxol-4-yl]phenyl)-1*H*-imidazol-2-yl]pyrrolidin-1-yl]-3-methyl-1-oxobutan-2-yl}carbamate
antiviral

coblopasvir

{(2*S*)-1-[(2*S*)-2-(4-{4-[7-(2-[(2*S*)-1-[(2*S*)-2-[(méthoxycarbonyl)amino]-3-méthylbutanoyl]pyrrolidin-2-yl]-1*H*-imidazol-4-yl)-2*H*-1,3-benzodioxol-4-yl]phényl)-1*H*-imidazol-2-yl]pyrrolidin-1-yl]-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl}carbamate de méthyle
antiviral

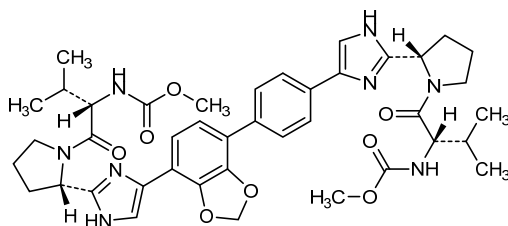
coblopasvir

{{(2S)-1-[(2S)-2-(4-{4-[7-(2-[(2S)-1-[(2S)-2-[(metoxycarbonil)amino]-3-metilbutanoil]pirrolidin-2-il]-1H-imidazol-4-il)-2H-1,3-benzodioxol-4-il]fenil}-1H-imidazol-2-il)pirrolidin-1-il]-3-metil-1-oxobutan-2-il]carbamato de metilo

antiviral

C₄₁H₅₀N₈O₈

1312608-46-0

cotadutidum
cotadutide

L-histidyl-L-seryl-L-glutaminylglycyl-L-threonyl-L-phenylalanyl-L-threonyl-L-seryl-L-α-aspartyl-N⁶-(N-hexadecanoyl-L-γ-glutamyl)-L-lysyl-L-seryl-L-α-glutamyl-L-tyrosyl-L-leucyl-L-α-aspartyl-L-seryl-L-α-glutamyl-L-arginyl-L-alanyl-L-arginyl-L-α-aspartyl-L-phenylalanyl-L-valyl-L-alanyl-L-tryptophyl-L-leucyl-L-α-glutamyl-L-alanylglycylglycine

antidiabetic

cotadutide

L-histidyl-L-séryl-L-glutaminylglycyl-L-thréonyl-L-phénylalanyl-L-thréonyl-L-séryl-L-α-aspartyl-N⁶-(N-hexadécanoyl-L-γ-glutamyl)-L-lysyl-L-séryl-L-α-glutamyl-L-tyrosyl-L-leucyl-L-α-aspartyl-L-séryl-L-α-glutamyl-L-arginyl-L-alanyl-L-arginyl-L-α-aspartyl-L-phénylalanyl-L-valyl-L-alanyl-L-tryptophyl-L-leucyl-L-α-glutamyl-L-alanylglycylglycine

hypoglycémiant

cotadutida

L-histidil-L-seril-L-glutaminilglicil-L-treonil-L-fenilalanil-L-treonil-L-seril-L-α-aspartil-N⁶-(N-hexadecanoil-L-γ-glutamil)-L-lisil-L-seril-L-α-glutamil-L-tirosil-L-leucil-L-α-aspartil-L-seril-L-α-glutamil-L-arginil-L-alanil-L-arginil-L-α-aspartil-L-fenilalanil-L-valil-L-alanil-L-triptofil-L-leucil-L-α-glutamil-L-alanilglicilglicina

hipoglucemiante

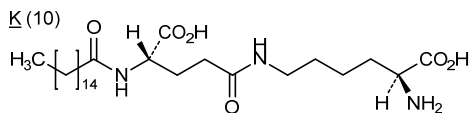
C₁₆₇H₂₅₂N₄₂O₅₅

1686108-82-6

Sequence / Séquence / Secuencia

HSQGTFTSDK SEYLDSE^URAR DFVAWLEAGG 30

Modified residue / Résidu modifié / Resto modificado



crovalimabum #

crovalimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* C5 (complement 5)], monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain (1-451) [VH (*Vicugna pacos* IGHV3S1*01 (70.4%)/*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (69.4%) -(IGHD)-*Homo sapiens* IGHJ4*01 (100%))] [9.8.15] (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (220) (124-221), hinge (222-236), CH2 L1.2>R (241), G1.1>R (242), S3>K (245), A110>G (333), A115>S (336), P116>S (337) (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364), M107>L (434), N114>A (440), Q118>R (444), S120>E (446) (347-451), CHS G1>del, K2>del) (124-451)], (226-217')-disulfide with kappa light chain (1'-217') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-13*02 or IGKV1D-13*01 (94.3%) -IGKJ4*01 (100%))] [6.3.12] (1'-110') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (156), V101 (194) (111'-217)]; dimer (232-232":235-235")-bisdisulfide
immunomodulator

crovalimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* C5 (complément 5)], anticorps monoclonal;
 chaîne lourde gamma 1 (1-451) [VH (*Vicugna pacos* IGHV3S1*01 (70.4%)/*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (69.4%) -(IGHD)-*Homo sapiens* IGHJ4*01 (100%))] [9.8.15] (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (220) (124-221), charnière (222-236), CH2 L1.2>R (241), G1.1>R (242), S3>K (245), A110>G (333), A115>S (336), P116>S (337) (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364), M107>L (434), N114>A (440), Q118>R (444), S120>E (446) (347-451), CHS G1>del, K2>del) (124-451)], (226-217')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-217') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-13*02 or IGKV1D-13*01 (94.3%) -IGKJ4*01 (100%))] [6.3.12] (1'-110') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (156), V101 (194) (111'-217)]; dimère (232-232":235-235")-bisdisulfure
immunomodulateur

crovalimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* C5 (complemento 5)], anticuerpo monoclonal;
 cadena pesada gamma 1 (1-451) [VH (*Vicugna pacos* IGHV3S1*01 (70.4%)/*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (69.4%) -(IGHD)-*Homo sapiens* IGHJ4*01 (100%))] [9.8.15] (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (220) (124-221), bisagra (222-236), CH2 L1.2>R (241), G1.1>R (242), S3>K (245), A110>G (333), A115>S (336), P116>S (337) (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364), M107>L (434), N114>A (440), Q118>R (444), S120>E (446) (347-451), CHS G1>del, K2>del) (124-451)], (226-217')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-217') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-13*02 or IGKV1D-13*01 (94.3%) -IGKJ4*01 (100%))] [6.3.12] (1'-110') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (156), V101 (194) (111'-217)]; dímero (232-232":235-235")-bisdisulfuro
inmunomodulador

1917321-26-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

VVQVLSVGGG LVQPGRSLRL SCAASGFTVH SSYIMAWVRQ AFGKGLEWVG 50
 AIFTGSGAEY KAEWAKGRVT ISKDTSRNQV VLTMTNMDPV DTATYYCASD 100
 AGYDYPTHAM HYWGQGLTVT VSSASTRGPS VFPLAPSSKS TSGGTAALGC 150
 LVKDYFPEPV TVSWNSGALT SGVHTFPAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG 200
 TQTYICNVNH KPSNTRKVDKK VEPKSCDKTH TCPPCPAPEL RRGPKVFLFP 250
 PKPKDTLMS RTPEVTCVVV DVSHEDPEVK FNWYVDGVEV HNAKTKPREE 300
 QYNSTYRVVS VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKGLPSSIEK TISKAKGQPR 350
 EPQVYTLPPS REEMTKNQVS LTCLVKGFPY SDIAVEWESN GQPENNYKTT 400
 PPVLDSDGSF FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSVLHEALHA HYTRKELSL 450
 P 451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS LSASVGRVIT ITCRASQGIS SSLAWYQQKP GKAPKLLIYG 50
 ASETESGVPS RFGSGSGTD FTLTISLQPF EDFATYYCQN TKVGSYNGNT 100
 FGGGTKVEIK RTVAAPSVEI FPPSDEQLKS GTASVVCLLN NFYPREAKVQ 150
 WKVDNALQSG NSQESVTEQD SKDSTYSLSS TLTLTKADYE KHKVYACEVT 200
 HQGLSSPVTK SFNRGEC 217

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22'-97" 150'-206" 267'-327" 373'-431"

22'-97" 150'-206" 267'-327" 373'-431"

Intra-L (C23-C104) 23'-88" 137'-197"

23'-88" 137'-197"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 226'-217" 226'-217"

Inter-H-H (h 11, h 14) 232'-232" 235'-235"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

303, 303"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

danicopanum

danicipan

(2*S*,4*R*)-1-[[3-acetyl-5-(2-methylpyrimidin-5-yl)-1*H*-indazol-1-yl]acetyl]-*N*-(6-bromopyridin-2-yl)-4-fluoropyrrolidine-2-carboxamide

complement factor D inhibitor

danicipan

(2*S*,4*R*)-1-[[3-acétyl-5-(2-méthylpyrimidin-5-yl)-1*H*-indazol-1-yl]acétyl]-*N*-(6-bromopyridin-2-yl)-4-fluoropyrrolidine-2-carboxamide

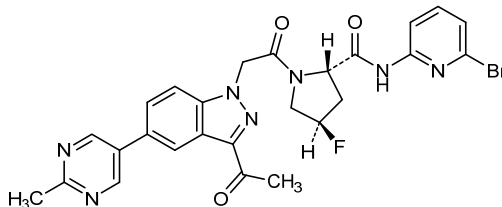
inhibiteur du facteur D du complément

danicipán

(2*S*,4*R*)-1-[[3-acetil-5-(2-metilpirimidin-5-il)-1*H*-indazol-1-il]acetil]-*N*-(6-bromopiridin-2-il)-4-fluoropirrolidina-2-carboxamida

*inhibidor del factor D del complemento*C₂₆H₂₃BrFN₇O₃

1903768-17-1



dersimelagonum

dersimelagon

1-[2-[(3*S*,4*R*)-1-[(3*R*,4*R*)-1-cyclopentyl-3-fluoro-4-(4-methoxyphenyl)pyrrolidine-3-carbonyl]-4-(methoxymethyl)pyrrolidin-3-yl]-5-(trifluoromethyl)phenyl]piperidine-4-carboxylic acid
melanocortin receptor agonist

dersimélagon

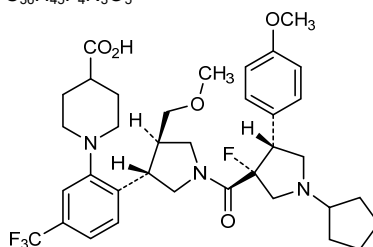
acide 1-[2-[(3*S*,4*R*)-1-[(3*R*,4*R*)-1-cyclopentyl-3-fluoro-4-(4-méthoxyphényl)pyrrolidine-3-carbonyl]-4-(méthoxyméthyl)pyrrolidin-3-yl]-5-(trifluorométhyl)phényl]pipéridine-4-carboxylique
agoniste du récepteur de la mélanocortine

dersimelagón

ácido 1-[2-[(3*S*,4*R*)-1-[(3*R*,4*R*)-1-ciclopentil-3-fluoro-4-(4-metoxifenil)pirrolidina-3-carbonil]-4-(metoximetil)pirrolidin-3-il]-5-(trifluorometil)fenil]piperidina-4-carboxílico
agonista del receptor de melanocortina

C₃₆H₄₅F₄N₃O₅

1835256-48-8

**dilanubicelum**

dilanubiciel

Allogeneic umbilical cord CD34⁺ enriched blood cells. The drug substance consists of the total progeny generated from culture of enriched CD34⁺ umbilical cord blood cells that have been cultured *ex vivo* in the presence of immobilised engineered Notch ligand Delta1^{ext-1gG} (DXI) and recombinant cytokines. Cell phenotype distribution: CD3, CD7, CD14, CD15, CD16+CD56+ (both stained together), CD34, CD41, CD45RA, CD56, and CD90. Cells are intended to enhance reconstitution in hematopoietic stem cell transplantation patients with high risk of iatrogenic conditioning-related prolonged pancytopenia.
cell therapy substance (adjuvant to chemotherapy / radiotherapy)

dilanubiciel

cellules du sang de cordon ombilical, allogéniques, enrichies en CD34⁺. Le principe actif consiste en la totalité de la descendance générée par la culture des cellules de sang de cordon ombilical enrichies en CD34⁺ mises en culture *ex vivo* en présence de ligand Notch Delta1^{ext-1gG} (DXI) immobile et de cytokines recombinantes. Distribution du phénotype cellulaire: CD3, CD7, CD14, CD15, CD16+CD56+ (les deux teintés ensemble), CD34, CD41, CD45RA, CD56, et CD90. Les cellules sont destinées à accroître la récupération après une transplantation de cellules souches hématopoïétiques, des patients avec un fort risque de pancytopenie prolongée lié à la condition iatrogénique.
substance de thérapie cellulaire (adjuvant à une chimio- ou radiothérapie)

dilanubicel	<p>Células de sangre de cordón umbilical, alogénicas, enriquecidas en CD34+. El principio activo consta del total de la progenie generada en el cultivo de células de sangre de cordón umbilical enriquecidas en CD34+ que se han cultivado <i>ex vivo</i> en presencia del ligando ingenierizado de Notch Delta1^{ext-IgG} (DX1) inmovilizado y de citoquinas recombinantes. Distribución del fenotipo celular: CD3, CD7, CD14, CD15, CD16+CD56+ (ambos teñidos juntos), CD34, CD41, CD45RA, CD56 y CD90. Las células se pretenden usar para potenciar la reconstitución en pacientes sometidos a trasplante de células troncales hematopoyéticas con alto riesgo de pancitopenia prolongada, relacionada con el acondicionamiento iatrogénico.</p> <p><i>sustancia de terapia celular (adyuvante a quimio- o radioterapia)</i></p>
dilpacimabum # dilpacimab	<p>immunoglobulin G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> DLL4 (delta-like 4)] and anti-[<i>Homo sapiens</i> VEGFA (vascular endothelial growth factor A, VEGF-A, VEGF)], dual-variable domain humanized monoclonal antibody, bispecific;</p> <p>dual-variable gamma1 heavy chain (1-577) [humanized VH anti-DLL4 (<i>Homo sapiens</i>IGHV3-48*01 (89.8%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.11] (1-118) -6-mer linker (119-124) -humanized VH anti-VEGFA (<i>Homo sapiens</i>IGHV3-23*03 or IGHV3-30*02 (76.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [8.8.16] (125-247) -<i>Homo sapiens</i>IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (344) (248-345), hinge (346-360), CH2 L1.3>A (364), L1.2>A (365) (361-470), CH3 E12 (486), M14 (488) (471-575), CHS (576-577)) (248-577)], (350-334')-disulfide with dual-variable kappa light chain (1'-334') [humanized V-KAPPA anti-DLL4 (<i>Homo sapiens</i>IGKV1D-13*01 (88.3%) -IGKJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -13-mer linker (108-120) -humanized V-KAPPA anti-VEGFA (<i>Homo sapiens</i>IGKV1-16*01 (88.4%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (121-227) -<i>Homo sapiens</i>IGKC*01, Km3 A45.1 (273), V101 (311)(228'-334')]; dimer (356-356":359-359")-bisdisulfide</p> <p><i>immunomodulator, antineoplastic</i></p>
dilpacimab	<p>immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> DLL4 (delta-like 4)] et anti-[<i>Homo sapiens</i> VEGFA (facteur de croissance A de l'endothélium vasculaire, VEGF-A, VEGF)], anticorps monoclonal humanisé double-variable domaine, bispécifique;</p> <p>chaîne lourde gamma1 avec double-variable (1-577) [VH humanisé anti-DLL4 (<i>Homo sapiens</i>IGHV3-48*01 (89.8%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.11] (1-118) -6-mer linker (119-124) -VH humanisé anti-VEGFA (<i>Homo sapiens</i>IGHV3-23*03 or IGHV3-30*02 (76.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [8.8.16] (125-247) -<i>Homo sapiens</i>IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (344) (248-345), charnière (346-360), CH2 L1.3>A (364), L1.2>A (365) (361-470), CH3 E12 (486), M14 (488) (471-575), CHS (576-577)) (248-577)], (350-334')-disulfure à la chaîne légère kappa avec double-variable (1'-334') [V-KAPPA humanisé anti-DLL4 (<i>Homo sapiens</i>IGKV1D-13*01 (88.3%) -IGKJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -13-mer linker (108-120) -V-KAPPA humanisé anti-VEGFA (<i>Homo sapiens</i>IGKV1-16*01 (88.4%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (121-227) -<i>Homo sapiens</i>IGKC*01, Km3 A45.1 (273), V101 (311) (228'-334')]; dimère (356-356":359-359")-bisdisulfure</p> <p><i>immunomodulateur, antinéoplasique</i></p>

dilpacimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* DLL4 (delta-like 4)] y anti-[*Homo sapiens* VEGFA (factor de crecimiento A del endotelio vascular, VEGF-A, VEGF)], anticuerpo monoclonal humanizado doble-variable dominio, biespecifico;
 cadena pesada gamma1 con doble-variable (1-577) [VH humanizado anti-DLL4 (*Homo sapiens*IGHV3-48*01 (89.8%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.11] (1-118) -6-mer espaciador (119-124) -VH humanizado anti-VEGFA (*Homo sapiens*IGHV3-23*03 orIGHV3-30*02 (76.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [8.8.16] (125-247) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (344) (248-345), bisagra (346-360), CH2 L1.3>A (364), L1.2>A (365) (361-470), CH3 E12 (486), M14 (488) (471-575), CHS (576-577)) (248-577)], (350-334')-disulfuro con la cadena ligera kappa con doble-variable (1'-334') [V-KAPPA humanizado anti-DLL4 (*Homo sapiens*IGKV1D-13*01 (88.3%) -IGKJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -13-mer espaciador (108-120) -V-KAPPA humanizado anti-VEGFA (*Homo sapiens*IGKV1-16*01 (88.4%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (121-227) -*Homo sapiens*IGKC*01, Km3 A45.1 (273), V101 (311) (228'-334')]; dímero (356-356":359-359")-bisdisulfuro
inmunomodulador, antineoplásico

1791420-09-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMYWIRQA PGKGLEWVAR 50
 IRSKSNYAI YYADSVKDRF TISRDDSKNS LYLQMNLSKT EDTAVYYCAR 100
 PYDSFAYWG QGTLVTVSSA STRGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
 YFPFPTVSW NSGALTSGVH TFPVAVLQSSG LYSLSVVTV PSSSLGTYT 200
 ICNVNPKPSN TKVDKRVKPK SCDKTHTCPP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK 250
 DTLMIKRTPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
 TYRVSVLTV LHQDNLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
 YTLPPSREEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPPV 400
 DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSQSVV HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DVVTQSPPLS LPVTPGEPAS ISCRSSQSLV HSTGNTYLHW YLQKPGQSPQ 50
 LLIIYKVSNRF SGVPRDFSGS GSGTDFTLKI SRVEADVGV YYCSQSTHVP 100
 FTFGGGTKVE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
 VQWIKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDYSTYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
 VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-98 146-202 263-323 369-427
 22"-98" 146"-202" 263"-323" 369"-427"

Intra-L (C23-C104) 23-93' 139'-199'
 23'''-93''' 139'''-199'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-219" 222"-219"

Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228" 231-231"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

299, 299"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados

dostarlimabum #

dostarlimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], humanized monoclonal antibody;

gamma4 heavy chain (1-443) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (93.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (117-214), hinge S10>P (224) (215-226), CH2 (227-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (117-443)], (130-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-9*01 (85.3%) -IGKJ2*02 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (222-222':225-225')-bisdisulfide *immunomodulator, antineoplastic*

dostarlimab immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde gamma4 (1-443) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (93.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (117-214), charnière S10>P (224) (215-226), CH2 (227-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (117-443)], (130-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-9*01 (85.3%) -IGKJ2*02 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (222-222':225-225')-bisdisulfure *immunomodulateur, antinéoplasique*

dostarlimab inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada gamma4 (1-443) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (93.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (117-214), bisagra S10>P (224) (215-226), CH2 (227-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (117-443)], (130-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-9*01 (85.3%) -IGKJ2*02 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (222-222':225-225')-bisdisulfuro *inmunomodulador, antineoplásico*

2022215-59-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
 EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYDMSWVRQA PGKGLEWVST 50
 ISGGGSYYTY QDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCASPY 100
 YAMDYWGQGT TVTVSSASTK GPSVFLAPC SRSTSESTAA LGCLVKDYFP 150
 EPTVTSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVVTVPSS SLGTRKTYTCN 200
 VDHKPSNTRK DRRVESKYGP PCPPCPAPEF LGGPSVFLFP PKPKDTLMIS 250
 RTPEVTCVVV DVSQEDPEVQ FNWYVDGVEV HNAKTKPRBE QFNSTYRVVS 300
 VLTVLHQDWL NGKEYKCRKS NKGLPSSIEK TISAKAQKPR EPQVYTLPPS 350
 QEEMTKNQVS LTCLVRGFPY SDIAVEWESN GQPENNYKTT PPVLDSDSGSF 400
 FLYSRLTVDK SRWQEGNVFS CSMHEALHN HYTKSLSLS LGK 443

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
 DIQLTQSPSF LSAYVGRVIT ITCRASQDVG TAVAWYQQKP GKAPKLLIYW 50
 ASTLHGVPFS RFSGSGSGTE FTLTISSLQP EDFATYYCQH YSSYPWTFGQ 100
 GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNPFY PREAKVQWVKV 150
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
 LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
 Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
 Intra-H (C23-C104) 22-96 143-199 257-317 363-421
 22'-96" 143'-199" 257"-317" 363"-421"
 Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194"
 23"-88" 134"-194"
 Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 130-214' 130"-214"
 Inter-H-H (h 8, h 11) 222-222" 225-225"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
 H CH2 N84.4:
 293, 293"
 Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados
 C-terminal lysine clipping:
 H CHS K2:
 443, 443"

durlobactamum

durlobactam

(1*R*,2*S*,5*R*)-2-carbamoyl-3-methyl-7-oxo-1,6-diazabicyclo[3.2.1]oct-3-en-6-yl hydrogen sulfate
beta-lactamase inhibitor

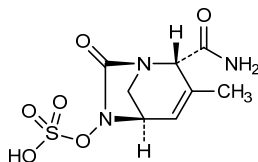
durlobactam

hydrogénosulfate de (1*R*,2*S*,5*R*)-2-carbamoyl-3-méthyl-7-oxo-1,6-diazabicyclo[3.2.1]oct-3-én-6-yle
inhibiteur de la bêta-lactamase

durlobactam

hidrogenosulfato de (1*R*,2*S*,5*R*)-2-carbamoil-3-metil-7-oxo-1,6-diazabicio[3.2.1]oct-3-en-6-ile
*inhibidor de la beta-lactamasa*C₈H₁₁N₃O₆S

1467829-71-5

**eftozanermin alfa #**

eftozanermin alfa

Gln¹-human single-chain tumor necrosis factor ligand superfamily member 10 (TNFSF10, tumor necrosis factor-related apoptosis-inducing ligand, TRAIL) receptor binding domain fragment, repeat of three identical chains (2-161, 171-330, 340-499) fused together via glycosylated linkers (162-170 connecting chain I to chain II and 331-339 connecting chain II to chain III), fused via linker (500-511) to an Fc fragment of human immunoglobulin G1 (512-740) [*Homo sapiens* IGHG1*03 (CH2 (524-633 (Asn⁵⁹⁰>Ser)), CH3 (634-738), CHS (739-740))], dimer, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
antineoplastique

eftozanermine alfa

Gln¹-chaîne unique du membre 10 de la superfamille des ligands du facteur de nécrose tumorale humaine (TNFSF10, ligand inducteur d'apoptose apparenté au TNF, TRAIL) fragment du domaine se liant au récepteur, répétition de trois chaînes identiques, (2-161, 171-330, 340-499) fusionnées via des linkers glycosylés (162-170 liant la chaîne I à la chaîne II et 331-339 liant la chaîne II à la chaîne III), fusionné via un linker (500-511) au fragment Fc de l'immunoglobuline G1 humaine (512-740) [*Homo sapiens* IGHG1*03 (CH2 (524-633 (Asn⁵⁹⁰>Ser)), CH3 (634-738), CHS (739-740))], dimère, produit par des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
antineoplastique

eftozanermine alfa

Gln¹-cadena única del miembro 10 de la superfamilia de los ligandos del factor de necrosis tumoral humano (TNFSF10, ligando inductor de la apoptosis relacionado con el TNF, TRAIL) fragmento del dominio que se une al

receptor, repetición de tres cadenas idénticas, (2-161, 171-330, 340-499) fusionadas mediante los conectores glicosilados (162-170 que une la cadena I a la cadena II y 331-339 que une la cadena II a la cadena III), fusionado mediante un enlace (500-511) al fragmento Fc de la inmunoglobulina G1 humana (512-740) [*Homo sapiens* IGHG1*03 (CH2 (524-633 (Asn⁵⁹⁰>Ser)), CH3 (634-738), CHS (739-740))], dímero, producido en las células ováricas de hamster chinos (CHO), glicofoma alfa *antineoplásico*

1820660-69-2

Monomer / monomère / monómero

```

QRVAAHITGT RGRSNTLSSP NSKNEKALGR KINSWESSRS GHSFLSNLHL 50
RNGELVIHEK GFYIYSQTY FRFQEEIKEN TKNDKQMVQY IYKYTSYPDP 100
ILLMKSARNS CWSKDAEYGL SYIYQGGIFE LKENDRIFVS VTNEHLIDMD 150
HEASFFGAFL VGGSGSNGS RVAAHITGTR GRSNTLSSPN SKNEKALGRK 200
INSWESSRSG HSFLSNLHLR NGELVIHEKG FYYIYSQTYF RFQEEIKENT 250
KNDKQMVQYI YKYTSYPDPI LLMKSARNSC WSKDAEYGLY SIYQGGIFE 300
KENDRIFVSV TNEHLIDMDH EASFFGAFLV GSGSGNGSR VAAHITGTRG 350
RSNTLSSPNS KNEKALGRKI NSWESSRSGH SFLSNLHLRN GELVIHEKGF 400
YYIYSQTYFR FQEEIKENTK NDKQMVQYI KYTSYPDPIL LMKARSNCW 450
SKDAEYGLYS IYQGGIFELK ENDRIFVSVT NEHLIDMDHE ASFFGAFLVG 500
GPGSSSSSSS GSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLEPPKP KDTLMISRTF 550
EVTGVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKFREEQYS STYRVVSVLT 600
VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIERTIS KARGQPREPQ VYTLPPSREE 650
MTRKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV LDSDGSFFLY 700
SKLTVDKSRW QQGNVFSQSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 740

```

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-chain 111-280 554-614 660-718
 111-280' 554'-614' 660'-718'
 Inter-chain 513-513' 519-519' 522-522'

Glycosylation sites (N) / Sites de glycosylation (N) / Posiciones de glicosilación (N)

Asn-168 Asn-337

eladocagenum exuparovecum #

eladocagene exuparovec

a recombinant non-replicating adeno-associated virus serotype 2 (AAV2) vector comprising a dopa decarboxylase (DDC, AADC) variant 2 cDNA transcript, which encodes human aromatic-L-amino-acid decarboxylase isoform 1, under the control of the cytomegalovirus (CMV) intermediate-early (IE) promoter and SV40 poly A transcription terminator.
gene therapy substance (aromatic L-amino acid decarboxylase (AADC) deficiency)

éladocagène exuparovec

vecteur viral adéno-associé de sérotype 2 (AAV2) non-répliquant recombinant contenant une transcription ADNc du variant 2 de la dopa décarboxylase (DDC, AADC) codant pour l'isoforme 1 de l'acide L-aminé aromatique décarboxylase humaine, sous le contrôle d'un promoteur intermédiaire précoce de cytomegalovirus (CMV) et une séquence poly-A de SV40 de terminaison de la transcription
substance pour thérapie génique (déficiency en acide L-aminé aromatique décarboxylase)

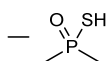
éluforsen *tout-P-ambo*-[1-33]tritiaconta-2'-O-méthyl-[1-32]dotriaconta-*P*-thio-AUCAUAGGAA ACACCAAAGA UGAUUAUUUUC UUU;
tout-P-ambo-2'-O-méthyl-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridine *promoteur de la synthèse de la protéine régulatrice de la perméabilité transmembranaire impliquée dans la mucoviscidose (CFTR) fonctionnelle*

eluforsén *todo-P-ambo*-[1-33]tritiaconta-2'-O-metil-[1-32]dotriaconta-*P*-tio-AUCAUAGGAA ACACCAAAGA UGAUUAUUUUC UUU;
todo-P-ambo-2'-O-metil-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-metil-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-metil-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-metil-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-metil-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-metil-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-O-metil-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-metil-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-metil-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-metil-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-metil-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-metil-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-metil-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-metil-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-metil-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-metil-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-metil-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-metil-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-metiluridina *promotor de la síntesis de la proteína reguladora de la conductancia transmembrana de la fibrosis quística (CFTR) funcional*

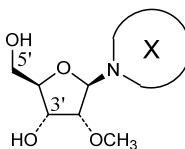
C₃₄₇H₄₅₂N₁₂₂O₁₉₅P₃₂S₃₂

2101868-82-8

(3'-5')(A-U-C-A-U-A-G-G-A-A-A-C-A-C-C-A-A-A-G-A-U-G-A-U-A-U-U-U-C-U-U-U)

Legend :

A, C, G, U =

**encequidarum**

encequidar

N-[2-(2-{4-[2-(6,7-dimethoxy-3,4-dihydroisoquinolin-2(1*H*)-yl)ethyl]phenyl}-2*H*-tetrazol-5-yl)-4,5-dimethoxyphenyl]-4-oxo-4*H*-1-benzopyran-2-carboxamide *antineoplastic*

encéquidar

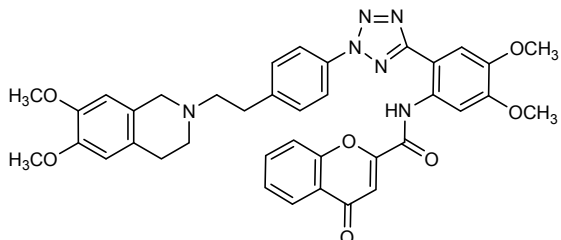
N-[2-(2-{4-[2-(6,7-diméthoxy-3,4-dihydroisoquinoléin-2(1*H*)-yl)éthyl]phényl}-2*H*-tétrazol-5-yl)-4,5-diméthoxyphényl]-4-oxo-4*H*-1-benzopyrane-2-carboxamide *antineoplasique*

encequidar

N-[2-(2-{4-[2-(6,7-dimethoxy-3,4-dihydroisoquinolin-2(1*H*)-il)etil]fenil}-2*H*-tetrazol-5-il)-4,5-dimetoxifenil]-4-oxo-4*H*-1-benzopirano-2-carboxamida
antineoplásico

C₃₈H₃₆N₆O₇

849675-66-7



ensifentrinum
ensifentrine

N-(2-((2*E*)-9,10-dimethoxy-4-oxo-2-[(2,4,6-trimethylphenyl)imino]-6,7-dihydro-2*H*-pyrimido[6,1-*a*]isoquinolin-3(4*H*)-yl]éthyl)urea
phosphodiesterase inhibitor

ensifentrine

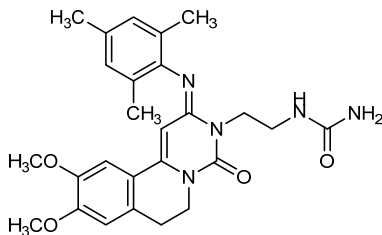
N-(2-((2*E*)-9,10-diméthoxy-4-oxo-2-[(2,4,6-triméthylphényl)imino]-6,7-dihydro-2*H*-pyrimido[6,1-*a*]isoquinoléin-3(4*H*)-yl]éthyl)urée
inhibiteur de phosphodiéstérase

ensifentrina

N-(2-((2*E*)-9,10-dimetoxi-4-oxo-2-[(2,4,6-trimetilfenil)imino]-6,7-dihidro-2*H*-pirimido[6,1-*a*]isoquinolein-3(4*H*)-il)etil)urea
inhibidor de fosfodiesterasa

C₂₆H₃₁N₅O₄

1884461-72-6



exicorilantum
exicorilant

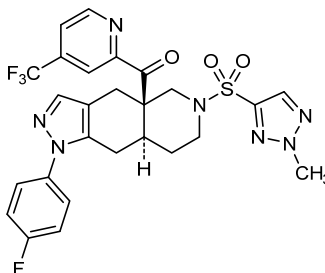
[(4*aR*,8*aS*)-1-(4-fluorophenyl)-6-(2-methyl-2*H*-1,2,3-triazole-4-sulfonyl)-1,4,5,6,7,8,8*a*,9-octahydro-4*aH*-pyrazolo[3,4-*g*]isoquinolin-4*a*-yl][4-(trifluoromethyl)pyridin-2-yl]methanone
glucocorticoid receptor antagonist

exicorilant
 [(4aR,8aS)-1-(4-fluorophényl)-6-(2-méthyl-2H-1,2,3-triazole-4-sulfonyl)-1,4,5,6,7,8,8a,9-octahydro-4aH-pyrazolo[3,4-g]isoquinoléin-4a-yl][4-(trifluorométhyl)pyridin-2-yl]méthanone
antagoniste des récepteurs glucocorticoïdes

exicorilant
 [(4aR,8aS)-1-(4-fluorofenil)-6-(2-metil-2H-1,2,3-triazol-4-sulfonyl)-1,4,5,6,7,8,8a,9-octahidro-4aH-pirazolo[3,4-g]isoquinolein-4a-il][4-(trifluorometil)piridin-2-il]metanona
antagonista de los receptores glucocorticoides

C₂₆H₂₃F₄N₇O₃S

1781244-77-6



fosgemcitabinum palabenamidum
 fosgemcitabine palabenamide

benzyl N-[(P⁵S)-2'-deoxy-2',2'-difluoro-O^P-phenyl-5'-cytidyl]-L-alaninate
antineoplastique

fosgemcitabine palabénamide

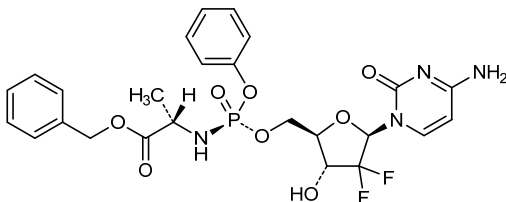
N-[(P⁵S)-2'-désoxy-2',2'-difluoro-O^P-phényl-5'-cytidyl]-L-alaninate de benzyle
antineoplasique

fosgemcitabina palabenamida

N-[(P⁵S)-2'-desoxi-2',2'-difluoro-O^P-fenil-5'-citidilil]-L-alaninato de bencilo
antineoplásico

C₂₅H₂₇F₂N₄O₈P

1562406-27-2



fosifloxuridinum nafalbenamidum
 fosifloxuridine nafalbenamide

benzyl N-[P-ambo-2'-deoxy-5-fluoro-O^P-(naphthalen-1-yl)-5'-uridylyl]-L-alaninate
antineoplastique

fosifloxuridine nafalbénamide

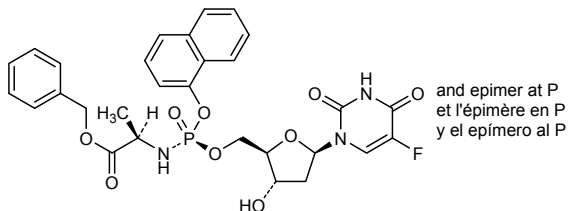
N-[*P*-*ambo*-2'-désoxy-5-fluoro- O^P -(naphtalén-1-yl)-5'-uridylyl]-L-alaninate de benzyle
antineoplasique

fosifloxuridina nafalbenamida

N-[*P*-*ambo*-2'-desoxi-5-fluoro- O^P -(naftalen-1-il)-5'-uridilil]-L-alaninato de bencilo
antineoplásico

C₂₉H₂₉FN₃O₉P

1332837-31-6

**foslinanibum**

foslinanib

2-(3-fluorophenyl)-6-methoxy-4-oxo-1,4-dihydroquinolin-5-yl dihydrogen phosphate
antineoplastique

foslinanib

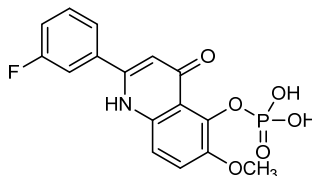
dihydrogénophosphate de 2-(3-fluorophényl)-6-méthoxy-4-oxo-1,4-dihydroquinoléin-5-yle
antineoplasique

foslinanib

dihidrogenofosfato de 2-(3-fluorofenil)-6-metoxi-4-oxo-1,4-dihidroquinolein-5-ilo
antineoplásico

C₁₆H₁₃FNO₆P

1256037-60-1

**fosmanogepixum**

fosmanogepix

[1²-amino-6-oxa-1(3),7(2)-dipyridina-2(5,3)-[1,2]oxazola-4(1,4)-benzenaheptaphan-1¹-ium-1¹-yl]methyl hydrogen phosphate
antifungal

fosmanogépix

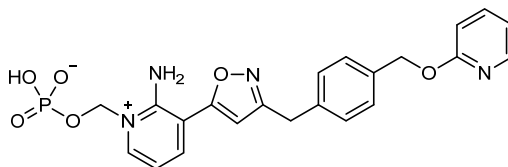
hydrogénophosphate de [1²-amino-6-oxa-1(3),7(2)-dipyridina-2(5,3)-[1,2]oxazola-4(1,4)-benzénaheptaphan-1¹-ium-1¹-yl]méthyle
antifongique

fosmanogepix

hidrogenofosfato de [1²-amino-6-oxa-1(3),7(2)-dipiridina-2(5,3)-[1,2]oxazola-4(1,4)-bencenaheptafan-1¹-ium-1¹-il]metilo
antifúngico

C₂₂H₂₁N₄O₆P

2091769-17-2



frovocimabum #
frovocimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PCSK9 (proprotein convertase subtilisin/kexin type 9, neural apoptosis-regulated convertase 1, NARC1, NARC-1, proprotein convertase 9, PC9) catalytic domain], humanized monoclonal antibody;
gamma4 heavy chain (1-451) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV3-21*01 (88.8%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (100%)) [8.8.18] (1-125) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (126-223), hinge S10>P (233) (224-235), CH2 F1.3>A (239), L1.2>A (240) (236-345), CH3 (346-450), CHS K2>del (451)) (126-451)], (139-219)-disulfide with kappa light chain (1'-219')] [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (87.00%) -IGKJ1*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (231-231":234-234")-bisdisulfide
antihyperlipidaemic

frovocimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PCSK9 (proprotéine convertase subtilisine/kexine type 9, convertase 1 régulée par l'apoptose neuronale, NARC1, NARC-1, proprotéine convertase 9, PC9)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde gamma4 (1-451) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-21*01 (88.8%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (100%)) [8.8.18] (1-125) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (126-223), charnière S10>P (233) (224-235), CH2 F1.3>A (239), L1.2>A (240) (236-345), CH3 (346-450), CHS K2>del (451)) (126-451)], (139-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-219')] [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (87.00%) -IGKJ1*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (231-231":234-234")-bisdisulfure
antihyperlipidémiant

frovocimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PCSK9 (proteína convertasa subtilisina/kexina tipo 9, convertasa 1 regulada por la apoptosis neuronal, NARC1, NARC-1, proteína convertasa 9, PC9)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma4 (1-451) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV3-21*01 (88.8%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (100%)) [8.8.18] (1-125) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (126-223), bisagra S10>P (233) (224-235), CH2 F1.3>A (239), L1.2>A (240) (236-345), CH3 (346-450), CHS K2>del (451)) (126-451)], (139-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-219') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (87.00%) -IGKJ1*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (231-231":234-234")-bisdisulfuro antihiperlipémico

1643672-70-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
 EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGFFPS KLGMMVVRQA PGKLEWVST 50
 ISSGGGYTY PDSVKGRFTI SRDIAKNSLY LQMNSLRAED TAVYICAREG 100
 ISFQGGTYTY VMDYWGQGTLL VTVSSASTKG PSVFPLAPCS RSTSESTAAL 150
 GCLVKDYFPE PVTWVSNNGA LTVSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTFPSSS 200
 LGTKTYTCNV DHKPSNTKVD KRVESKYGPP CPDPAPEAA GGPVFLFPP 250
 KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSQEDPEVQF NMYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
 FNSTYRVVSV LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KGLPSSIEK ISKARGQPRE 350
 PQVYTLPPSQ EEMTKNQVSL TCLVKGIFYPS DIAVEVESNG QPENNYKTP 400
 PVLDSGDSGF LYSRLTVDKS RWQEGNVFSC SVMHEALHNN YTKRSLSLSL 450
 G 451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
 DIVMTQSPSLP LPTVPEPAS ISCRSSKSLH HRNGITYSYW YLQKPGQSPQ 50
 LLIVQLSNLA SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGV YYCYQNLELP 100
 LTFGQGTQVE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVIVCL LNNEFYPREK 150
 VQWVKDNLQ SGNSQESVTE QDSKSTYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
 VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219

Post-translational modifications
 Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
 Intra-H (C23-C104) 22-96 152-208 266-326 372-430
 22"-96" 152"-208" 266"-326" 372"-430"
 Intra-L (C23-C104) 23"-93" 139"-199"
 23"-93"" 139"-199""
 Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 139-219' 139"-219"
 Inter-H-H (h 8, h 11) 231-231" 234-234"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
 H CH2 N84.4: 302, 302"
 Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados

futibatiniyum

futibatiniyb

1-[(3S)-3-{4-amino-3-[(3,5-dimethoxyphenyl)ethynyl]-1H-pyrazolo[3,4-d]pyrimidin-1-yl}pyrrolidin-1-yl]prop-2-en-1-one
antineoplastique

futibatiniyb

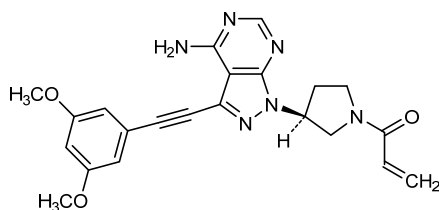
1-[(3S)-3-{4-amino-3-[(3,5-diméthoxyphényl)éthynyl]-1H-pyrazolo[3,4-d]pyrimidin-1-yl}pyrrolidin-1-yl]prop-2-én-1-one
antinéoplasique

futibatinib

1-[(3*S*)-3-{4-amino-3-[(3,5-dimetoxifenil)etiniil]-1*H*-pirazolo[3,4-*d*]pirimidin-1-il}pirrolidin-1-il]prop-2-en-1-ona
antineoplásico

C₂₂H₂₂N₆O₃

1448169-71-8

galicaftorum
galicaftor

4-[(2*R*,4*R*)-4-[1-(2,2-difluoro-1,3-benzodioxol-5-yl)cyclopropane-1-carboxamido]-7-(difluorometoxy)-3,4-dihidro-2*H*-1-benzopyran-2-yl]benzoic acid
cystic fibrosis transmembrane regulator (CFTR) channel modulator

galicaftor

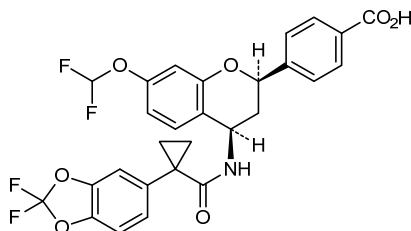
acide 4-[(2*R*,4*R*)-4-[1-(2,2-difluoro-1,3-benzodioxol-5-yl)cyclopropane-1-carboxamido]-7-(difluorométoxy)-3,4-dihidro-2*H*-1-benzopyran-2-yl]benzoïque
modulateur de la protéine régulatrice de la perméabilité transmembranaire impliquée dans la mucoviscidose (CFTR)

galicaftor

ácido 4-[(2*R*,4*R*)-4-[1-(2,2-difluoro-1,3-benzodioxol-5-il)ciclopropano-1-carboxamido]-7-(difluorometoxi)-3,4-dihidro-2*H*-1-benzopirano-2-il]benzoico
modulador de la proteína reguladora de la conductancia transmembrana de la fibrosis quística (CFTR)

C₂₈H₂₁F₄NO₇

1918143-53-9

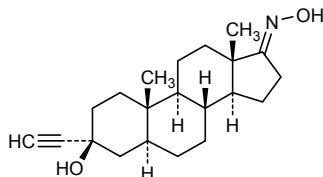
gancotamabum #
gancotamab

immunoglobulin scFv, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (epidermal growth factor receptor 2, receptor tyrosine-protein kinase erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], *Homo sapiens* monoclonal antibody single chain;

	<p>scFv (1-251) [<i>Homo sapiens</i> VH (IGHV3-23*04 (94.9%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.12] (1-119) -15-mer tris(tetraglycyl-seryl) linker (120-134) -<i>Homo sapiens</i> V-LAMBDA (IGLV1-40*01(97.0%) -IGLJ3*02 (100%)) [9.3.11] (135-245) -6-mer bisglycyl-seryl-bisglycyl-cysteinyl (246-251)] <i>antineoplastique</i></p>
gancotamab	<p>immunoglobuline scFv, anti-[<i>Homo sapiens</i> ERBB2 (récepteur 2 du facteur de croissance épidermique, récepteur tyrosine-protéine kinase erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], <i>Homo sapiens</i> anticorps monoclonal à chaîne unique; scFv (1-251) [<i>Homo sapiens</i> VH (IGHV3-23*04 (94.9%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.12] (1-119) -15-mer tris(tétraglycyl-séryl) linker (120-134) -<i>Homo sapiens</i> V-LAMBDA (IGLV1-40*01(97.0%) -IGLJ3*02 (100%)) [9.3.11] (135-245) -6-mer bisglycyl-séryl-bisglycyl-cystéinyl (246-251)] <i>antineoplasique</i></p>
gancotamab	<p>inmunoglobulina scFv, anti-[<i>Homo sapiens</i> ERBB2 (receptor 2 del factor de crecimiento epidérmico, receptor tirosina-proteína kinasa erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], <i>Homo sapiens</i> anticuerpo monoclonal con cadena única; scFv (1-251) [<i>Homo sapiens</i> VH (IGHV3-23*04 (94.9%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.12] (1-119) -15-mer tris(tetraglicil-seril) conector (120-134) -<i>Homo sapiens</i> V-LAMBDA (IGLV1-40*01(97.0%) -IGLJ3*02 (100%)) [9.3.11] (135-245) -6-mer bisglicil-seril-bisglicil-cisteinil (246-251)] <i>antineoplásico</i></p>
	1509928-00-0
	<pre> QVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFR SYAMSWVRQA PGKGLEWVSA 50 ISGRGDNTYY ADSVKGRTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAKMT 100 SNAFADYWG QGTLVTVSSG GGGSGGGGSG GGGSQSVLTQ PPSVSGAPGQ 150 RVTISCTGSS SNIGAGYGVH WYQQLPGTAP KLLIYGNTNR PSGVPRFSG 200 FKSGTSASLA ITGLQAEDEA DYYCQSYDSS LSGWVFGGTT KLTVLGGSGG 250 C </pre>
	<p>Post-translational modifications Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro Intra-scFv (C23-C104) 22-96 156-224</p>
golexanolonum	
golexanolone	(17E)-3 α -ethynyl-17-(hydroximino)-5 α -androstan-3 β -ol <i>GABA-A receptor modulating steroid antagonist</i>
golexanolone	(17E)-3 α -éthynyl-17-(hydroximino)-5 α -androstan-3 β -ol <i>antagoniste de la modulation positive par les stéroïdes des récepteurs GABA-A</i>
golexanolona	(17E)-3 α -etinil-17-(hidroxiimino)-5 α -androstan-3 β -ol <i>antagonista de modulación positiva por los esteroides de los receptores GABA-A</i>

C₂₁H₃₁NO₂

2089238-18-4

**gosuranemabum #**

gosuranemab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MAPT (microtubule-associated protein tau, tau)], monoclonal antibody;
 gamma4 heavy chain (1-443)[VH (*Mus musculus* IGHV5-6*01 (85.6%)/*Homo sapiens* IGHV3-11*01 (84.5%) -(IGHD) -*Homo sapiens* IGHJ6*01 (92.9%))] [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (118-215), hinge S10>P (225) (216-227), CH2 (228-337), CH3 (338-442), CHS K2>del (443)) (118-443)], (131-219')-disulfide with kappa light chain (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (89.0%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (84.0%) -*Homo sapiens* IGKJ4*01 (100%))] [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (223-223":226-226")-bisdisulfide
tau protein inhibitor

gosuranémab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MAPT (protéine tau associée aux microtubules, tau)], anticorps monoclonal;
 chaîne lourde gamma4 (1-443) [VH (*Mus musculus* IGHV5-6*01 (85.6%)/*Homo sapiens* IGHV3-11*01 (84.5%) -(IGHD) -*Homo sapiens* IGHJ6*01 (92.9%))] [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (118-215), charnière S10>P (225) (216-227), CH2 (228-337), CH3 (338-442), CHS K2>del (443)) (118-443)], (131-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (89.0%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (84.0%) -*Homo sapiens* IGKJ4*01 (100%))] [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (223-223":226-226")-bisdisulfure
inhibiteur de la protéine tau

gosuranemab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MAPT (proteína tau asociada con microtúbulos, tau)], anticuerpo monoclonal;
 cadena pesada gamma4 (1-443) [VH (*Mus musculus* IGHV5-6*01 (85.6%)/*Homo sapiens* IGHV3-11*01 (84.5%) -(IGHD) -*Homo sapiens* IGHJ6*01 (92.9%))] [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (118-215), bisagra S10>P (225) (216-227), CH2 (228-337), CH3 (338-442), CHS K2>del (443)) (118-443)], (131-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (89.0%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (84.0%) -*Homo sapiens* IGKJ4*01 (100%))] [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (223-223":226-226")-bisdisulfuro
inhibidor de la proteína tau

1788032-39-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVHLVESGGA LVPKPGSLRL SCAASGFSFS KYGMSWVRQA PGKGLEWVAT 50
 ISSSGSRITY PDSVKGRFTI SRDNAKNTLY LQMNSLRAED TAMYYCSISW 100
 DGAMDYWGQG TTVTSSAST KGPSVFLAP CSRSTSESTA ALGCLVKDYF 150
 PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVTVFVS SSLGKTYTC 200
 NVDHKPSNTK VDKRVESKYG PPCPCPAPE FLGGPSVFLF PPKPKDTLMI 250
 SRTPEVTCVW VDVSQEDPEV QFNWYVDGVE VHNAKTKPRE EQFNSTYRVV 300
 SVLTVLHQDW LNGKEYKCKV SNKGLPSSIE KTISKAKGQP REPQVYTLPP 350
 SQEEMTKNQV SLTCLVKGFY PSDIAVENES NGQPENNYKT TTPVLDSDGS 400
 FFLYSRLTVD KSRWQEGNVF SCSVMHEALH NHYTQKSLSL SLG 443

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DVVMTQSPLS LPVTLGQPAS ISCKSSQSI V HSNNGTYLEW YLQKPGQSPQ 50
 LLVYKVSNR F SGVDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEADVGT YYCFQGS LVP 100
 WAFGGGKVE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
 VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDYSTYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
 VTHQGLSSPV TKSFNRCGEC 219

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 144-200 258-318 364-422
 22"-96" 144"-200" 258"-318" 364"-422"

Intra-L (C23-C104) 23"-93" 139"-199"
 23"-93" 139"-199"

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 131-219" 131"-219"

Inter-H-H (h 8, h 11) 223-223" 226-226"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

294, 294"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

hydromethylthionium

hydromethylthionine

N^3, N^3, N^7, N^7 -tetramethyl-10H-phenothiazine-3,7-diamine
neuroprotectant

hydrométhylthionine

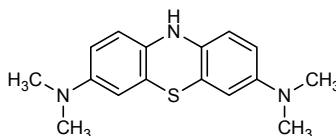
N^3, N^3, N^7, N^7 -tétraméthyl-10H-phénothiazine-3,7-diamine
neuroprotecteur

hidrometilitionina

N^3, N^3, N^7, N^7 -tetrametil-10H-fenotiazina-3,7-diamina
neuroprotector

C₁₆H₁₉N₃S

613-11-6

**iadademstatum**

iadademstat

*trans-N*¹-[(1*R*,2*S*)-2-phenylcyclopropyl]cyclohexane-1,4-diamine
lysine-specific histone demethylase (LSD1) inhibitor

iadademstat

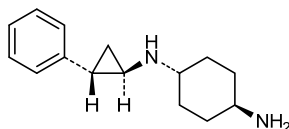
*trans-N*¹-[(1*R*,2*S*)-2-phénylcyclopropyl]cyclohexane-1,4-diamine
inhibiteur de l'histone déméthylase-1 spécifique de la lysine (LSD1)

iadademstat

*trans-N*¹-[(1*R*,2*S*)-2-fenilciclopropil]ciclohexano-1,4-diamina
inhibidor de la histona demetilasa-1 específica de la lisina (LSD1)

C₁₅H₂₂N₂

1431304-21-0



idecabtagenum vicleucelum #
idecabtagene vicleucel

human culture expanded genetically modified autologous T cells for cell-based gene therapy. Cells are derived from isolated blood of the patient and are transduced with non-replicative self-inactivating (SIN) human immunodeficiency virus type 1 (HIV-1) based lentiviral vector (LVV) pseudotyped with the vesicular stomatitis virus glycoprotein G (VSV-G) envelope protein, and encoding the C11D5.3 anti-TNF receptor superfamily member 17 (TNFRSF17, BCMA) single chain variable fragment (scFv) CD8/4-1BB/CD3zeta chimeric antigen receptor (CAR) under the transcriptional control of the myeloproliferative sarcoma virus enhancer, negative control region deleted, dl587rev primer-binding site substituted (MND) promoter. Cells exhibit anti-tumoral activity in patients with multiple myeloma. *genetically modified cell (antineoplastic)*

idécabtagène vicleucel

lymphocytes T humains, autologues, génétiquement modifiés, en culture d'expansion pour thérapie génique avec cellules. Les cellules sont dérivées du sang prélevé chez le patient et sont transduites avec un vecteur lentiviral basé sur le virus de l'immunodéficience humaine de type 1 (VIH-1) non-répliquant auto-inactif, pseudotypé avec la glycoprotéine G de l'enveloppe de du virus de la stomatite vésiculaire (VSV-G) et codant pour le récepteur de l'antigène chimérique (CAR) consistant en un fragment variable de la chaîne unique de l'anticorps CD11D5.3 anti-membre 17 de la superfamille des récepteurs du TNF (TNFRSF17, BCMA)/CD8/4-1BB/CD3zéta sous le contrôle transcriptionnel d'un promoteur du virus du sarcome myéloprolifératif dont la région de contrôle négatif a été supprimée, et le site de liaison de l'amorce substitué par dl587rev (MND). Les cellules montrent une activité anti-tumorale chez de patients atteints de multiples myélomes. *cellule génétiquement modifiée (antinéoplasique)*

idecabtagén vicleucel

Linfocitos T autólogos, modificados genéticamente, humanos, expandidos en cultivo para terapia génica con células. Las células se derivan de sangre aislada del paciente y se transducen con un vector lentiviral basado en el virus de la inmunodeficiencia humana tipo 1 (HIV-1) no replicativo y autoinactivante, seudotipado con la glicoproteína G de la envuelta del virus de la estomatitis vesicular (VSV-G), y que codifica para el receptor de antígeno quimérico (CAR) consistente en un fragmento variable de cadena sencilla (scFv) del anticuerpo CD11D5.3 anti-miembro 17 de la superfamilia de receptores de TNF (TNFRSF17, BCMA)/CD8/4-1BB/CD3zeta bajo el control transcripcional del enhancer del virus del sarcoma mieloproliferativo, y el promotor con la región de control negativo delecionada y el sitio de unión del cebador dl587rev sustituido (MND). Las células poseen actividad antitumoral en pacientes con mieloma múltiple. *célula modificada genéticamente (antineoplásico)*

ilginatinibum

ilginatinib

N^2 -[(1S)-1-(4-fluorophenyl)ethyl]-4-(1-methyl-1H-pyrazol-4-yl)- N^6 -
(pyrazin-2-yl)pyridine-2,6-diamine
tyrosine kinase inhibitor

ilginatinib

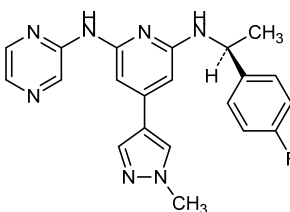
N^2 -[(1S)-1-(4-fluorophényl)éthyl]-4-(1-méthyl-1H-pyrazol-4-yl)- N^6 -
(pyrazin-2-yl)pyridine-2,6-diamine
inhibiteur de la tyrosine kinase

ilginatinib

N^2 -[(1S)-1-(4-fluorofenil)etil]-4-(1-metil-1H-pirazol-4-il)- N^6 -(pirazin-2-
il)piridina-2,6-diamina
inhibidor de la tirosina kinasa

C₂₁H₂₀FN₇

1239358-86-1

**iodinum (¹³¹I) apamistamabum #**iodine (¹³¹I) apamistamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PTPRC (protein tyrosine phosphatase receptor type C, GP180, LCA, T200, CD45)], *Mus musculus* monoclonal antibody, conjugated on six tyrosyl, to iodine (¹³¹I);
gamma1 heavy chain (1-444) [*Mus musculus* VH (IGHV4-1*02 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.14] (1-121) -*Mus musculus* IGHG1*02 (CH1 Q100>E (199) (122-218), hinge (219-231), CH2 K81>Q (288), I84.3>F (294) (232-338), CH3 N27>D (369) (339-443), CHS (444-445)) (122-445)], (223-218')-disulfide with kappa light chain (1'-218') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV3-12*01 (98.0%) -IGKJ4*01 (100%)) [10.3.9] (1'-111') -*Mus musculus* IGKC*01 (100%) (112'-218'))]; dimer (225-225":228-228":230-230")-trisulfide; conjugated on 6 tyrosyl (2 per H chain and 1 per L chain), to iodine (¹³¹I)
immunomodulator, antineoplastic

iodine (¹³¹I) apamistamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PTPRC (protéine tyrosine phosphatase de type récepteur C, GP180, LCA, T200, CD45)], *Mus musculus* anticorps monoclonal, conjugué sur 6 tyrosyl, à l'iode (¹³¹I);
chaîne lourde gamma1 (1-444) [*Mus musculus* VH (IGHV4-1*02 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.14] (1-121) -*Mus musculus* IGHG1*02 (CH1 Q100>E (199) (122-218), charnière (219-231), CH2 K81>Q (288), I84.3>F (294) (232-338), CH3 N27>D (369) (339-443), CHS (444-445)) (122-445)], (223-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-218') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV3-12*01 (98.0%) -IGKJ4*01 (100%)) [10.3.9] (1'-111') -*Mus musculus* IGKC*01 (100%) (112'-218'))]; dimère (225-225":228-228":230-230")-trisulfure; conjugué sur 6 tyrosyl (2 par chaîne H et 1 par chaîne L) à l'iode (¹³¹I)
immunomodulateur, antinéoplasique

iodo (¹³¹I) apamistamab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PTPRC (proteína tirosina fosfatasa de tipo receptor C, GP180, LCA, T200, CD45)], *Mus musculus* anticuerpo monoclonal, conjugado con 6 restos tirosil, al iodo (¹³¹I); cadena pesada gamma1 (1-444) [*Mus musculus* VH (IGHV4-1*02 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%))] [8.8.14] (1-121) -*Mus musculus* IGHG1*02 (CH1 Q100>E (199) (122-218), bisagra (219-231), CH2 K81>Q (288), I84.3>F (294) (232-338), CH3 N27>D (369) (339-443), CHS (444-445)) (122-445)], (223-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-218') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV3-12*01 (98.0%) -IGKJ4*01 (100%))] [10.3.9] (1'-111') -*Mus musculus* IGKC*01 (100%) (112'-218'); dímero (225-225":228-228":230-230")-trisdisulfuro; conjugado con 6 restos tirosil (2 por cadena H y 1 por cadena L) al iodo (¹³¹I)
inmunomodulador, antineoplásico

2097132-02-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

EVKLLLESGGG LVQPGGSLKL SCAASGFDFP RYWMWVRQA PGKLEWIGE 50
INPTSSSTINF TPSLKDQVFI SRDNAKNTLY LQMSKVRSED TALYICARGN 100
YYRYGDAMDY WQGGTSTVVS SAKTTPPSVY PLAPGSAQT NSMVTLGCLV 150
KGYFFPEFVTV TWNSGSLSSG VHTFPAVLQS DLYTLSSSVT VPSSTWFSST 200
VTCNVAHPAS STKVDKKIIV RDCGCKPCIC TVPEVSSVFI FPKPKDVLIT 250
ITLTFRKVTVC VVDISKDDPE VQFSWFVDDV EVHTAQTPR EBQFNSTFRS 300
VSELPIMHQD WLNKGKFKCR VNSAAFPAPI EKTISKTKGR PKAPQVYTIIP 350
PPKQMAKDK VSLTCMITDF FPEDITVEWQ WNGQPAENYK NTQPIMDTDG 400
SYFVYSKLVV QKSNWEAGNT FTCSVLHEGL HHHHTEKSLS HSPGK 445

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

DIALTQSPAS LAVSLGQRAT ISCRASKSVS TSGSYLHWY QQKPGQPPKL 50
LIYLASNLES GVPARFSGSG SGTDFTLNIH PVEEEDAATY YCQHSRELPF 100
TFSGSGLKLEI KRADAAPTVS IFPPSSBQLT SGGASVVCPL NNFYPKDINV 150
KWKIDGSEKQ NGVLNSWTDQ DSKDSTYSMS STLTLTKDEY ERHNSYTCFA 200
THKTSTSPIV KSFNRNEC 218

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

```

Intra-H (C23-C104) 22-96 148-203 259-319 365-423
                  22"-96" 148"-203" 259"-319" 365"-423"
Intra-L (C23-C104) 23"-92" 138"-198"
                  23"-92" 138"-198"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-218" 223"-218"
Inter-H-H (h7, h 10, h 12) 225-225" 228-228" 230-230"

```

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

295, 295"

Mus musculus hybridoma-type glycans / glycanes de type hybridome de *Mus musculus* /
glicanos de tipo hibridoma de *Mus musculus*

Iodination sites / Sites d'iodation / Posiciones de yodación

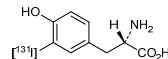
radiolabeled 3-[¹³¹I]iodotyrosine

H VH Y109, Y110: 101 or 102, 101" or 102"

H CH3 Y85 2, Y86: 402 or 405, 402" or 405"

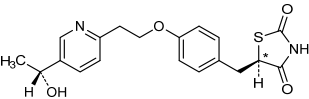
L V-KAPPA Y36, Y38, Y42: 334" or 36" or 40",

34" or 36" or 40"



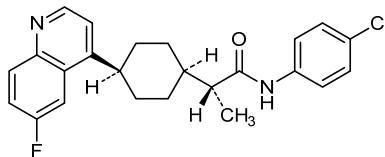
lenzumestrocelum
lenzumestrocel

human culture expanded autologous mesenchymal stromal cells for cell-based therapy. Cells are derived from isolated bone marrow of the patient. Cells express surface markers CD29, CD44, CD73, CD105 and CD49 and are intended to mediate immunomodulatory and neuroprotective effects
cell therapy substance (immunomodulator)

lenzestrocel	cellules mésenchymales stromales humaines, autologues, expansées pour thérapie cellulaire. Les cellules sont dérivées de la moelle osseuse du patient. Les cellules expriment les marqueurs de surface CD29, CD44, CD73, CD105 et CD49, et sont destinées à avoir des effets immunomodulateurs et neuroprotecteurs. <i>substance de thérapie cellulaire (immunomodulateur)</i>
lenzestrocel	células mesenquimales estromales, autólogas, humanas, expandidas en cultivo para terapia celular. Las células derivan de médula ósea aislada del paciente. Las células expresan los marcadores de superficie CD29, CD44, CD73, CD105 y CD49, y se pretende que medien en efectos inmunomoduladores y neuroprotectores. <i>sustancia de terapia celular (immunomodulador)</i>
leriglitazonum leriglitazone	<i>rac</i> -(5 <i>R</i>)-5-[[4-(2-{5-[(1 <i>RS</i>)-1-hydroxyethyl]pyridin-2-yl}ethoxy)phenyl]methyl]-1,3-thiazolidine-2,4-dione <i>peroxisome proliferator activated receptor (PPAR) gamma agonist</i>
lériglitazone	<i>rac</i> -(5 <i>R</i>)-5-[[4-(2-{5-[(1 <i>RS</i>)-1-hydroxyéthyl]pyridin-2-yl}éthoxy)phényl]méthyl]-1,3-thiazolidine-2,4-dione <i>agoniste des récepteurs gamma activés par les proliférateurs de peroxysomes</i>
leriglitazona	<i>rac</i> -(5 <i>R</i>)-5-[[4-(2-{5-[(1 <i>RS</i>)-1-hidroxietil]piridin-2-il}etoxi)fenil]metil]-1,3-tiazolidina-2,4-diona <i>agonista de los receptores gamma activados por los factores de proliferación de peroxisomas</i>
	$C_{19}H_{20}N_2O_4S$ 146062-44-4
	 its epimer at C* and their enantiomers son épimère en C* et leurs énantiomères su epimero al C* y sus enantiómeros
linrodostatium linrodostat	(2 <i>R</i>)- <i>N</i> -(4-chlorophenyl)-2-[<i>cis</i> -4-(6-fluoroquinolin-4-yl)cyclohexyl]propanamide <i>antineoplastic</i>
linrodostat	(2 <i>R</i>)- <i>N</i> -(4-chlorophényl)-2-[<i>cis</i> -4-(6-fluoroquinoléin-4-yl)cyclohexyl]propanamide <i>antineoplasique</i>
linrodostat	(2 <i>R</i>)- <i>N</i> -(4-clorofenil)-2-[<i>cis</i> -4-(6-fluoroquinolein-4-il)ciclohexil]propanamida <i>antineoplásico</i>

C₂₄H₂₄ClFN₂O

1923833-60-6



lisocabtagenum maraleucelum #
lisocabtagene maraleucel

human culture expanded genetically modified autologous T cells for cell-based gene therapy. CD4+ CD8+ T Cells are derived from isolated blood of the patient and are transduced with non-replicative self-inactivating (SIM) lentiviral vector encoding an FMC63 anti-CD19 single chain variable fragment (scFv) IgG4 hinge region/CD28/CD137 (4-1BB)/CD3zeta chimeric antigen receptor (CAR) and a truncated form of the human epidermal growth factor receptor (EGFRt) under the control of the elongation factor 1-alpha (EF1-alpha)/R region from the human T cell leukaemia virus 1 (HTLV-1 R) composite promoter. Cells exhibit anti-tumoral activity in patients with CD19-expressing B cell malignancies.
cell genetically modified (antineoplastic)

lisocabtagène maraleucel

lymphocytes T humains autologues en culture d'expansion et génétiquement modifiés pour thérapie génique avec cellules. Les lymphocytes T CD4+ et CD8+ sont dérivés du sang prélevé chez le patient et sont transduits avec un vecteur lentiviral non-répliquant et auto-inactivant codant pour un récepteur de l'antigène chimérique (CAR) consistant en un fragment variable de la chaîne unique (scFv) de l'anticorps FMC63 anti-CD-19, une région charnière de IgG4/CD28/CD137 (4-1BB)/CD3zêta et une forme tronquée du récepteur du facteur de croissance épidermique humain (EGFRt) sous le contrôle d'un promoteur composé du facteur d'élongation 1-alpha (EF1-alfa)/région R du virus T-lymphotrope humain (HTLV-1 R). Les cellules montrent une activité anti-tumorale chez les patients atteints de tumeurs malignes des lymphocytes B exprimant le CD-19.
cellule génétiquement modifiée (antinéoplasique)

lisocabtagén maraleucel

Linfocitos T autólogos, modificados genéticamente, humanos, expandidos en cultivo para terapia génica con células. Los linfocitos T CD4+ y CD8+ se derivan de sangre aislada del paciente y se transducen con un vector lentiviral no replicativo y autoinactivante que codifica para un receptor de antígeno quimérico (CAR) consistente en un fragmento variable de cadena sencilla (scFv) del anticuerpo FMC63 anti-CD19, una región bisagra de

	IgG4/CD28/CD137 (4-1BB)/CD3zeta y una forma truncada del receptor del factor de crecimiento epidérmico humano (EGFRt) bajo el control de un promotor compuesto del factor de elongación 1-alfa (EF1-alfa)/región R del virus de la leucemia humana de linfocitos T (HTLV-1 R). Las células poseen actividad anti-tumoral en pacientes con cánceres de linfocitos B que expresan CD19. <i>célula modificada genéticamente (antineoplásico)</i>
marstacimabum # marstacimab	immunoglobulin G1-lambda, anti-[<i>Homo sapiens</i> TFPI (tissue factor pathway inhibitor, extrinsic pathway inhibitor, EPI, lipoprotein-associated coagulation inhibitor, LACI)], <i>Homo sapiens</i> monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-449) [<i>Homo sapiens</i> VH (IGHV3-23*01 (100%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%)) [8.8.13] (1-120) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), hinge (219-233), CH2 L1.4>A (237), L1.3>A (238), G1>A (240) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-217')-disulfide with lambda light chain (1'-218')] [<i>Homo sapiens</i> V-LAMBDA (IGLV1-40*01 (100%) - IGLJ2*01 (100%)) [9.3.12] (1'-112') - <i>Homo sapiens</i> IGLC2*01 (113-218')]]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide <i>haemostatic</i>
marstacimab	immunoglobuline G1-lambda, anti-[<i>Homo sapiens</i> TFPI (inhibiteur de la voie du facteur tissulaire, inhibiteur de la voie extrinsèque, EPI, inhibiteur de la coagulation associé aux lipoprotéines, LACI)], <i>Homo sapiens</i> anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-449) [<i>Homo sapiens</i> VH (IGHV3-23*01 (100%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%)) [8.8.13] (1-120) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), charnière (219-233), CH2 L1.4>A (237), L1.3>A (238), G1>A (240) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-217')-disulfure avec la chaîne légère lambda (1'-218')] [<i>Homo sapiens</i> V-LAMBDA (IGLV1-40*01 (100%) - IGLJ2*01 (100%)) [9.3.12] (1'-112') - <i>Homo sapiens</i> IGLC2*01 (113-218')]]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure <i>hémostatique</i>
marstacimab	inmunoglobulina G1-lambda, anti-[<i>Homo sapiens</i> TFPI (inhibidor de la vía del factor tisular, inhibidor de la vía extrínseca, EPI, inhibidor de la coagulación asociado a las lipoproteínas, LACI)], <i>Homo sapiens</i> anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-449) [<i>Homo sapiens</i> VH (IGHV3-23*01 (100%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%)) [8.8.13] (1-120) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), bisagra (219-233), CH2 L1.4>A (237), L1.3>A (238), G1>A (240) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-217')-disulfuro con la cadena ligera

lambda (1'-218') [*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGLV1-40*01 (100%) -IGLJ2*01 (100%)) [9.3.12] (1'-112') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (113-218')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro
hemostático

1985638-39-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYAMSWVRQA PGKLEWVSA 50
ISGSGGSTYY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCALIG 100
ATSLSAFDIW GQGTMTVTVSS ASTKGPSPVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFFPEPVTVS WNSGALVTSGV HTFFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKHTHTCP PCPAPAAAGA PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTI S KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEVESNGQP ENNYKTTTPV 400
LDSDSGFPLY SKLTVDKSRW QQGNVFCVSV MHEALHNYT QKSLSLSPG 449
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
QSVLTQPPSV SGAPGQRVTI SCTGSSSNIG AGYDVHWYQQ LPGTAPKLLI 50
YGNNSNRPSGV PDRFSGSKSG TSASLAITGL QAEDEADYYC QSYDSSLGSG 100
GVFGGGTKLT VLGQPKAAPS VTLFPPSSEE LQANKATLVC LISDFYPGAV 150
TVAWKADSSP VKAGVETTFP SKQSNKYYAA SSVLSLTPEQ WKSHRSYSCQ 200
VTHEGSTVEK TVAPTECS 218
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 22"-90" 140"-199"
22"-90" 140"-199"

Inter-H-L (h5-CL 126) 223-217" 223"-217"

Inter-H-H (h11, h 14) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados

masupirdinum

masupirdine

1-(2-bromobenzene-1-sulfonyl)-5-methoxy-3-[(4-methylpiperazin-1-yl)methyl]-1*H*-indole
serotonin receptor antagonist

masupirdine

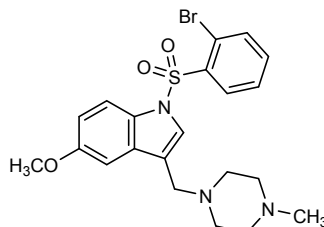
1-(2-bromobenzène-1-sulfonyl)-5-méthoxy-3-[(4-méthylpipérazin-1-yl)méthyl]-1*H*-indole
antagoniste des récepteurs de la sérotonine

masupirdina

1-(2-bromobenceno-1-sulfonyl)-5-metoxi-3-[(4-metilpiperazin-1-il)metil]-1*H*-indol
antagonista del receptor de la serotonina

C₂₁H₂₄BrN₃O₃S

701205-60-9



miricorilantum

miricorilant

6-(*trans*-4-phenylcyclohexyl)-5-[[3-(trifluoromethyl)phenyl]methyl]pyrimidine-2,4(1*H*,3*H*)-dione
glucocorticoid receptor antagonist

miricorilant

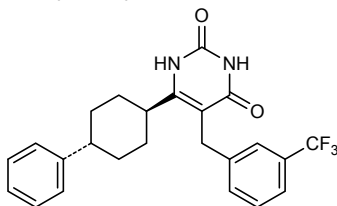
6-(*trans*-4-phénylcyclohexyl)-5-[[3-(trifluorométhy)phényl]méthyl]pyrimidine-2,4(1*H*,3*H*)-dione
antagoniste des récepteurs glucocorticoïdes

miricorilant

6-(*trans*-4-fenilciclohexil)-5-[[3-(trifluorometil)fenil]metil]pirimidina-2,4(1*H*,3*H*)-diona
antagonista de los receptores glucocorticoides

C₂₄H₂₃N₂O₂F₃

1400902-13-7

**mivavotinibum**

mivavotinib

6-[[[(1*R*,2*S*)-2-aminocyclohexyl]amino]-7-fluoro-4-(1-methyl-1*H*-pyrazol-4-yl)-1,2-dihydro-3*H*-pyrrolo[3,4-*c*]pyridin-3-one
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

mivavotinib

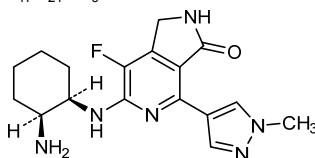
6-[[[(1*R*,2*S*)-2-aminocyclohexyl]amino]-7-fluoro-4-(1-méthyl-1*H*-pyrazol-4-yl)-1,2-dihydro-3*H*-pyrrolo[3,4-*c*]pyridin-3-one
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

mivavotinib

6-[[[(1*R*,2*S*)-2-aminociclohexil]amino]-7-fluoro-4-(1-metil-1*H*-pirazol-4-il)-1,2-dihidro-3*H*-pirrolo[3,4-*c*]piridin-3-ona
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₁₇H₂₁FN₆O

1312691-33-0

**murlentamabum #**

murlentamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* AMHR2 (anti-Müllerian hormone (AMH) receptor type 2, Müllerian inhibiting substance type II receptor, MISRII, MISR2)], humanized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-445) [humanized VH (*Homo sapiens*IGHV1-3*01 (90.8%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.8] (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (212) (116-213), hinge (214-228), CH2 (229-338), CH3 D12 (354), M14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-213')-disulfide with kappa light chain (1'-213') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*01 (86.2%) -IGKJ4*01 (100%)) [5.3.9] (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191)(107'-213')]; dimer (224-224':227-227')-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

murlentamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* AMHR2 (récepteur de type 2 de l'hormone anti- mullérienne, récepteur de type II de la substance inhibitrice mullérienne, MISRII, MISR2)], anticorps monoclonal humanisé;

chaîne lourde gamma1 (1-445) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (90.80%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.8] (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (212) (116-213), charnière (214-228), CH2 (229-338), CH3 D12 (354), M14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-213')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-213') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-5*01 (86.2%) -IGKJ4*01 (100%)) [5.3.9] (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (107'-213')]; dimère (224-224":227-227")-bisdisulfure

immunomodulateur, antinéoplasique

murlentamab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* AMHR2 (receptor de tipo 2 de la hormona anti- mulleriana, receptor de tipo II de la sustancia inhibidora mulleriana, MISRII, MISR2)], anticuerpo monoclonal humanizado;

cadena pesada gamma1 (1-445) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (90.80%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.8] (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (212) (116-213), bisagra (214-228), CH2 (229-338), CH3 D12 (354), M14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-213') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-5*01 (86.2%) -IGKJ4*01 (100%)) [5.3.9] (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (107'-213')]; dímero (224-224":227-227")-bisdisulfuro

immunomodulador, antineoplásico

2058047-65-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
QVRLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT SYHIHWVRQA PGRLEWMMGW 50
IYPGDDSTKY SQKFGQGRVTI TRDTSASTAY MELSSLRSED TAVYYCTRGD 100
RFAYWQQGTL VTVSSASTKG PSVFFLAPSS KSTSGGTAAL GCLVKDYFPE 150
PVTVSWNSGA LTVSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVFVSS LGTQTYICNV 200
NHKPSNTKVD KRVEPKSCDK THTCPFPCPAP ELLGGPSVFL FPPKPKDTLM 250
ISRTPEVTCV VVDVSHEDPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQYNSTYRV 300
VSVLTVLHQD WLNKGKEYKCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ PREPQVYTLF 350
PSRDELTKNQ VSLTCLVKG FVPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400
SFFLYSKLTV DKSRRQQGNV FSCSVHHEAL HNHYTQKSL SLPK 445
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPST LSASVGDRTV ITCRASSSRV YIAWYQQKPG KAPKLLTYPT 50
SSLKSGVPSR FSGSGSGTEF TLTISSLQPD DFATYYCLQW SSYPWFVGG 100
TKVEIKRTVA APSVFIKPPS DEQLKSGTAS VVCLLNFFYP REAKVQNKVD 150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYSLSSLTLL SKADYERKHKV YACEVTHQGL 200
SSPVTKSFNR GEC 213
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 142-198 259-319 365-423
22"-96" 142"-198" 259"-319" 365"-423"

Intra-L (C23-C104) 23-87 133-193"
23"-87" 133"-193"

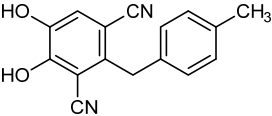
Inter-H-L (h 5-CL 126) 218-213' 218"-213"

Inter-H-H (h 11, h 14) 224-224" 227-227"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

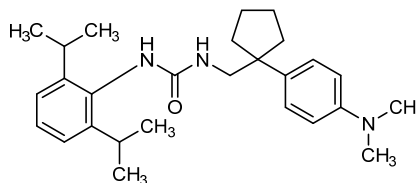
H CH2 N84.4: 295, 295"

Low fucosylated complex bi-antennary rat myeloma YB2/0-type glycans / glycanes de type myélocme de rat YB2/0 bi-antennaires complexes faiblement fucosylés / glicanos de tipo mieloma de rata YB2/0 biantenarijos complejos bajo fucosilados

neluxicapomum neluxicapone	4,5-dihydroxy-2-[(4-methylphenyl)methyl]benzene-1,3-dicarbonitrile <i>antiparkinsonian</i>
néluxicapone	4,5-dihydroxy-2-[(4-méthylphényl)méthyl]benzène-1,3-dicarbonitrile <i>antiparkinsonien</i>
neluxicapona	4,5-dihidroxi-2-[(4-metilfenil)metil]benzeno-1,3-dicarbonitrilo <i>antiparkinsoniano</i>
	C ₁₆ H ₁₂ N ₂ O ₂ 1498323-18-4
	
nerinetidum nerinetide	L-tyrosylglycyl-L-arginyl-L-lysyl-L-lysyl-L-arginyl-L-arginyl-L-glutamyl-L-arginyl-L-arginyl-L-lysyl-L-leucyl-L-seryl-L-seryl-L-isoleucyl-L-α-glutamyl-L-seryl-L-α-aspartyl-L-valine <i>neurological agent</i>
nérinétide	L-tyrosylglycyl-L-arginyl-L-lysyl-L-lysyl-L-arginyl-L-arginyl-L-glutamyl-L-arginyl-L-arginyl-L-lysyl-L-leucyl-L-séryl-L-séryl-L-isoleucyl-L-α-glutamyl-L-séryl-L-α-aspartyl-L-valine <i>agent neurologique</i>
nerinetida	L-tirosilglicil-L-arginil-L-lisil-L-lisil-L-arginil-L-arginil-L-glutaminiil-L-arginil-L-arginil-L-arginil-L-lisil-L-leucil-L-seril-L-seril-L-isoleucil-L-α-glutamil-L-seril-L-α-aspartil-L-valina <i>agente neurológico</i>
	C ₁₀₅ H ₁₈₈ N ₄₂ O ₃₀ 500992-11-0
	H-Tyr-Gly-Arg-Lys-Lys-Arg-Arg-Gln-Arg-Arg- 10 -Arg-Lys-Leu-Ser-Ser-Ile-Glu-Ser-Asp-Val-OH 20
nevanimibum nevanimibe	N-({1-[4-(dimethylamino)phenyl]cyclopentyl)methyl}-N'-[2,6-di(propan-2-yl)phenyl]urea <i>acyl CoA:cholesterol acyltransferase (ACAT) inhibitor</i>
névanimibe	N-({1-[4-(diméthylamino)phényl]cyclopentyl)méthyl}-N'-[2,6-di(propan-2-yl)phényl]urée <i>inhibiteur de l'acyl CoA:cholestérol acyltransférase</i>
nevanimiba	N-({1-[4-(dimetilamino)fenil]ciclopentil}metil)-N'-[2,6-di(propan-2-il)fenil]urea <i>inhibidor de l'acyl CoA:colesterolo aciltransferasa</i>

C₂₇H₃₉N₃O

133825-80-6

**nirsevimabum #**

nirsevimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[human respiratory virus (RSV) fusion glycoprotein F], monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain (1-456) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (82.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%))] [8.8.19] (1-126) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (223) (127-224), hinge (225-239), CH2 M15.1>Y (261), S16>T (263), T18>E (265) (240-349), CH3 E12 (365), M14 (367) (350-454), CHS (455-456)) (127-456)], (229-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (93.7%) -IGKJ4*01 (100%))] [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214'); dimer (235-235'':238-238'')-bisdisulfide
immunomodulator, antiviral

nirsévimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[glycoprotéine de fusion F du virus respiratoire syncytial (VRS) humain], anticorps monoclonal;
 chaîne lourde gamma1 (1-456) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (82.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%))] [8.8.19] (1-126) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (223) (127-224), charnière (225-239), CH2 M15.1>Y (261), S16>T (263), T18>E (265) (240-349), CH3 E12 (365), M14 (367) (350-454), CHS (455-456)) (127-456)], (229-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (93.7%) -IGKJ4*01 (100%))] [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214'); dimère (235-235'':238-238'')-bisdisulfure
immunomodulateur, antiviral

nirsevimab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[glicoproteína de fusión F del virus respiratorio sincitial (VRS) humano], anticuerpo monoclonal;
 cadena pesada gamma1 (1-456) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (82.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%))] [8.8.19] (1-126) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (223) (127-224), bisagra (225-239), CH2 M15.1>Y (261), S16>T (263), T18>E (265) (240-349), CH3 E12 (365), M14 (367) (350-454), CHS (455-456)) (127-456)], (229-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (93.7%) -IGKJ4*01 (100%))] [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214'); dímero (235-235'':238-238'')-bisdisulfuro
immunomodulador, antiviral

1989556-22-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGSSVMV SCQASGGLLE DYIINWVRQA PGQGPEMGG 50
 IIPVLGTVHY GPKFQGRVTI TADESTDTAY MELSSLRSED TAMYCATET 100
 ALVVSEYILP HYFDNWGQGT LVTVSSASTK GPSVFFLAPS SKSTSGGTAA 150
 LGCLVKDYFP EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVVTVPSS 200
 SLGTQTYICN VNHKPSNTRV DKRVEPKSCD KHTCPCPPA PELLGGPVSF 250
 LFPPKPKDTL YITREPEVTC VVVDVSHEDP EVKFNWYVDG VEVHNAKTKP 300
 REEQYNSTYR VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNKALPAP IEKTIKAKG 350
 QPREPQVYTL PPSREEMTRN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQQPENNY 400
 KTTPPVLDSD GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCSVMHEA LHNHYTQKSL 450
 SLSPGK 456

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS LSAAVGDRVT ITCQASQDIV NYLNWYQQKPK GKAPKLLIYV 50
 ASNLETGVPS RFGSGSGGTD FSLTISLQPE EDVATYYCQQ YDNLFLTFGG 100
 GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYERHK VYACEVTHQG 200
 LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 153-209 270-330 376-434
 22"-96" 153"-209" 270"-330" 376"-434"

Intra-L (C23-C104) 23"-88' 134"-194"
 23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h5-CL 126) 229-214" 229"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 235-235" 238-238"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

306, 306"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

nomacopanum

nomacopan

complement inhibitor from *Ornithodoros moubata* (soft tick or Argasid tick), produced in *Escherichia coli*
complement factor C5 inhibitor

nomacopan

inhibiteur du complément de *Ornithodoros moubata* (tique molle ou Argasidé), produit dans *Escherichia coli*
inhibiteur du facteur C5 du complément

nomacopán

inhibidor del complemento de *Ornithodoros moubata* (garrapata o Argásido), producido en *Escherichia coli*
inhibidor del factor C5 del complemento

C₇₂₀H₁₁₀₇N₁₉₇O₂₄₄S₁₁

875125-19-2

Sequence / Séquence / Secuencia

DSESDCTGSE PVDFAQAFSE GKEAYVLVRS TDPKARDCLK GEPAGEKQDN 50
 TLPVMMTFKN GTDWASTDWT FTLDGAKVTA TLGNLTQNRE VVYDSQSHHC 100
 HVDKVEKEVP DYEMWMLDAG GLEVEVECCR QKLEELASGR NQMYPHLKDC 150

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
6-128 38-150 100-129

obexelimabum #
obexelimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD19 (B lymphocyte surface antigen B4, Leu-12)], monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain (1-451) [VH (*Mus musculus*IGHV1-14*01 (77.6%)/*Homo sapiens*IGHV1-3*01 (73.5%) - (IGHD)-*Homo sapiens*IGHJ4*01 (100%)) [8.8.14] (1-121) - *Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (218) (122-219), hinge (220-234), CH2 S29>E (271), L113>F (332) (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-219')-disulfide with kappa light chain (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV2-137*01 (75.0%)/*Homo sapiens*IGKV3D-11*03 (73.7%) -*Homo sapiens*IGKJ2*01 (90.9%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens*IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide
immunomodulator

obéxélimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD19 (antigène de surface B4 des lymphocytes B, Leu-12)], anticorps monoclonal;
chaîne lourde gamma1 (1-451) [VH (*Mus musculus*IGHV1-14*01 (77.6%)/*Homo sapiens*IGHV1-3*01 (73.5%) - (IGHD)-*Homo sapiens*IGHJ4*01 (100%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (218) (122-219), charnière (220-234), CH2 S29>E (271), L113>F (332) (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV2-137*01 (75.0%)/*Homo sapiens*IGKV3D-11*03 (73.7%) -*Homo sapiens*IGKJ2*01 (90.9%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens*IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure
immunomodulateur

obexelimab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD19 (antígeno de superficie B4 de los linfocitos B, Leu-12)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma1 (1-451) [VH (*Mus musculus*IGHV1-14*01 (77.6%)/*Homo sapiens*IGHV1-3*01 (73.5%) - (IGHD)-*Homo sapiens*IGHJ4*01 (100%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (218) (122-219), bisagra (220-234), CH2 S29>E (271), L113>F (332) (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV2-137*01 (75.0%)/*Homo sapiens*IGKV3D-11*03 (73.7%) -*Homo sapiens*IGKJ2*01 (90.9%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens*IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro
immunomodulador

1690307-05-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVQLVESGGG LVKPGGSLK SCAASGYTFT SYVMHWVRQA PGKGLEWIGY 50
 INFYNDGTKY NEKFGQGRVTI SSDKSISTAY MELSSLRSERD TAMYICARGT 100
 YYYGTRVFDY WQQGTLVTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150
 KDYFPEPVTV SWNSGALTSV VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ 200
 TYICNVNHKP SNTKVDKKVE PKSCDKTHTC PFCPAPELLG GPSVFLFPPK 250
 PKDTLMISRT PEVTCVVVDV EHEDEPEVKFN WYVDGVEVHN ARTKPREEQY 300
 NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK AFPAPIEKTI SKAKGQPREP 350
 QVYTLPPSRE EMTKNQVSLT CLVKGFPYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTTP 400
 VLDSDSGSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFCSS VMHEALHNNHY TQKSLSLSPG 450
 K 451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIVMTQSPAT LSLSPGERAT LSCRSSKSLQ NVNGNTYLYW FQQKFGQSPQ 50
 LLIYRMSNLN SGVPDRFSGS GSGTEFTLTI SLELEPDAV YYCMQHLEYP 100
 ITFGAGTKLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCVCL LNNFYPREAK 150
 VQWVKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSITYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
 VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 148-204 265-325 371-429
 22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"

Intra-L (C23-C104) 23"-93" 139"-199"
 23"-93" 139"-199"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 224-219" 224"-219"

Inter-H-H (h 11, h 14) 230-230" 233-233"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

301, 301"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

odevixibat

odevixibat

(2S)-2-[(2R)-2-(2-[[3,3-dibutyl-7-(methylsulfanyl)-1,1-dioxo-5-phenyl-2,3,4,5-tetrahydro-1H-1λ⁶,2,5-benzothiadiazepin-8-yl]oxy]acetamido)-2-(4-hydroxyphenyl)acetamido]butanoic acid
ileal bile acid transporter inhibitor

odévixibat

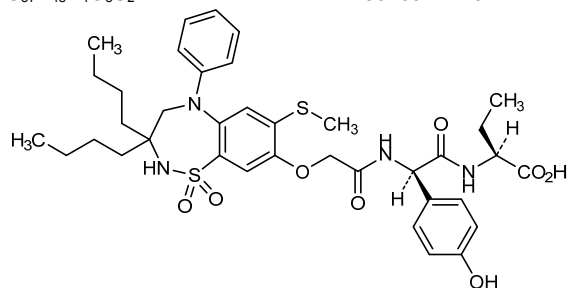
acide (2S)-2-[(2R)-2-(2-[[3,3-dibutyl-7-(méthylsulfanyl)-1,1-dioxo-5-phényl-2,3,4,5-tétrahyd-ro-1H-1λ⁶,2,5-benzothiadiazépin-8-yl]oxy]acétamido)-2-(4-hydroxyphényl)acétamido]butanoïque
inhibiteur du transporteur iléal d'acides biliaires

odevixibat

ácido (2S)-2-[(2R)-2-(2-[[3,3-dibutyl-7-(metilsulfanil)-1,1-dioxo-5-fenil-2,3,4,5-tetrahid-ro-1H-1λ⁶,2,5-benzotiadiazepin-8-il]oxi]acetamido)-2-(4-hidroxifenil)acetamido]butanoico
inhibidor del transportador ilíaco de ácidos biliares

C₃₇H₄₈N₄O₈S₂

501692-44-0



olacافتورم

olacافتور

N-(benzenesulfonyl)-6-[3-fluoro-5-(2-methylpropoxy)phenyl]-2-[(4*S*)-2,2,4-trimethylpyrrolidin-1-yl]pyridine-3-carboxamide
cystic fibrosis transmembrane regulator (CFTR) protein modulator

olacافتور

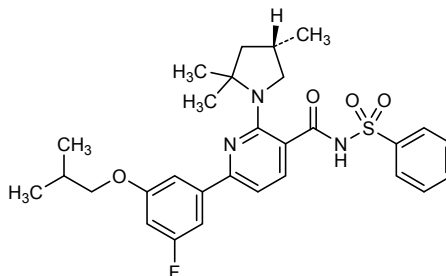
N-(benzènesulfonyl)-6-[3-fluoro-5-(2-méthylpropoxy)phényl]-2-[(4*S*)-2,2,4-triméthylpyrrolidin-1-yl]pyridine-3-carboxamide
modulateur de la protéine régulatrice de la perméabilité transmembranaire impliquée dans la mucoviscidose (CFTR)

olacافتور

N-(benzenosulfonyl)-6-[3-fluoro-5-(2-metilpropoxi)fenil]-2-[(4*S*)-2,2,4-trimetilpirrolidin-1-il]piridina-3-carboxamida
modulador de la proteína reguladora de la conductancia transmembrana de la fibrosis quística (CFTR)

C₂₉H₃₄FN₃O₄S

1897384-89-2

**olenasufligenum relduparvovecum #**

olenasufligene relduparvovec

A recombinant non-replicating adeno-associated virus serotype rh.10 (AAVrh.10) vector, comprised of a recombinant genome with the AAV2 Inverted Terminal Repeats (ITR) packaged into an AAVrh.10 capsid, expressing the human N-sulfoglucosamine sulfohydrolase (hSGSH) cDNA, under the control of the CMV immediate early enhancer/chicken β actin (CAG) promoter and a bovine hGH polyA transcription termination site.
gene therapy substance (mucopolysaccharidosis III)

olenasufligène relduparvovec

vecteur viral adéno-associé de sérotype rh.10 recombinant non-répliquant (AAVrh.10), comprenant un génome fait de séquences inverses terminales répétées (ITR) de AAV2 empaquetées dans une capsid de AAVrh.10, exprimant l'ADNc de la N-sulfoglucosamine sulfohydrolase humaine (hSGSH), sous le contrôle du promoteur du CMV (cytomégalo virus) immédiat précoce / du promoteur de l'actine β du poulet et une séquence poly A de la hGH bovine comme terminaison de la transcription.
substance pour thérapie génique (mucopolysaccharidose III)

olenasufligén relduparovec	<p>Un vector de virus adenoasociado recombinante no replicativo de serotipo rh.10 (AAVrh.10), compuesto por un genoma recombinante con las Repeticiones Terminales Invertidas (ITR) empaquetadas en una cápside de AAVrh.10, expresando el cDNA de la N-sulfoglucosamina sulfohidrolasa humana, bajo el control del enhancer inmediato temprano del CMV/promotor de la β actina de pollo y un sitio poli A de la hGH bovina como terminación de la transcripción.</p> <p><i>sustancia de terapia genica (mucopolisacaridosis III)</i></p> <p style="text-align: right;">2096510-84-6</p>
olinvacimabum # olinvacimab	<p>immunoglobulin G1_V-lambda-C-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> KDR (kinase insert domain receptor, vascular endothelial growth factor receptor 2, VEGFR2, VEGF-R2, FLK1, CD309)], monoclonal antibody;</p> <p>gamma1 heavy chain (1-462) [N-terminal 6-mer (1-6) -VH (<i>Homo sapiens</i>IGHV1-3*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.14] (7-127) -5-mer linker (128-132) -<i>Homo sapiens</i>IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (229) (133-230), hinge(231-245), CH2(246-355), CH3E12 (371), M14 (373) (356-460), CHS (461-462)) (133-462)], (235-227')-disulfide with V-lambda-C-kappa light chain (1'-227') [N-terminal 5-mer (1'-5') - V-LAMBDA (<i>Homo sapiens</i> IGLV3-21*01 (81.2%) -IGLJ1*01 (100%)) [6.3.10] (6'-112') -8-mer linker(113'-120') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 T1.3>S (122), Km3 A45.1 (166), V101 (204) (121'-227')]; dimer (241-241":244-244")-bisdisulfide</p> <p><i>immunomodulator, antineoplastic</i></p>
olinvacimab	<p>immunoglobuline G1_V-lambda-C-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> KDR (récepteur à domaine insert kinase, récepteur 2 du facteur de croissance endothélial vasculaire, VEGFR2, VEGF-R2, FLK1, CD309)], anticorps monoclonal;</p> <p>chaîne lourde gamma1 (1-462) [6-mer N-terminal (1-6) -VH (<i>Homo sapiens</i>IGHV1-3*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.14] (7-127) -5-mer linker (128-132) -<i>Homo sapiens</i>IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (229) (133-230), charnière (231-245), CH2(246-355), CH3E12 (371), M14 (373) (356-460), CHS (461-462)) (133-462)], (235-227')-disulfure avec la chaîne légère V-lambda-C-kappa (1'-227') [5-mer N-terminal (1'-5') -V-LAMBDA (<i>Homo sapiens</i> IGLV3-21*01 (81.2%) -IGLJ1*01 (100%)) [6.3.10] (6'-112') -8-mer linker (113'-120') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 T1.3>S (122), Km3 A45.1 (166), V101 (204) (121'-227')]; dimère (241-241":244-244")-bisdisulfure</p> <p><i>immunomodulateur, antinéoplasique</i></p>
olinvacimab	<p>inmunoglobulina G1_V-lambda-C-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> KDR (receptor con dominio inserto kinasa, receptor 2 del factor de crecimiento endotelial vascular, VEGFR2, VEGF-R2, FLK1, CD309)], anticuerpo monoclonal;</p>

cadena pesada gamma1 (1-462) [6-mer N-terminal (1-6) -VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%))] [8.8.14] (7-127) -5-mer ligante (128-132) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (229) (133-230), bisagra(231-245), CH2(246-355), CH3E12 (371), M14 (373) (356-460), CHS (461-462)) (133-462)], (235-227')-disulfuro con la cadena ligera V-lambda-C-kappa (1'-227') [5-mer N-terminal (1'-5') -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21*01 (81.2%) -IGLJ1*01 (100%))] [6.3.10] (6'-112') -8-mer ligante (113'-120') -*Homo sapiens* IGKC*01 T1.3>S (122), Km3 A45.1 (166), V101 (204) (121'-227')]; dímero (241-241":244-244")-bisdisulfuro
inmunomodulador, antineoplásico

2095504-49-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

AQPAMAQMQL VQSGAEVKKP GASVKLSCKA SGYTFSSYWM HWVRQAPGQR 50
LEWMGEINPG NGHTNYNEKF KSRVTITVDK SASTAYMELS SLRSEDNAVY 100
YCAKIWGPSL TSFFDYWQGG TLVTVSSGLG GLASTKGPVS FPLAPSSKST 150
SGGTAALGCL VKDYFPEPVV VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV 200
VTVPSSSLGT QTYICNVNHK PSNTKVDKRV EPKSCDKTHT CPPCPAPELL 250
GGFVFLFPP KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH 300
NAKTKPREEQ YNSTYRVVSV LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KALPAPIEKT 350
ISKAKGQPRE PQVYTLPPSR EEMTKNQVSL TCVLKGFPYS DIAVEWESNG 400
QPENNYKTFP VLVDSDGSEFF LYSKLTVDKS RWQQGNVFSK SVMHEALHSH 450
YTQKLSLSLP GK 462

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

SGVGSNFMFLT QPPSVSVSPG KTRITICRGD NLGDVNVHWY QQRPGQAPVL 50
VMYYDADRPS GIPERFSSGN SGNATLTIS GVEAGDEADY YCQVWDRITSE 100
YVFGTGTQVT VLGGSASLVE RSVAAPSVFI FPPSDEQLKS GTASVVCLLN 150
NFYPREAKVQ WKVDNALQSG NSQESVTEQD SKDSTYLSLS TLTLKSKADYE 200
KHKVYACEVT HQGLSSPVTK SFNRGEC 227

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 28-102 159-215 276-336 382-440
28"-102" 159"-215" 276"-336" 382"-440"
Intra-L (C23-C104) 27"-92" 147"-207"
27"-92" 147"-207"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 235-227" 235"-227"
Inter-H-H (h 11, h 14) 241-241" 244-244"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

312, 312"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados

olorinabum

olorinab

3-[(4a*S*,5a*S*)-3-[(2*S*)-1-hydroxy-3,3-dimethylbutan-2-yl]carbamoyl]-4,4a,5,5a-tetrahydro-1*H*-cyclopropa[4,5]cyclopenta[1,2-*c*]pyrazol-1-yl]pyrazine 1-oxide
cannabinoid CB2 receptor agonist

olorinab

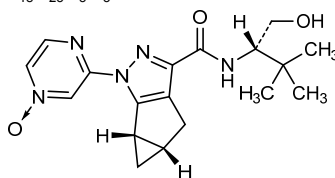
1-oxyde de 3-[(4a*S*,5a*S*)-3-[(2*S*)-1-hydroxy-3,3-diméthylbutan-2-yl]carbamoyl]-4,4a,5,5a-tétrahydro-1*H*-cyclopropa[4,5]cyclopenta[1,2-*c*]pyrazol-1-yl]pyrazine agoniste des récepteurs CB2 aux cannabinoïdes

olorinab

1-óxido de 3-[(4a*S*,5a*S*)-3-[(2*S*)-1-hidroxi-3,3-dimetilbutan-2-il]carbamoi]-4,4a,5,5a-tetrahidro-1*H*-ciclopropa[4,5]ciclopenta[1,2-*c*]pirazol-1-il]pirazina agonista del receptor CB2 de cannabinoïdes

C₁₈H₂₃N₅O₃

1268881-20-4



omburtamabum #
omburtamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD276 (B7H3, B7-H3, B7RP-2)], *Mus musculus* monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain (1-442) [*Mus musculus* VH (IGHV1-85*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (100%)) [8.8.11] (1-118) - *Mus musculus* IGHG1*02 (CH1 Q100>E (196) (119-215), hinge (216-228), CH2 K81>Q (285), I84.3>F (291) (229-335), CH3 N27>D (366) (336-440), CHS (441-442)) (119-442)], (220-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV5-39*01 (100%) -IGKJ5*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Mus musculus* IGKC*01 (100%) (108'-214')]; dimer (222-222'':225-225'':227-227'')-tridisulfide
immunomodulator, antineoplastic

omburtamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD276 (B7H3, B7-H3, B7RP-2)], *Mus musculus* anticorps monoclonal;
chaîne lourde gamma1 (1-442) [*Mus musculus* VH (IGHV1-85*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (100%)) [8.8.11] (1-118) - *Mus musculus* IGHG1*02 (CH1 Q100>E (196) (119-215), charnière (216-228), CH2 K81>Q (285), I84.3>F (291) (229-335), CH3 N27>D (366) (336-440), CHS (441-442)) (119-442)], (220-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV5-39*01 (100%) -IGKJ5*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Mus musculus* IGKC*01 (100%) (108'-214')]; dimère (222-222'':225-225'':227-227'')-tridisulfure
immunomodulateur, antinéoplasique

omburtamab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD276 (B7H3, B7-H3, B7RP-2)], *Mus musculus* anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma1 (1-442) [*Mus musculus* VH (IGHV1-85*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (100%)) [8.8.11] (1-118) -*Mus musculus* IGHG1*02 (CH1 Q100>E (196) (119-215), bisagra (216-228), CH2 K81>Q (285), I84.3>F (291) (229-335), CH3 N27>D (366) (336-440), CHS (441-442)) (119-442)], (220-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV5-39*01 (100%) -IGKJ5*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Mus musculus* IGKC*01 (100%) (108'-214')]; dímero (222-222'':225-225'':227-227'')-tridisulfuro
immunomodulador, antineoplásico

1895083-75-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLQQSGAE LVKPGASVKL SCKASGYFT NYDINWVRQR PEQGLEWIGW 50
 IFPGDGSYQY NEKFKGKATL TTDTSSTAY MQLSRLTSED SAVYFCARQT 100
 TATWFAYWQQ GTLVTVSAAR TTPPSVYPLA PGSAQTNSM VTLGCLVKGY 150
 FPPEVTVTWN SGLSSGVHT FPAVLQSDLY TLSSSVTVPS STWPSETVTC 200
 NVAHPASSTK VDKKIVPRDC GCKPCICTVP EVSSVFIFPP KPKDVLITIL 250
 TPKVTCVVVD ISKDDPEVQF SWFVDDVEVH TAQTQPREEQ FNSTFRSVSE 300
 LPIMHQDWLN GKEFKCRVNS AAFPAPIERT ISKTKGRPKA PQVYTIPTPK 350
 EQMAKDKVSL TCMITDFFPE DITVEWQWNG QPAENYKNTQ PIMDTDGSYF 400
 VYSRLNVQKS NWEAGNTFTC SVLHEGLHNN HTERKLSHSP GK 442

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIVMTQSPAT LSVTPGDRVS LSCRASQGIS DYLHWYQQKS HESPRLLIKY 50
 ASQSIIGIPS RFSGSGSGSD FTLSINSVEP EDVGVYYCQN GHSFPLTFGA 100
 GTKLELKRAD AAPTVISIFPP SSEQLTSGGA SVVCFLNIFY PKDINVKWKI 150
 DGSERQNGVL NSWTDQDSKD STYSMSSTLT LTKDEYERHN SYTCEATHKT 200
 STSPIVKSFN RNEC 214

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 145-200 256-316 362-420
 22'-96" 145°200' 256°-316" 362"-420"

Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194"
 23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 220-214' 220"-214"

Inter-H-H (h 7, h 10, h 12) 222-222" 225-225" 227-227"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4.

292, 292"

Mus musculus hybridoma-type glycans / glycanes de type hybridome de *Mus musculus* /
 glicanos de tipo hibridoma de *Mus musculus*

C-terminal lysine clipping:

H CHS K2.

442, 442"

(14.7% of H chain without the C-terminal lysine)

ontamalimabum #
 ontamalimab

immunoglobulin G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* MADCAM1 (mucosal vascular addressin cell adhesion molecule 1, mucosal addressin cell adhesion molecule-1, MAdCAM-1, MACAM1)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
 gamma2 heavy chain (1-450) [*Homo sapiens* VH (IGHV1-18*01 (93.9%) -(IGHD)-IGHJ6*01 (100%)) [8.8.17] (1-124) -*Homo sapiens* IGHG2*01, G2m.. (CH1 (125-222), hinge (223-234), CH2 V45.1 (285) (235-343), CH3 (344-448), CHS (449-450)) (125-450)], (138-219')-disulfide with kappa light chain (1'-219') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV2D-29*1 (96.0%) -IGKJ1*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (226-226":227-227":230-230":233-233")-tetrakisdisulfide
 immunomodulator

ontamalimab

immunoglobuline G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* MADCAM1 (molécule 1 d'adhésion cellulaire adressine de muqueuse vasculaire, molécule-1 d'adhésion cellulaire adressine de muqueuse, MAdCAM-1, MACAM1)], *Homo sapiens* anticorps monoclonal;
 chaîne lourde gamma2 (1-450) [*Homo sapiens* VH (IGHV1-18*01 (93.9%) -(IGHD)-IGHJ6*01 (100%)) [8.8.17] (1-124) -*Homo sapiens* IGHG2*01, G2m.. (CH1 (125-222), charnière (223-234), CH2 V45.1 (285) (235-343), CH3 (344-448), CHS (449-450)) (125-450)], (138-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-219') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV2D-29*1 (96.0%) -IGKJ1*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (226-226":227-227":230-230":233-233")-tétrakisdisulfure
 immunomodulateur

ontamalimab

inmunoglobulina G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* MADCAM1 (molécula 1 de adhesión celular adreína de mucosa vascular, molécula-1 de adhesión celular adreína de mucosa, MADCAM-1, MACAM1)], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma2 (1-450) [*Homo sapiens* VH (IGHV1-18*01 (93.9%)-(IGHD)-IGHJ6*01 (100%)) [8.8.17] (1-124) -*Homo sapiens* IGHG2*01, G2m.. (CH1 (125-222), bisagra (223-234), CH2 V45.1 (285) (235-343), CH3 (344-448), CHS (449-450)) (125-450)], (138-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-219') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV2D-29*1 (96.0%)-IGKJ1*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (226-226":227-227":230-230":233-233")-tetrakisdisulfuro
immunomodulador

2098790-40-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCRASGYTFT SYGINWVRQA PGQGLEWMGW 50
ISVYSGNTNY AOKVQGRVTM TADTSTSTAY MDLRLRSDD TAVYYCAREG 100
SSSSGDYYYG MDVWQGTTV TVSSASTKGP SVFLAPCSR STSESTAALG 150
CLVKDYFPEP VTVSWNSGAL TSGVHTFPV LQSSGLYSL SVVTVPSNPF 200
GTQTYTCNVD HKPSNTKVDK TVERKCCVEC PPCAPPVAG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVDVDS HEDPEVQFNV YVDGVEVHNA KTKPREEQFN 300
STFRVSVLT VVHQDNLNGK EYKCKVSNKG LPAPIEKTIS KTKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLTC LVRGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPM 400
LDSGSGFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFCSCV MHEALHNYHT QKSLSLSPGK 450

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

DIVMTQTPLS LSVTPGQPAS ISCKSSQSL HTDGTTYLYW YLQKPGQPPQ 50
LLIYEVSNRF SGVPRDFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGI YYCMQNIQLP 100
WTFGQGTKVE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNQSQSVTE QDSKDYSTYSL SSSLTILSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFRNGEC 219

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 151"-207" 264"-324" 370"-428"
22"-96" 151"-207" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23"-93" 139"-199"
23"-93" 139"-199"

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 138"-219" 138"-219"

Inter-H-H (h 4, h 5, h 8, h 11) 226-226" 227-227" 230-230" 233-233"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados

orilanolimabum

orilanolimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* FCGRT (Fc fragment of IgG receptor and transporter, neonatal Fc receptor, FcRn, transmembrane alpha chain of the neonatal receptor)], monoclonal antibody; gamma4 heavy chain (1-444) [VH (*Mus musculus* IGHV1-81*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (77.6%)-(IGHD) -*Homo sapiens* IGHJ3*02 (83.3%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (119-216), hinge S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS K2>del (444)) (119-444)], (132-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV13-85*01 (88.4%)/*Homo sapiens* IGKV1-NL1*01 (83.2%) -*Homo sapiens* IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191)(108'-214')]; dimer (224-224":227-227")-bisdisulfide
immunomodulador

orilanolimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* FCGRT (transporteur et récepteur du fragment Fc des IgG, récepteur Fc néonatal, FcRn, chaîne alpha transmembranaire du récepteur néonatal)], anticorps monoclonal;
chaîne lourde gamma4 (1-444) [VH (*Mus musculus* IGHV1-81*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (77.6%)-(IGHD) -*Homo sapiens* IGHJ3*02 (83.3%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (119-216), charnière S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS K2>del (444)) (119-444)], (132-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV13-85*01 (88.4%)/*Homo sapiens* IGKV1-NL1*01 (83.2%) -*Homo sapiens* IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191)(108'-214')]; dimère (224-224'':227-227'')-bisdisulfure
immunomodulateur

orilanolimab

immunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* FCGRT (transportador y receptor del fragmento Fc de las IgG, receptor Fc neonatal, FcRn, cadena alfa transmembranaria del receptor neonatal)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma4 (1-444) [VH (*Mus musculus* IGHV1-81*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (77.6%)-(IGHD) -*Homo sapiens* IGHJ3*02 (83.3%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (119-216), bisagra S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS K2>del (444)) (119-444)], (132-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV13-85*01 (88.4%)/*Homo sapiens* IGKV1-NL1*01 (83.2%) -*Homo sapiens* IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191)(108'-214')]; dímero (224-224'':227-227'')-bisdisulfuro
immunomodulador

2066544-85-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE LKKPGASVKL SCKASGYTFT SYGISWVKQA TGGLEWIGE 50
IYPRSGNTYY NEKFKGRATL TADKSTSTAY MELRSLRSED SAVYFCARST 100
TVRPPGIWGT GTTIVTSSAS TKGPSVFPPLA PCSRSTSEST AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSVGHV FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTRTYT 200
CNVDHKPSNT KVDKRVESKY GPPCPPCPAP EFLGGPSVFL FPPKFKDTLM 250
ISRTPETCV VVDVSDQEDPE VQFNWYVDGV EVHNAKTRPR EEQFNSTYRV 300
PSVLTVLHQD WLNKKEYKCK VSNKGLPSSI EKTISKAKGQ PREPQVYTL 350
SPQEEMTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400
SFFLYSRLTV DKSRWQEGNV FSCSVMEAL HNHYTQKSL SLSL 444

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS LSASVGRVIT ITCKASDHIN NWLAWYQQKQ GPAPRLLISG 50
ATSLETGVP SRFSGGTGKD YTLTISLQPE EDFATYCCQ YWSTPYTFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYERKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 259-319 365-423
22"-96" 145"-201" 259"-319" 365"-423"

Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194'
23'''-88''' 134'''-194'''

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 132-214' 132"-214"

Inter-H-H (h 8, h 11) 224-224" 227-227"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

295, 295"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

osocimabum #

osocimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* F11 (coagulation factor XI, FXI, plasma thromboplastin antecedent, PTA) activated], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain (1-449) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), hinge (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS K2>del (449)) (120-449)], (223-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-33*01 (96.8%) -IGKJ4*01 (91.7%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214'))]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide
anticoagulant

osocimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* F11 (facteur de coagulation XI, FXI, antécédent de la thromboplastine plasmatique, PTA) activé], *Homo sapiens* anticorps monoclonal;
 chaîne lourde gamma1 (1-449) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), charnière (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS K2>del (449)) (120-449)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-33*01 (96.8%) -IGKJ4*01 (91.7%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214'))]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure
anticoagulant

osocimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* F11 (factor de coagulación XI, FXI, antecedente de la tromboplastina plasmática, PTA) activada], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal;
 cadena pesada gamma1 (1-449) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), bisagra (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS K2>del (449)) (120-449)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-33*01 (96.8%) -IGKJ4*01 (91.7%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214'))]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro
anticoagulante

2056878-75-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
 EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS QYGMDWVRQA PGKGLEWVSG 50
 IGPSSGGSTVY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVIYCTRGG 100
 PYYYYGMDVW GQGTTVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GAAALGCLVK 150
 DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
 YICNVNPKPS NTKVDRKVEP KSCDRHTHCP PCPAPPELLGG PSVFLFPPKP 250
 KDTLMSRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
 STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
 VYTLPPSRDE LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTPPVV 400
 LDSGGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
 DIQMTQSPSS LSASVGRVIT ITCQASQDIS NYLNWYQQKP GKAPKLLIYD 50
 ASNLETVGPS RFGSGSGTD FTFTISSLQP EDIATYYCQQ ADSFPVTFGG 100
 GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYERHK VYACEVTHQG 200
 LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
 Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
 Intra-H (C23-C104) 22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
 22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
 Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
 23"-88" 134"-194"
 Inter-H-L (h5-CL 126) 223"-214" 223"-214"
 Inter-H-H (h 11, h 14) 229"-229" 232"-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
 H CH2 N84.4:
 300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

otilimumab #
 otilimumab

immunoglobulin G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* CSF2 (colony stimulating factor 2 (granulocyte-macrophage), granulocyte-macrophage colony stimulating factor, GM-CSF)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-447) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-NL1*01 (88.1%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) [8.10.8] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (214) (118-215), hinge (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-209')-disulfide with lambda light chain (1'-210') -[*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGLV3-1*01 (85.2%) -IGLJ3*02 (100%)) [6.1.9] (1'-104') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (105'-210')]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide
immunomodulator

otilimumab

immunoglobuline G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* CSF2 (facteur 2 stimulant de colonies (granulocyte-macrophage), facteur stimulant des colonies de granulocytes et macrophages, GM-CSF)], *Homo sapiens* anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-447) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-NL1*01 (88.1%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) [8.10.8] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (214) (118-215), charnière (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-209')-disulfure avec la chaîne légère lambda (1'-210') -[*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGLV3-1*01 (85.2%) -IGLJ3*02 (100%)) [6.1.9] (1'-104') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (105'-210')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure
immunomodulateur

otilimab

inmunoglobulina G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* CSF2 (factor 2 estimulante de colonias (granulocito-macrófago), factor estimulante de las colonias de granulocitos y macrófagos, GM-CSF)], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma 1 (1-447) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-NL1*01 (88.1%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) [8.10.8] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (214) (118-215), bisagra (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-209')-disulfuro con la cadena ligera lambda (1'-210') -[*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGLV3-1*01 (85.2%) -IGLJ3*02 (100%)) [6.1.9] (1'-104') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (105'-210')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro
inmunomodulador

1638332-55-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

QVQLVESGSGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYWMNWVRQA PGKGLEWVSG 50
IENKYAGGAT YYAASVKGRF TISRDNKNT LYLQMNLSRA EDTAVVYCAR 100
GFGTDFWQGG TLVTVSSAST KGPSVFLAP SSKSTSGGTA ALGLVKDYF 150
PEPVTVSWNS GALTSGVHTF FAVLQSSGLY SLSSVVTVPS SSLGTQTYIC 200
NVNHKPSNTK VDKRVEPKSC DKTHTCPPCP APELLGGPSV FLFFPKPKDT 250
LMSRTPPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNARTK FREQYINSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTIKAK GQPRFQVYT 350
LPPSRREEMTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPVLDS 400
DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NWFSCSVME ALHNHYTQKS LSLSPGK 447

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

DIELTQPPSV SVAPGQTARI SCSGDSIGKK YAYWYQQKPG QAPVLVIYKK 50
RPSGIPEPFS GSNSGNTATL TISGTQAEDE ADYCSAWGD KGMVFGGGTK 100
LTVLGGPKAA PSVTLFPPSS EELQANKATL VCLISDFYPG AVTVAWKADS 150
SPVKAGVETT TFSKQSNKY AASSYLSLTP EQWQKSHRSYS QVTHEGSTV 200
EKTVAPECS 210

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22'-98" 144"-200" 261"-321" 367"-425"
22'-98" 144"-200" 261"-321" 367"-425"

Intra-L (C23-C104) 22'-85' 132"-191"
22"-85" 132"-191"

Inter-H-L (h5-CL 126) 220-209' 220"-209"

Inter-H-H (h 11, h 14) 226-226" 229-229"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:
297, 297"

Fucosylated complex bi-antennary PER.C6-type glycans / glycanes de type PER.C6 bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo PER.C6 biantenarijos complejos fucosilados

prademagenum zamikeracelum #
prademagene zamikeracel

human culture expanded genetically modified autologous keratinocytes for cell-based gene therapy. Cells are isolated from skin of the patient, expanded and transduced with replication incompetent and non-self-inactivating Moloney murine leukemia virus (MMLV) derived retroviral vector encoding the functional collagen type VII alpha 1 chain (COL7A1) under the control of the mouse phosphoglycerol kinase-1 (mPGK-1) promoter.
genetically modified cell (functionnal collagene synthesis promotion)

pradémagène zamikéracel	<p>kératinocytes humains, autologues, en culture d'expansion et génétiquement modifiés pour thérapie génique avec cellules. Les cellules sont isolées à partir de la peau du patient et sont expansées et transduites avec un vecteur rétroviral non-répliquant et auto-inactivant dérivé du virus de la leucémie murine de Moloney (MMLV) codant pour la chaîne fonctionnelle alpha 1 du collagène de type VII (COL7A1) sous le contrôle du promoteur de la phosphoglycérol kinase-1 murine (mPGK-1).</p> <p><i>cellule génétiquement modifiée (promotion de la synthèse de collagène fonctionnel)</i></p>
prademagén zamikeracel	<p>Queratinocitos autólogos, modificados genéticamente, humanos, expandidos en cultivo para terapia génica con células. Las células se aíslan de la piel del paciente, se expanden y transducen con un vector retroviral incompetente para replicación y no autoinactivante derivado del virus de la leucemia murina de Moloney (MMLV), que codifica para la cadena funcional alfa 1 del colágeno tipo VII (COL7A1) bajo el control del promotor de la fosfoglicerol cinasa-1 de ratón (mPGK-1).</p> <p><i>célula modificada genéticamente (promoción de la síntesis del colágeno funcional)</i></p>
prolgolimabum # prolgolimab	<p>immunoglobulin G1_V-lambda-C-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], monoclonal antibody;</p> <p>gamma1 heavy chain (1-459) [VH (<i>Vicugna pacos</i> IGHV3S1*01 (89.8%)/<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*04 or IGHV3-64*04 (85.7%) - (IGHD) -<i>Homo sapiens</i> IGHJ1*01 (100%)] [8.8.22] (1-129) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (226) (130-227), hinge (228-242), CH2 L1.3>A (246), L1.2>A (247) (243-352), CH3 E12 (368), M14 (370) (353-457), CHS (458-459)) (130-459)], (232-214')-disulfide with V-lambda-C-kappa light chain (1'-214') [V-LAMBDA (IGLV3-9*01 (100%) -IGLJ1*01 (90.9%)] [6.3.9] (1'-106') -1-mer glutaminyl linker (107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC1*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (238-238":241-241")-bisdisulfide</p> <p><i>immunomodulator, antineoplastic</i></p>
prolgolimab	<p>immunoglobuline G1_V-lambda-C-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal;</p> <p>chaîne lourde gamma1 (1-459) [VH (<i>Vicugna pacos</i> IGHV3S1*01 (89.8%)/<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*04 or IGHV3-64*04 (85.7%) - (IGHD) -<i>Homo sapiens</i> IGHJ1*01 (100%)] [8.8.22] (1-129) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (226) (130-227), charnière (228-242), CH2 L1.3>A (246), L1.2>A (247) (243-352), CH3 E12 (368), M14 (370) (353-457), CHS (458-459)) (130-459)], (232-214')-disulfure avec la chaîne légère V-lambda-C-kappa (1'-214') [V-LAMBDA (IGLV3-9*01 (100%) -IGLJ1*01 (90.9%)] [6.3.9] (1'-106') -1-mer glutaminyl linker (107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC1*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (238-238":241-241")-bisdisulfure</p> <p><i>immunomodulateur, antinéoplasique</i></p>

prolgolimab

inmunoglobulina G1_V-lambda-C-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-459) [VH (*Vicugna pacos* IGHV3S1*01 (89.8%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 or IGHV3-64*04 (85.7%) -(IGHD) -*Homo sapiens* IGHJ1*01 (100%)] [8.8.22] (1-129) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (226) (130-227), bisagra (228-242), CH2 L1.3>A (246), L1.2>A (247) (243-352), CH3 E12 (368), M14 (370) (353-457), CHS (458-459)) (130-459)], (232-214')-disulfuro con la cadena ligera V-lambda-C-kappa (1'-214') [V-LAMBDA (IGLV3-9*01 (100%) -IGLJ1*01 (90.9%)] [6.3.9] (1'-106') -1-mer glutaminil linker (107') -*Homo sapiens* IGKC1*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (238-238":241-241")-bisdisulfuro *inmunomodulador, antineoplásico*

2093956-19-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

QVQLVQSGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYMYWVRQV PGKGLEWVSA 50
IDTGGGRYY ADSVKGRFAI SRVNAKNTMY LQMNSLRAED TAVYYCARDE 100
GGGTGWGVLK DWPYGLDAWG QGTLVTVSSA STKGPSVFPF APSSKSTSGG 150
TAALGCLVKD YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPAVLQSSG LYSLSVVTV 200
PSSSLGTQTY ICNVNPKPSN TKVDKRVPEK SCDKTHTCP CPAPAEAGGP 250
SVFLFPPKPK DTLMISRTPV VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK 300
TKPREEQYNS TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK 350
AKGQPREPQV YTLPPSREEM TKNQVSLTCL VRGIFYPSDIA VEWESNGQPE 400
NNYKTTTPVL DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVN HEALHNHYTQ 450
KSLSLSPGK 459

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

QPVLTPPLSV SVALGQTARI TCGGNIGSK NVHWYQQKPG QAPVLVIYRD 50
SNRPSGIPER FSGSNSGNTA TLTISRAGAG DEADYVCQVM DSSTAVFGTG 100
TKLTVLQRTV AAPSVEIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNPFY BREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSSTL LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 156-212 273-333 379-437
 22"-96" 156"-212" 273"-333" 379"-437"

Intra-L (C23-C104) 22-87' 134'-194'
 22"-87" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 232-214' 232"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 238-238" 241-241"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

309, 309"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

redipultidum
redipultide

L-cysteinyl-L-tryptophyl-L-leucyl-L-cysteinyl-L-arginyl-L-alanyl-L-leucyl-L-isoleucyl-L-lysyl-L-arginyl-L-isoleucyl-L-glutaminyl-L-alanyl-L-leucyl-L-isoleucyl-L-prolyl-L-lysylglycylglycyl-L-arginyl-L-leucyl-L-leucyl-L-prolyl-L-glutaminyl-L-leucyl-L-valyl-L-cysteinyl-L-arginyl-L-leucyl-L-valyl-L-leucyl-L-arginyl-L-cysteinyl-L-serine, cyclic (1-33:4-27)-bisdisulfide *pulmonary surfactant*

rédupultide	<p>bisdisulfure cyclique (1-33:4-27) de L-cystéinyl-L-tryptophyl-L-leucyl-L-cystéinyl-L-arginyl-L-alanyl-L-leucyl-L-isoleucyl-L-lysyl-L-arginyl-L-isoleucyl-L-glutaminyll-alanyl-L-leucyl-L-isoleucyl-L-prolyl-L-lysylglycylglycyl-L-arginyl-L-leucyl-L-leucyl-L-prolyl-L-glutaminyll-leucyl-L-valyl-L-cystéinyl-L-arginyl-L-leucyl-L-valyl-L-leucyl-L-arginyl-L-cystéinyl-L-sérine</p> <p><i>surfactant pulmonaire</i></p>
redipultida	<p>bisdisulfuro cíclico (1-33:4-27) de L-cisteinil-L-triptofil-L-leucil-L-cisteinil-L-arginil-L-alanyl-L-leucil-L-isoleucil-L-lisil-L-arginil-L-isoleucil-L-glutaminyll-alanyl-L-leucil-L-isoleucil-L-proliil-L-lisilglycylglycyl-L-arginil-L-leucil-L-leucil-L-proliil-L-glutaminyll-leucil-L-valil-L-cisteinil-L-arginil-L-leucil-L-valil-L-leucil-L-arginil-L-cisteinil-L-serina</p> <p><i>surfactante pulmonar</i></p>
	<p>$C_{174}H_{302}N_{54}O_{38}S_4$ 2056154-08-4</p> <p>Sequence / Séquence / Secuencia CWLCRALIKR IQALIPKGR LLPQLVCRLV LRCS 34</p> <p>Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro 1-33 4-27</p>
relatlimabum # relatlimab	<p>immunoglobulin G4-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> LAG3 (lymphocyte activating 3, lymphocyte-activation 3, CD223)], <i>Homo sapiens</i> monoclonal antibody;</p> <p>gamma4 heavy chain (1-447) [<i>Homo sapiens</i> VH (IGHV4-34*01 (92.7%) -(IGHD) -IGHJ5*02 (100%)) [8.7.14] (1-120) -<i>Homo sapiens</i> IGHG4*01 (CH1 (121-218), hinge S10>P (228) (219-230), CH2 (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447) (121-447)), (134-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [<i>Homo sapiens</i> V-KAPPA (IGKV3-11*01 (98.9%) -IGKJ2*01 (90.9%)) [6.3.9] (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191)(108'-214')]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide</p> <p><i>immunomodulator, antineoplastic</i></p>
rétatlimab	<p>immunoglobuline G4-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> LAG3 (activateur 3 des lymphocytes, lymphocyte-activation 3, CD223)], <i>Homo sapiens</i> anticorps monoclonal;</p> <p>chaîne lourde gamma4 (1-447) [<i>Homo sapiens</i> VH (IGHV4-34*01 (92.7%) -(IGHD) -IGHJ5*02 (100%)) [8.7.14] (1-120) -<i>Homo sapiens</i> IGHG4*01 (CH1 (121-218), charnière S10>P (228) (219-230), CH2 (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447) (121-447)), (134-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [<i>Homo sapiens</i> V-KAPPA (IGKV3-11*01 (98.9%) -IGKJ2*01 (90.9%)) [6.3.9] (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure</p> <p><i>immunomodulateur, antinéoplasique</i></p>

relatlimab
 inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* LAG3 (activador 3 de los linfocitos, linfocito-activación 3, CD223)], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal;
 cadena pesada gamma4 (1-447) [*Homo sapiens* VH (IGHV4-34*01 (92.7%) -(IGHD) -IGHJ5*02 (100%)) [8.7.14] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (121-218), bisagra S10>P (228) (219-230), CH2 (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (121-447)], (134-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-11*01 (98.9%) -IGKJ2*01 (90.9%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro
inmunomodulador, antineoplásico

1673516-98-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLQQWGAG LLKPSETLSL TCAVYGGSFY DYYWNWIRQP PGKLEWIGE 50
 INHRGSTNSN PSLKSRVTLT LDTSKNQFSL KLRSVTAADT AVYYCAFGYS 100
 DYEYNWFDPW GQGTILTVSS ASTKGPVFPF LAPCSRSTSE STAAALGCLVK 150
 DYFPEPVTVS WNSGALTSVY HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTRK 200
 YTCNVDHKPS NTKVDKRVES KYGPPCPFCP APEFLGGPSV FLFPPKPKDT 250
 LMISRTPEVT CVVVDVSDQED PEVQFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQFNSTY 300
 RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKGLPS SIEKTIKAK GQPREPQVYT 350
 LPFSGEEMTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPVLDL 400
 DGSFFLYSRL TVDKSRWQEG NWFSCSMHE ALHNYHTQKS LSLSLGK 447

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQGIS SYLAWYQQKP GQAPRLLIYD 50
 ASNRATGIPA RFGSGSGSDT FTLTISSLEP EDFAVIYCCQ RSNWPLTFGQ 100
 GTNLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQMKV 150
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYERHK VYACEVTHQG 200
 LSSPVTKSFN RGEK 214

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-95" 147"-203" 261"-321" 367"-425"
 22"-95" 147"-203" 261"-321" 367"-425"
 Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
 23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 134-214' 134"-214"
 Inter-H-H (h 8, h 11) 226-226" 229-229"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

297, 297"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

reldesemtivum

reldesemtiv

1-[2-({[*trans*-3-fluoro-1-(3-fluoropyridin-2-yl)cyclobutyl]methyl}amino)pyrimidin-5-yl]-1*H*-pyrrole-3-carboxamide
troponin activator

reldésemtiv

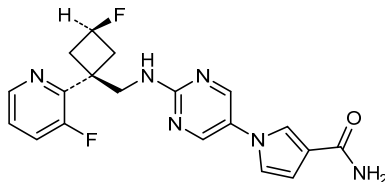
1-[2-({[*trans*-3-fluoro-1-(3-fluoropyridin-2-yl)cyclobutyl]méthyl}amino)pyrimidin-5-yl]-1*H*-pyrrole-3-carboxamide
activateur de la troponine

reldesemtiv

1-[2-({[*trans*-3-fluoro-1-(3-fluoropyridin-2-yl)cyclobutyl]metil}amino)pirimidin-5-il]-1*H*-pirrol-3-carboxamida
activador de la troponina

C₁₉H₁₈F₂N₆O

1345410-31-2

**reproxalapum**

reproxalap

2-(3-amino-6-chloroquinolin-2-yl)propan-2-ol
immunomodulator

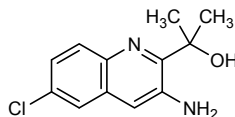
réproxalap

2-(3-amino-6-chloroquinoléin-2-yl)propan-2-ol
immunomodulateur

reproxalap

2-(3-amino-6-cloroquinolein-2-il)propan-2-ol
*immunomodulador*C₁₂H₁₃ClN₂O

916056-79-6

**resmetiromum**

resmetirom

2-(3,5-dichloro-4-[[6-oxo-5-(propan-2-yl)-1,6-dihydropyridazin-3-yl]oxy]phenyl)-3,5-dioxo-2,3,4,5-tetrahydro-1,2,4-triazine-6-carbonitrile
antihyperlipidaemic

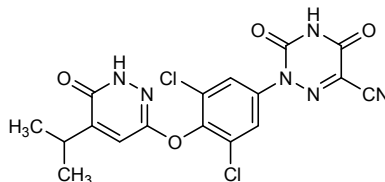
resmétirom

2-(3,5-dichloro-4-[[6-oxo-5-(propan-2-yl)-1,6-dihydropyridazin-3-yl]oxy]phényl)-3,5-dioxo-2,3,4,5-tétrahydro-1,2,4-triazine-6-carbonitrile
antihyperlipidémiant

resmetirom

2-(3,5-dicloro-4-[[6-oxo-5-(propan-2-il)-1,6-dihidropiridazin-3-il]oxi]fenil)-3,5-dioxo-2,3,4,5-tetrahidro-1,2,4-triazina-6-carbonitrilo
*antihiperlipémico*C₁₇H₁₂Cl₂N₆O₄

920509-32-6



ripretinibum

ripretinib

N-{4-bromo-5-[1-ethyl-7-(methylamino)-2-oxo-1,2-dihydro-1,6-naphthyridin-3-yl]-2-fluorophenyl}-*N'*-phenylurea
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

ripréтиниб

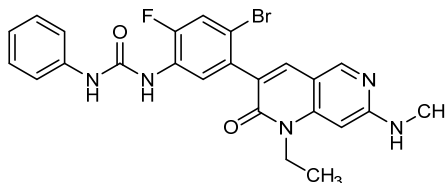
N-{4-bromo-5-[1-éthyl-7-(méthylamino)-2-oxo-1,2-dihydro-1,6-naphthyridin-3-yl]-2-fluorophényl}-*N'*-phénylurée
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

ripretinib

N-{4-bromo-5-[1-etil-7-(metilamino)-2-oxo-1,2-dihidro-1,6-naftiridin-3-il]-2-fluorofenil}-*N'*-fenilurea
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₂₄H₂₁BrFN₅O₂

1442472-39-0

**rocacetrapibum**

rocacetrapiб

(4*S*,5*R*)-5-[3,5-bis(trifluoromethyl)phenyl]-3-({2-[4-fluoro-2-methoxy-5-(propan-2-yl)phenyl]-5,5-dimethylcyclohex-1-en-1-yl}methyl)-4-methyl-1,3-oxazolidin-2-one
antihyperlipidaemic

rocacétrapiб

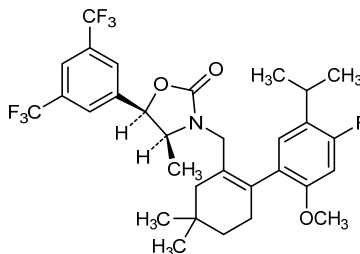
(4*S*,5*R*)-5-[3,5-bis(trifluorométhyl)phényl]-3-({2-[4-fluoro-2-méthoxy-5-(propan-2-yl)phényl]-5,5-diméthylcyclohex-1-én-1-yl}méthyl)-4-méthyl-1,3-oxazolidin-2-one
antihyperlipidémiant

rocacetrapiб

(4*S*,5*R*)-5-[3,5-bis(trifluorometil)fenil]-3-({2-[4-fluoro-2-metoxi-5-(propan-2-il)fenil]-5,5-dimetilciclohex-1-en-1-il}metil)-4-metil-1,3-oxazolidin-2-ona
antihiperlipémico

C₃₁H₃₄F₇NO₃

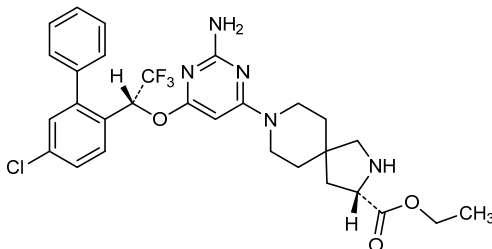
1402796-27-3

**rodatristatum**

rodatristat

ethyl (3*S*)-8-{2-amino-6-[(1*R*)-1-(5-chloro[1,1'-biphenyl]-2-yl)-2,2,2-trifluoroethoxy]pyrimidin-4-yl}-2,8-diazaspiro[4.5]decane-3-carboxylate
tryptophan hydroxylase inhibitor

rodatristat	(3 <i>S</i>)-8-{2-amino-6-[(1 <i>R</i>)-1-(5-chloro[1,1'-biphényl]-2-yl)-2,2,2-trifluoroéthoxy]pyrimidin-4-yl}-2,8-diazaspiro[4.5]décane-3-carboxylate d'éthyle <i>inhibiteur de la tryptophane hydroxylase</i>
rodatristat	(3 <i>S</i>)-8-{2-amino-6-[(1 <i>R</i>)-1-(5-cloro[1,1'-bifenil]-2-il)-2,2,2-trifluoroetoxi]pirimidin-4-il}-2,8-diazaspiro[4.5]decano-3-carboxilato de etilo <i>inhibidor de la triptófano hidroxilasa</i>
	C ₂₉ H ₃₁ ClF ₃ N ₅ O ₃ 1673571-51-1



rolinsatamabum #
rolinsatamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PRLR (prolactin receptor)], monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-450) [VH (*Mus musculus* IGHV1-69*02 (82.70%)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (79.6%) - (IGHD)-*Homo sapiens* IGHJ6*01 (90.9%)] [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), hinge (219-233), CH2 S3>C (242) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV6-13*01 (82.10%)/*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (81.1%) - *Homo sapiens* IGKJ4*01 (100%)] [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide
antineoplastique

rolinsatamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PRLR (récepteur de la prolactine)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-450) [VH (*Mus musculus* IGHV1-69*02 (82.70%)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (79.6%) - (IGHD)-*Homo sapiens* IGHJ6*01 (90.9%)] [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), charnière (219-233), CH2 S3>C (242) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV6-13*01 (82.10%)/*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (81.1%) - *Homo sapiens* IGKJ4*01 (100%)] [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure
antineoplastique

rolinsatamab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PRLR (receptor de la prolactina)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-450) [VH (*Mus musculus* IGHV1-69*02 (82.70%)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (79.6%) -(IGHD)-*Homo sapiens* IGHD*01 (90.9%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), bisagra (219-233), CH2 S3>C (242) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV6-13*01 (82.10%)/*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (81.1%) -*Homo sapiens* IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro
antineoplásico

2095467-30-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGYTFT TYWMHWVRQA PGQGLEWIGE 50
IDPSDSYSNY NQKFKDRATL TVDKSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCARNG 100
GLGPAWFSYW GQGTLVTVSS ASTKGFVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSV HTPFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKVEP KSCDKTHTCP PCPAPPELLGG PCVFLFPPKP 250
KDTLMI SRTP EVTCVVVDV HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLNQDNLNGK EYRCKVSNKA LPAPIEKTIK KAKGQPREPK 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLT LVRGFGYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
LSDSGSFFLY SKLTVDKSRW QGQNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS VSASVGRVT ITCKASQYVG TAVAWYQQKPK GKSPKLLIYS 50
ASNRYTGVPV RFSDSGSGTD FTLTISSSLQP EDFATYFCQQ YSSYPWTFGG 100
GTKVEIKRTP AAFSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWVK 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSLT LSKADYKHKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23"'-88"' 134"'-194'"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-214' 223"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

rolinsatamabum talirinum #
rolinsatamab talirine

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PRLR (prolactin receptor)], monoclonal antibody, conjugated to the pyrrolbenzodiazepine (PDB) dimer SGD-1882;

	<p>gamma1 heavy chain (1-450) [VH (<i>Mus musculus</i>IGHV1-69*02 (82.7%)/<i>Homo sapiens</i>IGHV1-46*01 (79.6%) - (IGHD)-<i>Homo sapiens</i>IGHJ6*01 (90.9%)] [8.8.13] (1-120) - <i>Homo sapiens</i>IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), hinge (219-233), CH2 S3>C (242) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA (<i>Mus musculus</i>IGKV6-13*01 (82.10%)/<i>Homo sapiens</i>IGKV1-12*01 (81.1%) -<i>Homo sapiens</i>IGKJ4*01 (100%)] [6.3.9] (1'-107') -<i>Homo sapiens</i>IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide; conjugated, on two site-specific drug attachment engineered cysteines (C242, C242"), to a maximum of two pyrrolobenzodiazepine (PDB) dimers SGD-1882, each via a cleavable (valine-alanine dipeptide as cathepsin B cleavage site) maleimidocaproyl type linker <i>antineoplastic</i></p>
rolinsatamab talirine	<p>immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> PRLR (récepteur de la prolactine)], anticorps monoclonal, conjugué à deux pyrrolobenzodiazépine (PDB) dimères SGD-1882; chaîne lourde gamma1 (1-450) [VH (<i>Mus musculus</i>IGHV1-69*02 (82.7%)/<i>Homo sapiens</i>IGHV1-46*01 (79.6%) - (IGHD)-<i>Homo sapiens</i>IGHJ6*01 (90.9%)] [8.8.13] (1-120) - <i>Homo sapiens</i>IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), charnière (219-233), CH2 S3>C (242) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA (<i>Mus musculus</i>IGKV6-13*01 (82.10%)/<i>Homo sapiens</i>IGKV1-12*01 (81.1%) -<i>Homo sapiens</i>IGKJ4*01 (100%)] [6.3.9] (1'-107') -<i>Homo sapiens</i>IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure; conjugué, sur deux cystéines sites de fixation spécifique du linker-produit actif (C242, C242"), à un maximum de deux pyrrolobenzodiazépine (PDB) dimères SGD-1882, chacun via un linker clivable (dipeptide valine-alanine clivable par la cathepsine B) de type maléimidocaproyl <i>antinéoplasique</i></p>
rolinsatamab talirina	<p>immunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> PRLR (receptor de la prolactina)], anticuerpo monoclonal, conjugado con diez pirrolobenzodiazepinas (PDB) dímeros SGD-1882; cadena pesada gamma1 (1-450) [VH (<i>Mus musculus</i>IGHV1-69*02 (82.7%)/<i>Homo sapiens</i>IGHV1-46*01 (79.6%) - (IGHD)-<i>Homo sapiens</i>IGHJ6*01 (90.9%)] [8.8.13] (1-120) - <i>Homo sapiens</i>IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), bisagra (219-233), CH2 S3>C (242) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA (<i>Mus musculus</i>IGKV6-13*01 (82.10%)/<i>Homo sapiens</i>IGKV1-12*01 (81.1%) -<i>Homo sapiens</i>IGKJ4*01 (100%)] [6.3.9] (1'-107') -<i>Homo sapiens</i>IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro;</p>

conjugado, en diez cisteínas sitios de fijación específicos del linker-producto activo (C242, C242''), con un máximo de diez dímeros de pirrolobenzodiazepina (PDB) SGD-1882, cada uno mediante un espaciador escindible (dipéptido valina-alanina escindible por la catepsina B) del tipo maleimidocaproil

antineoplásico

2095467-44-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCRKASGYFT TYWMHWVRQA PGQGLEWIGE 50
IDPDSYSYNY NQKFKDRATL TVDKSTSTAY MELSSLRSSE TAVYYCARNG 100
GLGPAWFSYW GQGTLLTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSKV HTPFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PCVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLGQDNLNGK EYRCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLTC LVRGFPYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
LDSGGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNYT QKSLSLSPGK 450
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS VSASVGDRTV ITCKASQYVG TAVAWYQQKP GKSPKLLIYS 50
ASNRYTGVPS RFSDSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYFCQQ YSSYFWTFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNFEY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23'''-88''' 134'''-194'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-214' 223"-214'''

Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

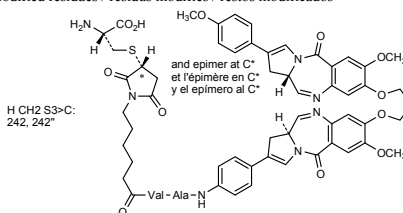
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

Modified residues / résidus modifiés / restos modificados



roluperidonum
roluperidone

2-({1-[2-(4-fluorophenyl)-2-oxoethyl]piperidin-4-yl)methyl}-2,3-dihydro-1H-isoindol-1-one
antipsychotic

rolupéridone

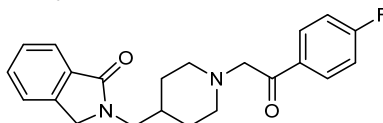
2-({1-[2-(4-fluorophényl)-2-oxoéthyl]pipéridin-4-yl)méthyl)-2,3-dihydro-1H-isoindol-1-one
antipsychotique

roluperidona

2-({1-[2-(4-fluorofenil)-2-oxoetil]piperidin-4-il}metil)-2,3-dihidro-1H-isoindol-1-ona
antipsicótico

C₂₂H₂₃FN₂O₂

359625-79-9

**rovafovirum etalafenamidum**

rovafovir etalafenamide

ethyl (2S)-2-[[[(S)-{[(2R,5R)-5-(6-amino-9H-purin-9-yl)-4-fluoro-2,5-dihydrofuran-2-yl]oxy)methyl]phenoxyphosphonyl]amino]propanoate
antiviral

rovafovir étalafénamide

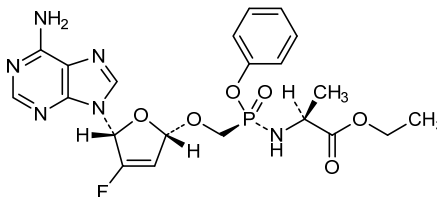
(2S)-2-[[[(S)-{[(2R,5R)-5-(6-amino-9H-purin-9-yl)-4-fluoro-2,5-dihydrofuran-2-yl]oxy)méthyl]phénoxyphosphonyl]amino]propanoate d'éthyle
antiviral

rovafovir etalafenamida

(2S)-2-[[[(S)-{[(2R,5R)-5-(6-amino-9H-purin-9-yl)-4-fluoro-2,5-dihydrofuran-2-yl]oxi]metil]fenoxifosfonoil]amino]propanoato de etilo
antiviral

C₂₁H₂₄FN₆O₆P

912809-27-9

**ruxotemitidum**

ruxotemitide

L-lysyl-L-lysyl-L-tryptophyl-L-tryptophyl-L-lysyl-L-lysyl-L-tryptophyl-β-phenyl-L-phenylalanyl- L-lysineamide
antineoplastic

ruxotémítide

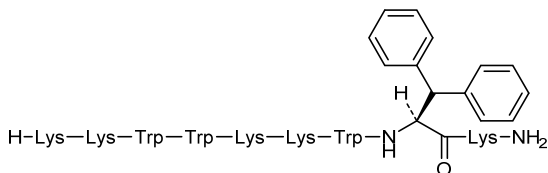
L-lysyl-L-lysyl-L-tryptophyl-L-tryptophyl-L-lysyl-L-lysyl-L-tryptophyl-β-phényl-L-phénylalanil- L-lysineamide
antineoplasique

ruxotemitida

L-lisil-L-lisil-L-triptopfil-L-triptopfil-L-lisil-L-lisil-L-triptopfil-β-fenil-L-fenilalanil- L-lisineamida
antineoplásico

C₇₈H₁₀₆N₁₈O₉

1345407-05-7



selatogrelum

selatogrel

[(2*R*)-3-[4-(butoxycarbonyl)piperazin-1-yl]-2-{6-[(3*S*)-3-methoxypyrrolidin-1-yl]-2-phenylpyrimidine-4-carboxamido}-3-oxopropyl]phosphonic acid
platelet aggregation inhibitor

sélatogrel

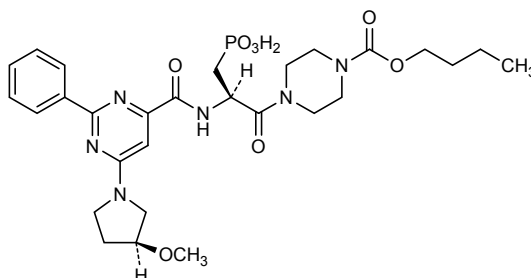
acide [(2*R*)-3-[4-(butoxycarbonyl)pipérazin-1-yl]-2-{6-[(3*S*)-3-méthoxy pyrrolidin-1-yl]-2-phénylpyrimidine-4-carboxamido}-3-oxopropyl]phosphonique
antiagrégant plaquettaire

selatogrel

ácido [(2*R*)-3-[4-(butoxicarbonil)piperazin-1-il]-2-{6-[(3*S*)-3-metoxipirrolidin-1-il]-2-fenilpirimidina-4-carboxamida}-3-oxopropil]fosfónico
inhibidor de la agregación plaquetaria

C₂₈H₃₉N₆O₈P

1159500-34-1

**setogepramum**

setogepram

(3-pentylphenyl)acetic acid
anti-inflammatory, antifibrotic

sétogépram

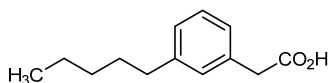
acide (3-pentylphényl)acétique
anti-inflammatoire, antifibrotique

setogepram

ácido (3-pentilfenil)acético
antiinflamatorio, antifibrótico

C₁₃H₁₈O₂

1002101-19-0

**sintilimabum #**

sintilimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;

	<p>gamma4 heavy chain (1-447) [<i>Homo sapiens</i> VH (IGHV1-69*01 (93.9%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.13] (1-120) -<i>Homo sapiens</i> IGHG4*01 (CH1 (121-218), hinge S10>P (228) (219-230), CH2 (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (121-447)], (134-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [<i>Homo sapiens</i> V-KAPPA (IGKV1-12*01 (96.8%) - IGKJ4*01 (91.7%)) [6.3.9] (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide <i>immunomodulator</i></p>
sintilimab	<p>immunoglobuline G4-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], <i>Homo sapiens</i> anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma4 (1-447) [<i>Homo sapiens</i> VH (IGHV1-69*01 (93.9%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.13] (1-120) -<i>Homo sapiens</i> IGHG4*01 (CH1 (121-218), charnière S10>P (228) (219-230), CH2 (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (121-447)], (134-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [<i>Homo sapiens</i> V-KAPPA (IGKV1-12*01 (96.8%) - IGKJ4*01 (91.7%)) [6.3.9] (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure <i>immunomodulateur</i></p>
sintilimab	<p>immunoglobulina G4-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], <i>Homo sapiens</i> anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma4 (1-447) [<i>Homo sapiens</i> VH (IGHV1-69*01 (93.9%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.13] (1-120) -<i>Homo sapiens</i> IGHG4*01 (CH1 (121-218), bisagra S10>P (228) (219-230), CH2 (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (121-447)], (134-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [<i>Homo sapiens</i> V-KAPPA (IGKV1-12*01 (96.8%) - IGKJ4*01 (91.7%)) [6.3.9] (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro <i>immunomodulador</i></p>
	2072873-06-2
	<p>Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada QVQLVQSGAE VKKFGSSVKV SCKASGGTFS SYAISWVRQA PGQGLEWMGL 50 IIPMFDTAGY AQKFGQGRVAL TVDESTSTAY MELSSLRSED TAVYYCARAE 100 HSTGTGFDYW GQGLTIVTSS ASTKGPSVFP LAPCSRSTSE STAALGCLVK 150 DYFPEPVTVS WNSGALTVSGV HTFPFVLSQS GLYSLSVVT VPSSSLGTKT 200 YTCNVDHKFS NTKVDRKVES KYGPFPCPCP APEFLGGFSV FLEPFKPKDT 250 LMSRTEFVT CVVVDVSDQED PEVQFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQFNSTY 300 RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKGLFS SIEKTIKAK GQPREPQVVT 350 LPFSQEMTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPVPLDS 400 DGSFFLYSRL TVDKSRWQEG NVFSCSVMHE ALHNHYTQKS LLSLSLGR 447</p> <p>Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera DIQMTQSPSS VSAISGDRVT ITCRAEQGIS SWLAWYQQK GKAPKLLISA 50 ASSLQSGVPS RFGSGSGTD FTLTISLQPE EDFATYYCQQ ANHLPTFFGG 100 GTRKVEIKRIV AAPSFVIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWVK 150 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYERHK VYACEVTHGG 200 LSSPVTKSFN RGEK 214</p> <p>Post-translational modifications Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 261-321 367-425 22"-96" 147"-203" 261"-321" 367"-425" Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194" 23"-88" 134"-194" Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 134-214' 134"-214" Inter-H-H (h 8, h 11) 226-226" 229-229"</p> <p>N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación H CH2 N84.4: 297, 297" Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados N-terminal glutamine cyclization to pyroglutamate (pE, 5-oxoproline) H VH Q1:1, 1" C-terminal lysine clipping H CHS K2: 447, 447"</p>

siremadlinum

siremadlin

(6S)-5-(5-chloro-1-methyl-2-oxo-1,2-dihydropyridin-3-yl)-6-(4-chlorophenyl)-2-(2,4-dimethoxypyrimidin-5-yl)-1-(propan-2-yl)-5,6-dihydropyrrolo[3,4-d]imidazol-4(1H)-one
antineoplastica

sirémadline

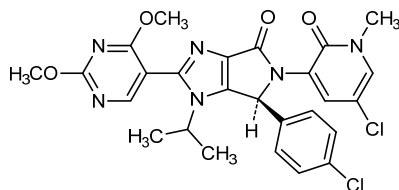
(6S)-5-(5-chloro-1-méthyl-2-oxo-1,2-dihydropyridin-3-yl)-6-(4-chlorophényl)-2-(2,4-diméthoxypyrimidin-5-yl)-1-(propan-2-yl)-5,6-dihydropyrrolo[3,4-d]imidazol-4(1H)-one
antineoplasique

siremadlina

(6S)-5-(5-cloro-1-metil-2-oxo-1,2-dihidropiridin-3-il)-6-(4-clorofenil)-2-(2,4-dimetoxipirimidin-5-il)-1-(propan-2-il)-5,6-dihidropirrolo[3,4-d]imidazol-4(1H)-ona
antineoplásico

C₂₆H₂₄Cl₂N₆O₄

1448867-41-1

**soticlestatum**

soticlestat

(4-benzyl-4-hydroxypiperidin-1-yl)([2,4'-bipyridin]-3-yl)methanone
hydroxylase inhibitor

soticlestat

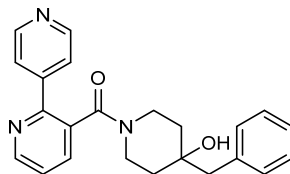
(4-benzyl-4-hydroxypipéridin-1-yl)([2,4'-bipyridin]-3-yl)méthanone
inhibiteur de l'hydroxylase

soticlestat

(4-bencil-4-hidroxipiperidin-1-il)([2,4'-bipiridin]-3-il)metanona
inhibidor de la hidroxilasa

C₂₃H₂₃N₃O₂

1429505-03-2



spesolimabum #

spesolimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL1RL2 (interleukin 1 receptor like 2, interleukin 36 receptor, IL1R-rp2, IL1RRP2)], humanized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain humanized (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (81.20%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (216) (120-217), hinge (218-232), CH2 L1.3>A (236), L1.2>A (237) (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-215')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (79.2%)-*Homo sapiens* IGKJ2*01 (90.9%)) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (154), V101 (192)(109'-215')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide immunomodulator

spésolimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL1RL2 (récepteur like 2 de l'interleukine 1, récepteur de l'interleukine 36, IL1R-rp2, IL1RRP2), anticorps monoclonal humanisé ; chaîne lourde gamma1 humanisée (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (81.20%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (216) (120-217), charnière (218-232), CH2 L1.3>A (236), L1.2>A (237) (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (79.2%)-*Homo sapiens* IGKJ2*01 (90.9%)) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (154), V101 (192)(109'-215')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure immunomodulateur

espesolimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL1RL2 (receptor like 2 de la interleukina 1, receptor de la interleukina 36, IL1R-rp2, IL1RRP2), anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 humanizada (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (81.20%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (216) (120-217), bisagra (218-232), CH2 L1.3>A (236), L1.2>A (237) (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (79.2%)-*Homo sapiens* IGKJ2*01 (90.9%)) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (154), V101 (192)(109'-215')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro inmunomodulador

2097104-58-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCRKASGYST SSWIHVVKQA PGQGLEWMGE 50
 INPGNVRTNY NENFRNKVTM TVDTSISTAY MELSRRLSDD TAVYYCTVVF 100
 YGEPYFPYWG QGTLVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
 YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPVAVLQSSG LYSLSVVTV PSSSLGTQTY 200
 ICNVNHKPSN TKVDKRVKPK SCDKTHTCPP CPAPEAAGGP SVFLFPPKPK 250
 DTLMIKRTPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
 TYRVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIERTISK AKQPPEPQV 350
 YTLPPSREEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
 DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNYHTQ KSLSLSPGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

QIVLTQSPGT LSLSPGERAT MTCTASSSVS SSYFHWYQQK PGQAPRLWIY 50
 RTSRLASGVP DRFSGSGSGT DFTLTISRLE PEDAATYYCH QFHRSPLTFG 100
 AGTKLEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNMF YPREAKVQWK 150
 VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYLSSTL TLSKADYEKH KVIACEVTHQ 200
 GLSSPVTKSF NRGEC 215

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 263-323 369-427
 22"-96" 146"-202" 263"-323" 369"-427"

Intra-L (C23-C104) 23-89" 135"-195"
 23"-89" 135"-195"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-215" 222"-215"

Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228" 231-231"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

299, 299"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires

complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

tabituximabum

tabituximab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FZD10 (frizzled class receptor 10, frizzled family receptor 10, Frizzled-10, CD350)], chimeric monoclonal antibody; gamma1 heavy chain chimeric (1-448) [*Mus musculus* VH (IGHV14-3*02 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (100%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (215) (119-216), hinge (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfide with kappa light chain chimeric (1'-214') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV12-46*01 (98.9%) -IGKJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide *immunomodulator, antineoplastic*

tabituximab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FZD10 (récepteur 10 de la classe frizzled, récepteur 10 de la famille frizzled, Frizzled-10, CD350)], anticorps monoclonal chimérique; chaîne lourde gamma1 chimérique (1-448) [*Mus musculus* VH (IGHV14-3*02 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (100%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (215) (119-216), charnière (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa chimérique (1'-214') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV12-46*01 (98.9%) -IGKJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure *immunomodulateur, antinéoplasique*

tabituximab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FZD10 (receptor 10 de la clase frizzled, receptor 10 de la familia frizzled, Frizzled-10, CD350)], anticuerpo monoclonal quimérico;
 cadena pesada gamma1 quimérica (1-448) [*Mus musculus* VH (IGHV14-3*02 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (100%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (215) (119-216), bisagra (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa quimérica (1'-214') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV12-46*01 (98.9%) -IGKJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (227-227'':230-230'')-bisdisulfuro
immunomodulador, antineoplásico

1644134-10-0

Heavy chain / chaîne lourde / cadena pesada

```
EVQLQDSGAE LVKPGASVKL SCTASGFNIN DTYMHVVKQR PEQGLEWIGR 50
IDPANGNTKY DPKFQGKATI TADTSSTAY LQLSSLTSED TAVYYCARGA 100
RGRFAYWGQ GTLVTVSAAS TKGPSVFLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSVGHV FPAVLQSSGL YSLSSVTVPT SSSLGQTQYI 200
CNVNHKPSNT KVDKVEPKS CDKTHCTPPC PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHS DPEVKFNWYV DGEVFNHAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSRDELT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPVLD 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSMVH EALHNYTQK SLSLSPGK 448
```

Light chain / chaîne légère / cadena ligera

```
DIQMTQSPAS LSVSGEFTV ITCRASENIY SNLAWYQQKQ GKSPQLLVYV 50
ATNLADGVPS RFGSGSGGTQ YSLKINSLQS EDFGSYCOH FWGTPYTFGG 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWVK 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGECC 214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / positions des ponts disulfure / posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
 22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
 23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 221"-214" 221"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 227"-227" 230-230"

N-glycosylation sites / sites de N-glycosylation / posiciones de N-glicosilación

H VH N35:

30, 30"

H CH2 N84.4:

298, 298"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans/ glycanes de type CHO bi-antennaires
 complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

tabituximabum barzuxetanum #
 tabituximab barzuxetan

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FZD10 (frizzled class receptor 10, frizzled family receptor 10, Frizzled-10, CD350)], chimeric monoclonal antibody conjugated to *barzuxetan*, a DPTA chelator derivative;
 gamma1 heavy chain chimeric (1-448) [*Mus musculus* VH (IGHV14-3*02 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (100%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (215) (119-216), hinge (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfide with kappa light chain chimeric (1'-214') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV12-46*01 (98.9%) -IGKJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (227-227'':230-230'')-bisdisulfide; conjugated, on an average of 2 to 4 lysyl, to *barzuxetan*, *p*-SCN-Bn-CHX-A"-DPTA, a DPTA chelator derivative
 For the *barzuxetan* part, please refer to the annex « *Names for radicals and groups* ».
immunomodulator, antineoplastic

tabituximab barzuxétan immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FZD10 (récepteur 10 de la classe frizzled, récepteur 10 de la famille frizzled, Frizzled-10, CD350)], anticorps monoclonal chimérique conjugué au *barzuxétan*, un dérivé du chélateur DPTA ; chaîne lourde gamma1 chimérique (1-448) [*Mus musculus* VH (IGHV14-3*02 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (100%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (215) (119-216), charnière (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa chimérique (1'-214') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV12-46*01 (98.9%) -IGKJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure; conjugué, sur une moyenne de 2 à 4 lysyl, au *barzuxétan*, p-SCN-Bn-CHX-A"-DPTA, un dérivé du chélateur DPTA
Pour la partie *barzuxétan*, veuillez-vous référer à l'annexe « *Noms pour radicaux et groupes* ».

immunomodulateur, antinéoplasique

tabituximab barzuxétan inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FZD10 (receptor 10 de la clase frizzled, receptor 10 de la familia frizzled, Frizzled-10, CD350)], anticuerpo monoclonal quimérico conjugado al *barzuxétan*, un derivado del DPTA; cadena pesada gamma1 quimérica (1-448) [*Mus musculus* VH (IGHV14-3*02 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (100%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (215) (119-216), bisagra (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa quimérica (1'-214') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV12-46*01 (98.9%) -IGKJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro; conjugado, en 2 - 4 restos lisil, por término medio, al *barzuxétan*, p-SCN-Bn-CHX-A"-DPTA, un derivado de un agente quelante DPTA
Por la parte *barzuxétan*, por favor vaya al anexo « *Denominaciones para Radicales y Grupos* ».

immunomodulador, antineoplásico

1612758-88-9

Heavy chain / chaîne lourde / cadena pesada
EVQLQQSGAE LVKPGASVKL SCTASGFNIN DTYMHVVKQR PEQGLEWIGR 50
IDPANGNTKY DPKFQGKATI TADTSNTAY LQLSSLTSED TAVYYCARGA 100
RGRSFAYWQG GTLVTVAAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSVGTI FPAVLQSSGL YSLSSVTVTP SSSLGTQTYI 200
CIVNHKPSNT KVDKKEPKS CDKTHCTPPC PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSH EPEVKNWYV DGEVHNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSRDELDT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPVLD 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFPCSMVH EALHNHYTQK SLSLSPGK 448

Light chain / chaîne légère / cadena ligera
DIQMTQSPAS LSVSVGETVT ITCRASENIY SNLAWYQQKQ GKSPQLLVVY 50
ATNLADGVPS RFGSGSGGTQ YSLKINSLSQ EDFGSYQCQH FWGTPYTFGG 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEV 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / positions des ponts disulfure / posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426
22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-214' 221"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"
conjugated, on an average of 2 to 4 lysyl, to *barzuxétan* / conjugué, sur une moyenne de 2 à 4 lysyl, au *barzuxétan* / conjugado en 2 - 4 restos lisil, por término medio, al *barzuxétan*
N-glycosylation sites / sites de N-glycosylation / posiciones de N-glicosilación
H VH N35:
30, 30"
H CH2 N84.4:
298, 298"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans/ glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

tafasitamabum #

tafasitamab

immunoglobulin G1-G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD19 (B lymphocyte surface antigen B4, Leu-12)], monoclonal antibody;
 gamma1-gamma2 heavy chain (1-451) [VH (*Mus musculus* IGHV1-14*01 (77.6%)/*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (73.5%) -(IGHD) -*Homo sapiens* IGHJ4*01 (100%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (CH1 G1m17, K120 (218) (122-219) -hinge (220-234) -CH2 1.6-1.1 (235-240)) (122-240) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (CH2 1-125, S3>D (243), G2m.. V45.1 (286), G110>A (331), I117>E (336) (241-344) -CH3 nG1m1 E12 (360) M14 (362) (345-449) -CHS (450-451)) (241-451)], (224-219')-disulfide with kappa light chain (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV2-137*01 (75.0%)/*Homo sapiens* IGHV3D-11*03 (73.7%) -*Homo sapiens* IGKJ2*01 (90.9%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

tafasitamab

immunoglobuline G1-G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD19 (antigène de surface B4 des lymphocytes B, Leu-12)], anticorps monoclonal;
 chaîne lourde gamma1-gamma2 (1-451) [VH (*Mus musculus* IGHV1-14*01 (77.6%)/*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (73.5%) -(IGHD) -*Homo sapiens* IGHJ4*01 (100%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (CH1 G1m17, K120 (218) (122-219) -charnière (220-234) -CH2 1.6-1.1 (235-240)) (122-240) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (CH2 1-125, S3>D (243), G2m.. V45.1 (286), G110>A (331), I117>E (336) (241-344) -CH3 nG1m1 E12 (360) M14 (362) (345-449) -CHS (450-451)) (241-451)], (224-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV2-137*01 (75.0%)/*Homo sapiens* IGHV3D-11*03 (73.7%) -*Homo sapiens* IGKJ2*01 (90.9%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure
immunomodulateur, antinéoplasique

tafasitamab

immunoglobulina G1-G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD19 (antígeno de superficie B4 de los linfocitos B, Leu-12)], anticuerpo monoclonal;
 cadena pesada gamma1-gamma2 (1-451) [VH (*Mus musculus* IGHV1-14*01 (77.6%)/*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (73.5%) -(IGHD) -*Homo sapiens* IGHJ4*01 (100%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (CH1 G1m17, K120 (218) (122-219) -bisagra(220-234) -CH2 1.6-1.1 (235-240)) (122-240) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (CH2 1-125, S3>D (243), G2m.. V45.1 (286), G110>A (331), I117>E (336) (241-344) -CH3 nG1m1 E12 (360) M14 (362) (345-449) -CHS (450-451)) (241-451)], (224-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV2-137*01 (75.0%)/*Homo sapiens* IGHV3D-11*03 (73.7%) -*Homo sapiens* IGKJ2*01 (90.9%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro
immunomodulador, antineoplásico

1422527-84-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVQLVESGGG LVKPGGSLKL SCAASGYTFT SYVMHWVRQA PGKGLEWIGY 50
 INPYNDGTKY NEKFGQRVTI SSDKSI STAY MELSSLRSLED TAMYCARGT 100
 YYYGTRVFDY WQQGTLVTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAAALGCLV 150
 KDYFPEPEVTV SWNSGALTSQ VHTFFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ 200
 TYICNVNHKP SNTKVDKKVE PKSCDKTHTC PPCPAPELLG GPDVFLFPPK 250
 PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVQFN WYVDGVEVHN ARTKPREEQF 300
 NSTFRVVSVL TVVHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPEEKTI SKTRGQPREP 350
 QVYTLPPSRE EMTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTPP 400
 MLDSDGSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFCSS VMHEALHNY TQKSLSLSPG 450
 K 451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIVMTQSPAT LSLSPGERAT LSCRSSKSLQ NVNGNTLYW FQQKPGQSPQ 50
 LLIYRMSNIN SGVPRDFSGS GSGTEFTLTI SSLEPEDFAV YTCMQHLEYF 100
 ITFGAGTKLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVL LNNFYPREAK 150
 VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSYSL SLETLTSLKAD YEKHKVYACE 200
 VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 148-204 265-325 371-429
 22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"

Intra-L (C23-C104) 23"-93" 139"-199"
 23"-93" 139"-199"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 224-219" 224"-219"

Inter-H-H (h 11, h 14) 230-230" 233-233"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 301, 301"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping:

H CHS K2: 451, 451"

talditerceptum alfa #
 talditercept alfa

human immunoglobulin G1 Fc fragment (1-225) fused via a peptidyl linker (226-243) to a human fibronectin tenth type III domain variant anti-[human myostatin (MSTN, growth differentiation factor 8, GDF8)](244-340), dimer, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa; gamma1 chain H-CH2-CH3 fragment [*Homo sapiens* IGHG1*01 (CH2 (11-120), CH3 (121-225))] (1-225); dimer (6-6':9-9')-bisdisulfide-linker (226-243)-human fibronectin tenth type III domain fibronectin variant anti-[human myostatin (MSTN, growth differentiation factor 8, GDF8)] (244-340), produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
myostatin inhibitor

talditercept alfa

fragment Fc d'immunoglobuline G1 humaine (1-225) fusionné via un peptide (226-243) au variant du dixième domaine de la fibronectine humaine de type III anti-[myostatine humaine (MSTN, facteur 8 de différenciation de croissance, GDF8)] (244-340), dimère, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa;
 chaîne gamma1 fragment H-CH2-CH3 [*Homo sapiens* IGHG1*01 (CH2 (11-120), CH3 (121-225))] (1-225); dimère (6-6':9-9')-bisdisulfure-linker (226-243)-variant du dixième domaine de la fibronectine humaine de type III anti-[myostatine humaine (MSTN, facteur 8 de différenciation de croissance, GDF8)] (244-340), produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
inhibiteur de la myostatine

talditercept alfa

fragmento Fc de inmunoglobulina G1 humana (1-225) fusionada mediante un péptido (226-243) a la variante del décimo dominio de la fibronectina humana del tipo III anti-[miostatina humana (MSTN, factor 8 de diferenciación de crecimiento, GDF8)] (244-340), dímero, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofoma alfa;

cadena gamma1 fragmento H-CH2-CH3 [*Homo sapiens* IGHG1*01 (CH2 (11-120), CH3 (121-225))] (1-225); dímero (6-6':9-9')-bisdisulfuro-conector (226-243)-variante del décimo dominio de la fibronectina humana del tipo III anti-[miostatina humana (MSTN, factor 8 de diferenciación de crecimiento, GDF8)] (244-340), producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofoma alfa

inhibidor de la miostatina

1580555-23-2

Monomer / monomère / monómero

```
DKTHTCPPCP APELLGGPSV FLFPPKPKDT LMISRTPEVT CVVVDVSHED 50
PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQYNSTY RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK 100
CKVSNKALPA PIEKTIKAK GQPREPQVYT LPPSRDELTK NQVSLTCLVK 150
GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPVLDL DGSFFFLYSKL TVDKSRWQQG 200
NVFSCSVME ALHNHYTQKS LSLSPPELQLE ESAEAQEGE LEGVSDVPRD 250
LEVVAATPTS LLISWLSLPHQ GKANYRITY GETGGNSPVQ EFTVPGRGVT 300
ATISGLKPGV DYTITVYAVT VTDGTGLKYGK PISINRYRTEI 340
```

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H: 41-101 147-205
41'-101' 147'-205'

Inter-H-H: 6-6' 9-9'

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
Asn-77 Asn-77"taniborbactamum
taniborbactam

(3*R*)-3-(2-{*trans*-4-[(2-aminoethyl)amino]cyclohexyl}acetamido)-2-hydroxy-3,4-dihydro-2*H*-1,2-benzoxaborinine-8-carboxylic acid
beta-lactamase inhibitor

taniborbactam

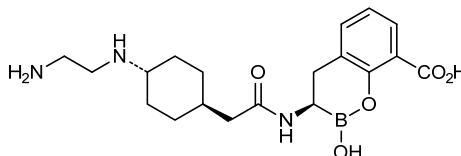
acide (3*R*)-3-(2-{*trans*-4-[(2-aminoéthyl)amino]cyclohexyl}acétamido)-2-hydroxy-3,4-dihydro-2*H*-1,2-benzoxaborinine-8-carboxylique
inhibiteur de la bêta-lactamase

taniborbactam

ácido (3*R*)-3-(2-{*trans*-4-[(2-aminoetil)amino]ciclohexil}acetamido)-2-hidroxi-3,4-dihidro-2*H*-1,2-benzoxaborinina-8-carboxílico
inhibidor de la beta-lactamasa

C₁₉H₂₈BN₃O₅

1613267-49-4



tavapadonum

tavapadon

(-)-(6 Ξ)-1,5-dimethyl-6-(2-methyl-4-[[3-(trifluoromethyl)pyridin-2-yl]oxy]phenyl)pyrimidine-2,4(1*H*,3*H*)-dione
dopamine receptor partial agonist

tavapadon

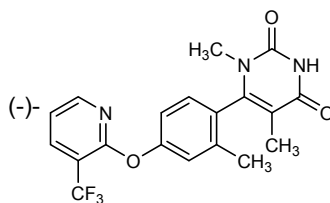
(-)-(6 Ξ)-1,5-diméthyl-6-(2-méthyl-4-[[3-(trifluorométhyl)pyridin-2-yl]oxy]phényl)pyrimidine-2,4(1*H*,3*H*)-dione
agoniste partiel des récepteurs dopaminergiques

tavapadón

(-)-(6 Ξ)-1,5-dimetil-6-(2-metil-4-[[3-(trifluorometil)piridin-2-il]oxi]fenil)pirimidina-2,4(1*H*,3*H*)-diona
agonista parcial de los receptores dopaminergicos

C₁₉H₁₆F₃N₃O₃

1643489-24-0

**telaglenastatum**

telaglenastat

N-[6-(4-{5-[2-(pyridin-2-yl)acetamido]-1,3,4-thiadiazol-2-yl]butyl}pyridazin-3-yl]-2-[3-(trifluoromethoxy)phenyl]acetamide
antineoplastic

télaglénastat

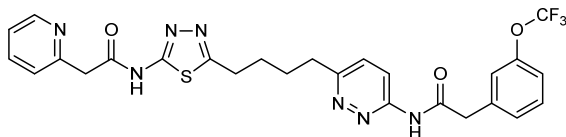
N-[6-(4-{5-[2-(pyridin-2-yl)acétamido]-1,3,4-thiadiazol-2-yl]butyl}pyridazin-3-yl)-2-[3-(trifluorométhoxy)phényl]acétamide
antinéoplasique

telaglenastat

N-[6-(4-{5-[2-(piridin-2-il)acetamido]-1,3,4-tiadiazol-2-il]butil}piridazin-3-il)-2-[3-(trifluorometoxi)fenil]acetamida
antineoplásico

C₂₆H₂₄F₃N₇O₃S

1439399-58-2



temelimabum #

temelimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* endogenous retrovirus (HERV) family W multiple sclerosis-associated retrovirus (MRSV) envelope protein], humanized monoclonal antibody; gamma4 heavy chain (1-443) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (81.2%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (117-214), hinge S10>P (224) (215-226), CH2 (227-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (117-443)], (130-213')-disulfide with kappa light chain (1'-213') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (81.9%) -IGKJ4*01 (100%)) [5.3.9] (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dimer (222-222":225-225")-bisdisulfide immunomodulator

téméliab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[protéine d'enveloppe du rétrovirus associé à la sclérose en plaques (MRSV) de la famille W des rétrovirus endogènes (HERV) d'*Homo sapiens*], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma4 (1-443) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (81.2%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (117-214), charnière S10>P (224) (215-226), CH2 (227-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (117-443)], (130-213')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-213') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (81.9%) -IGKJ4*01 (100%)) [5.3.9] (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dimère (222-222":225-225")-bisdisulfure immunomodulateur

temelimab

immunoglobulina G4-kappa, anti-[proteína de la envoltura del retrovirus asociado a la esclerosis en placas (MRSV) de la familia W de los retrovirus endógenos (HERV) d'*Homo sapiens*], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma4 (1-443) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (81.2%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (117-214), bisagra S10>P (224) (215-226), CH2 (227-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (117-443)], (130-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-213') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (81.9%) -IGKJ4*01 (100%)) [5.3.9] (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dímero (222-222":225-225")-bisdisulfuro immunomodulador

1393641-34-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
 QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCRASGYTFT DYEMHWVRQA PGQGLEWIGA 50
 VAPETGGTAY NQKFKGRATI TADKSTSTAY MELSSLRSSEED TAVYYCTSTV 100
 VPFAYWGQGT LVTSSASTK GPSVFFLAPC SRSTSESTAA LGCLVKDYFP 150
 EPVTVSWNSG ALTSQVHTFP AVLQSSGLYS LSSVVTVPSS SLGKTKYTCN 200
 VDHKPSNPKV DKRVESKYGF PCPPCPAPEF LGGPSVFLFP PKPKDTLMIS 250
 RTPEVTCVVV DVSQEDPEVQ FNWYVDGVEV HNAKTKPREE QFNSTYRVVS 300
 VLTVLHQDWL NGKEYCKVVS NKGLPSSIEK TISKARGQPR EPQVYTLPPS 350
 QEEMTKNQVS LTCLVKGFYP SDIAVEWESN GQPPENNYKTT PAVLDSGDSF 400
 FLYSRLTVDK SRWQEGNVFS CSMVHEALHN HYTQKSLSLG LSK 443

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
 QIQLTQSPSS LSASVGRVIT ITCSASSSVS YMYWYQQKPKG KAPKAWIYRT 50
 SNLASGVPSR FSGSGSGTDY TLTISSLQPE DFATYYCQQY QSLPLTFGGG 100
 TKVEIKRTVA APSVFIPTPS DEQLKSGTAS VVCLLNNFYP REAKVQNKVD 150
 NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYSLSSTLTL SKADYEKHKV YACEVTHQGL 200
 SSPVTKSFNR GEC 213

Post-translational modifications
 Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
 Intra-H (C23-C104) 22-96 143-199 257-317 363-421
 22"-96" 143"-199" 257"-317" 363"-421"
 Intra-L (C23-C104) 23-87 133-193
 23"-87" 133"-193"
 Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 130-213 130"-213"
 Inter-H-H (h 8, h 11) 222-222 225-225"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
 H CH2 N84.4:
 293, 293"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
 complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

teserpaturevum #
 teserpaturev

A conditionally-replicating oncolytic Herpes simplex virus type 1 (HSV-1) strain F that has genetically engineered deletions within both copies of the γ 34.5 gene and within the α 47 gene, and further modified by insertion of an expressible beta-galactosidase (LacZ) gene in the ICP6 locus.

antineoplastic

téserpaturev

souche F du virus Herpes simplex type 1 (HSV-1), oncolytique, dont la réplication est conditionnée, avec délétions par génie génétique dans les deux copies du gène γ 34.5 et dans le gène α 47 et avec des modifications par insertion du gène expressible de la bêta-galactosidase (LacZ) dans le locus ICP6

antineoplásico

teserpaturev

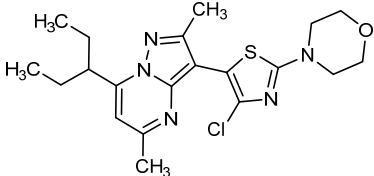
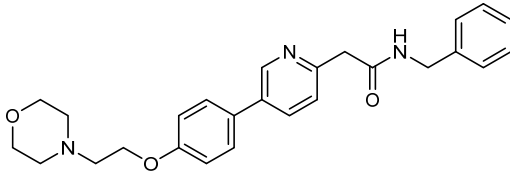
Un virus Herpes simplex de tipo 1 (VHS-1) de la cepa F oncolítico, con replicación condicionada, que tiene delecciones introducidas por ingeniería genética en ambas copias del gen γ 34.5 y en el gen α 47, y con modificaciones adicionales mediante inserción de un gén expresable de beta-galactosidasa (LacZ) en el locus ICP6.

antineoplásico

1802360-34-4

tildacerfontum
 tildacerfont

3-[4-chloro-2-(morpholin-4-yl)-1,3-thiazol-5-yl]-2,5-dimethyl-7-(pentan-3-yl)pyrazolo[1,5-a]pyrimidine
corticotropin releasing factor (CRF) antagonist

tildacerfont	3-[4-chloro-2-(morpholin-4-yl)-1,3-thiazol-5-yl]-2,5-diméthyl-7-(pentan-3-yl)pyrazolo[1,5-a]pyrimidine <i>antagoniste du facteur de libération de la corticotropine (CRF)</i>
tildacerfont	3-[4-cloro-2-(morfolin-4-il)-1,3-tiazol-5-il]-2,5-dimetil-7-(pentan-3-il)pirazolo[1,5-a]pirimidina <i>antagonista del factor de liberación de la corticotropina (CRF)</i>
	$C_{20}H_{26}ClN_5OS$ 1014983-00-6
	
tirbanibulum	
tirbanibulin	<i>N</i> -benzyl-2-(5-{4-[2-(morpholin-4-yl)ethoxy]phenyl}pyridin-2-yl)acetamide <i>antineoplastique</i>
tirbanibuline	<i>N</i> -benzyl-2-(5-{4-[2-(morpholin-4-yl)éthoxy]phényl}pyridin-2-yl)acétamide <i>antinéoplasique</i>
tirbanibulina	<i>N</i> -bencil-2-(5-{4-[2-(morfolin-4-il)etoxi]fenil}piridin-2-il)acetamida <i>antineoplásico</i>
	$C_{26}H_{29}N_3O_3$ 897016-82-9
	
tirzepatidum	
tirzepatide	L-tyrosyl-2-methylalanyl-L-α-glutamylglycyl-L-threonyl-L-phenylalanyl-L-threonyl-L-seryl-L-α-aspartyl-L-tyrosyl-L-seryl-L-isoleucyl-2-methylalanyl-L-leucyl-L-α-aspartyl-L-lysyl-L-isoleucyl-L-alanyl-L-glutaminy-L-N ^β -[(22S)-22,42-dicarboxy-10,19,24-trioxo-3,6,12,15-tetraoxa-9,18,23-triazadotetracontan-1-oyl]-L-lysyl-L-alanyl-L-phenylalanyl-L-valyl-L-glutaminy-L-tryptophyl-L-leucyl-L-isoleucyl-L-alanylglycylglycyl-L-prolyl-L-seryl-L-serylglycyl-L-alanyl-L-prolyl-L-prolyl-L-prolyl-L-serinamide <i>antidiabetic</i>

tirzépatide

L-tyrosil-2-méthylalanyl-L- α -glutamylglycyl-L-thréonyl-L-phénylalanyl-L-thréonyl-L-séryl-L- α -aspartyl-L-tyrosyl-L-séryl-L-isoleucyl-2-méthylalanyl-L-leucyl-L- α -aspartyl-L-lysyl-L-isoleucyl-L-alanyl-L-glutaminyL- N^6 -[(22S)-22,42-dicarboxy-10,19,24-trioxo-3,6,12,15-tétraoxa-9,18,23-triazadotétracontan-1-oyl]-L-lysyl-L-alanyl-L-phénylalanyl-L-valyl-L-glutaminyL-tryptophyl-L-leucyl-L-isoleucyl-L-alanyl-glycylglycyl-L-prolyl-L-séryl-L-sérylglycyl-L-alanyl-L-prolyl-L-prolyl-L-prolyl-L-sérinamide
hypoglycémiant

tirzepatida

L-tirosil-2-metilalanil-L- α -glutamilglicil-L-treonil-L-fenilalanil-L-treonil-L-seril-L- α -aspartil-L-tirosil-L-seril-L-isoleucil-2-metilalanil-L-leucil-L- α -aspartil-L-lisil-L-isoleucil-L-alanil-L-glutaminil- N^6 -[(22S)-22,42-dicarboxi-10,19,24-tetraoxo-3,6,12,15-trioxa-9,18,23-triazadotetracontan-1-oil]-L-lisil-L-alanil-L-fenilalanil-L-valil-L-glutaminil-L-triptofil-L-leucil-L-isoleucil-L-alanilglicilglicil-L-prozil-L-seril-L-serilglicil-L-alanil-L-prozil-L-prozil-L-prozil-L-serinamida
hipoglucemiante

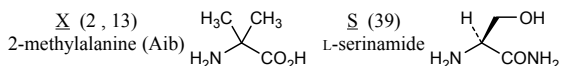
C₂₂₅H₃₄₈N₄₈O₆₈

2023788-19-2

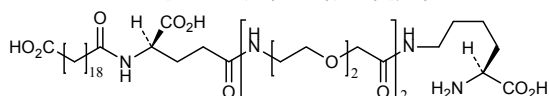
Sequence / Séquence / Secuencia

YXEGTFTSDY SXLDKIAQK AFVQWLIAGG PSSGAPPPS 39

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados



K (20) N^6 -{*N*-(hydrogen icosanedioyl)- γ -Glu-bis[iminobis(ethylenoxy)acetyl]}-Lysine

tofersenum
tofersen

all-P-ambo-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)adenylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)guanylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)guanylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyluridine
superoxide dismutase 1 (SOD1) synthesis inhibitor

tofersen

tout-P-ambo-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)adénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)guanylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)guanylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridine
inhibiteur de la synthèse de la superoxide dismutase 1 (SOD1)



tofersén

todo-P-ambo-2'-O-(2-metoxietil)-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)adenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)guanilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioadenilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)guanilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metiluridina
inhibidor de la síntesis de la superóxido dismutasa 1 (SOD1)

C₂₃₀H₃₁₇N₇₂O₁₂₃P₁₉S₁₅

2088232-70-4

$$^{19}\text{Na}^+ [(3'5')\text{-mC}=\text{A}=\text{G}=\text{C}=\text{A}=\text{dT}=\text{dA}=\text{dmC}=\text{dA}=\text{dT}=\text{dT}=\text{dmC}=\text{dT}=\text{dA}=\text{mC}=\text{A}=\text{G}=\text{mC}=\text{mU}]^{19}$$

Legend : X : 2'-O-(2-methoxyethyl) —  = 
 dX : 2'-deoxy
 mX : 5-methyl

toripalimabum #
toripalimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], monoclonal antibody;
 gamma4 heavy chain (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (80.6%) -(IGHD)-IGHJ3*01 (92.9%))] [8.8.18] (1-125) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (126-223), hinge S10>P (233) (224-235), CH2 (236-345), CH3 (346-450), CHS (451-452)) (126-452)], (139-219)-disulfide with kappa light chain (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (93.0%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (88.0%) -*Homo sapiens* IGKJ2*01 (100%))] [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219)]; dimer (231-231":234-234")-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

toripalimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal;

chaîne lourde gamma4 (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (80.6%) -(IGHD)-IGHJ3*01 (92.9%)) [8.8.18] (1-125) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (126-223), charnière S10>P (233) (224-235), CH2 (236-345), CH3 (346-450), CHS (451-452)) (126-452)], (139-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (93.0%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (88.0%) -*Homo sapiens* IGKJ2*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (231-231":234-234")-bisdisulfure immunomodulateur, antinéoplasique

toripalimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma4 (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (80.6%) -(IGHD)-IGHJ3*01 (92.9%)) [8.8.18] (1-125) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (126-223), bisagra S10>P (233) (224-235), CH2 (236-345), CH3 (346-450), CHS (451-452)) (126-452)], (139-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (93.0%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (88.0%) -*Homo sapiens* IGKJ2*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (231-231":234-234")-bisdisulfuro inmunomodulador, antineoplásico

1924598-82-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

QGQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT DYEMHWVRQA PIHGLEWIGV 50
IESETGGTAY NQKFKGRVTI TADKSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCAREG 100
ITTVATTYYW YFDVWVGQGT VIVSSASTKG PSVFPPLAPCS RSTSESTAAL 150
GCLVKDYFPE PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVFPSS 200
LGTRTYTCNV DHKPSNTKVD KRVESKYGPP CPPCPAPEFL GGPSVFLFPP 250
KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSQEDPEVQF NMYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
FNSTYRVVSV LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KGLPSSIEKT ISKAKGQPRE 350
PQVYTLPPSQ EEMTKNQVSL TCLVKGFPYS DIAVEWESNG QPENNYKTTT 400
PVLDSGGSFF LYSRLTVDKS RWQEGNVFSC SVMHEALHNN YTQKSLSLSL 450
GK 452

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

DVMVTQSPSL LPVTLGQPAS ISCRSSQSIV HSNGNITYLEW YLQKPGQSPQ 50
LLIYKVSNRF SGVPRDFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGV YYCFQGSHPV 100
LTFGQGTKLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKSTYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 152-208 266-326 372-430
22"-96" 152"-208" 266"-326" 372"-430"

Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139"-199"
23"-93" 139"-199"

Inter-H-L (CH1 10-CL126) 139-219' 139"-219"

Inter-H-H (h 8, h 11) 231-231" 234-234"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:
302, 302"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados

umibecestatum

umibecestat

N-{6-[(3*R*,6*R*)-5-amino-3,6-dimethyl-6-(trifluoromethyl)-3,6-dihydro-2*H*-1,4-oxazin-3-yl]-5-fluoropyridin-2-yl}-3-chloro-5-(trifluoromethyl)pyridine-2-carboxamide
beta-secretase inhibitor

umibécestat

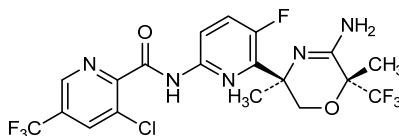
N-{6-[(3*R*,6*R*)-5-amino-3,6-diméthyl-6-(trifluorométhyl)-3,6-dihydro-2*H*-1,4-oxazin-3-yl]-5-fluoropyridin-2-yl}-3-chloro-5-(trifluorométhyl)pyridine-2-carboxamide
inhibiteur de la sécrétase bêta

umibecestat

N-{6-[(3*R*,6*R*)-5-amino-3,6-dimetil-6-(trifluorometil)-3,6-dihidro-2*H*-1,4-oxazin-3-il]-5-fluoropiridin-2-il}-3-cloro-5-(trifluorometil)piridina-2-carboxamida
inhibidor de la secretasa beta

C₁₉H₁₅ClF₇N₅O₂

1387560-01-1

**vafidemstatum**

vafidemstat

(4¹*R*,4²*S*)-6-oxa-3-aza-1(2)-[1,3,4]oxadiazola-5(1,4),8(1)-dibenzena-4(1,2)-cyclopropanaoctaphan-1⁵-amine
lysine-specific histone demethylase (LSD1) inhibitor

vafidemstat

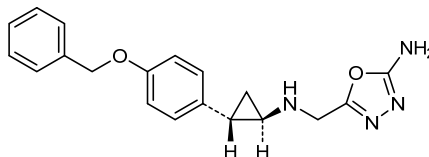
(4¹*R*,4²*S*)-6-oxa-3-aza-1(2)-[1,3,4]oxadiazola-5(1,4),8(1)-dibenzéna-4(1,2)-cyclopropanaoctaphan-1⁵-amine
inhibiteur de l'histone déméthylase-1 spécifique de la lysine (LSD1)

vafidemstat

(4¹*R*,4²*S*)-6-oxa-3-aza-1(2)-[1,3,4]oxadiazola-5(1,4),8(1)-dibencena-4(1,2)-ciclopropanaoctafan-1⁵-amina
inhibidor de la histona demetilasa-1 específica de la lisina (LSD1)

C₁₉H₂₀N₄O₂

1357362-02-7

**valecobulinum**

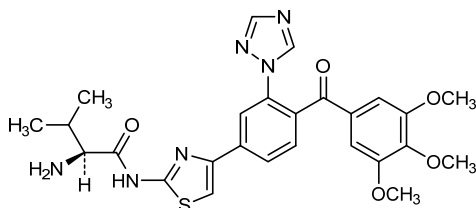
valecobulin

(2*S*)-2-amino-3-methyl-*N*-{4-[3-(1*H*-1,2,4-triazol-1-yl)-4-(3,4,5-trimethoxybenzoyl)phenyl]-1,3-thiazol-2-yl}butanamide
beta-tubulin polymerization inhibitor, antineoplastic

valécobuline	(2S)-2-amino-3-méthyl-N-{4-[3-(1H-1,2,4-triazol-1-yl)-4-(3,4,5-triméthoxybenzoyl)phényl]-1,3-thiazol-2-yl}butanamide <i>inhibiteur de la polymérisation de la bêta-tubuline, antinéoplasique</i>
valecobulina	(2S)-2-amino-3-metil-N-{4-[3-(1H-1,2,4-triazol-1-il)-4-(3,4,5-trimetoxybenzoil)fenil]-1,3-tiazol-2-il}butanamida <i>inhibidor de la polimerización de la beta-tubulina, antineoplásico</i>

C₂₆H₂₈N₆O₅S

1188371-47-2



zampilimabum #
zampilimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* TGM2 (transglutaminase 2, transglutaminase-2 (TG2), protein-glutamine-gamma-glutamyltransferase C polypeptide, TGC)], humanized and chimeric monoclonal antibody; gamma4 heavy chain (1-441) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.7] (1-114) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (115-212), hinge S10>P (222) (213-224), CH2 (225-334), CH3 (335-439), CHS (440-441)) (115-441)], (128-214')-disulfide with kappa light chain chimeric (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV14-111*01 (82.1%)/*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (78.9%) -*Homo sapiens* IGKJ1*01 (91.7%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (220-220'':223-223'')-bisdisulfide immunomodulator

zampilimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* TGM2 (transglutaminase 2, transglutaminase-2, TG2, protéine-glutamine-gamma-glutamyltransférase polypeptide C, TGC)], anticorps monoclonal humanisé et chimérique; chaîne lourde gamma4 (1-441) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.7] (1-114) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (115-212), charnière S10>P (222) (213-224), CH2 (225-334), CH3 (335-439), CHS (440-441)) (115-441)], (128-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa chimérique (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV14-111*01 (82.1%)/*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (78.9%) -*Homo sapiens* IGKJ1*01 (91.7%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (220-220'':223-223'')-bisdisulfure immunomodulateur

zampilimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* TGM2 (transglutaminasa 2, transglutaminasa-2, TG2, proteína-glutamina-gamma-glutamyltransferasa polipéptido C, TGC)], anticuerpo monoclonal humanizado y quimérico; cadena pesada gamma4 (1-441) [VH humanizado (*Homo sapiens*IGHV3-23*03 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.7] (1-114) -*Homo sapiens*IGHG4*01 (CH1 (115-212), bisagra S10>P (222) (213-224), CH2 (225-334), CH3 (335-439), CHS (440-441)) (115-441)], (128-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa quimérica (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV14-111*01 (82.1%)/*Homo sapiens*IGKV1-16*01 (78.9%) -*Homo sapiens*IGKJ1*01 (91.7%))] [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214'); dímero (220-220":223-223")-bisdisulfuro *inmunomodulador*

2098280-42-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTLS THAMSWVRQA PGKLEWVAT 50
ISSGGRSTYY PDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCARLI 100
STYWQQTLLV TVSSASTKGP SVFPLAPCSR STSESTAALG CLVKDYFPEP 150
VTVSWNSGAL TSGVHTFPAV LQSSGLYSL SVVTVPSSSL GTKTYTCNVD 200
HKPSNTKVDK RVESKYGPCC PPCPAPEFLG GPSVFLFPPK PKDTLMISRT 250
PEVTCVVVDV SQEDPEVQFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQF NSTYRVVSVL 300
TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK GLPSSIEKTI SKAKGQPREP QVYTLPPSQE 350
EMTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAVENESNGQ PENNYKTTTP VLDSDGSFEL 400
YSRLTVDKSR WQEGNVFSCS VMHEALHNYH TQKSLSLSLG K 441
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DITMTQSPSS LSASVGRDVT ITCKASQDIN SYLTWFQQPK GKAPKILIYL 50
VNRLVDGVPV RFGSGSGQD YALTISSLQF EDFATYYCLO YDDFPYTFGQ 100
GTRKVEIKRTV AAPSVPFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 141-197 255-315 361-419
 22"-96" 141"-197" 255"-315" 361"-419"
 Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194"
 23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 128-214" 128"-214"

Inter-H-H (h 8, h 11) 220-220" 223-223"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

291, 291"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

Electronic structure available on Mednet: <http://mednet.who.int/># Structure électronique disponible sur Mednet: <http://mednet.who.int/># Estructura electrónica disponible en Mednet: <http://mednet.who.int/>* <http://www.who.int/medicines/services/inn/publication/en/>

Names for Radicals and Groups

Some substances for which a proposed international nonproprietary name has been established may be used in the form of salts or esters. The radicals or groups involved may be of complex composition and it is then inconvenient to refer to them in a systematic chemical nomenclature. Consequently, shorter nonproprietary names for some radicals and groups have been devised or selected, and they are suggested for use with the proposed international nonproprietary names.

Dénominations applicables aux radicaux et groupes

Certaines substances pour lesquelles une dénomination commune internationale proposée a été établie sont parfois utilisées sous forme de sels ou d'esters. Les radicaux ou groupes correspondants sont alors quelques fois si complexes qu'il est malcommode de les désigner conformément à la nomenclature chimique systématique. Des dénominations communes abrégées ont donc été formées ou choisies pour certains d'entre eux et il est suggéré de les employer avec les dénominations communes internationales proposées.

Denominaciones para Radicales y Grupos

Ciertas sustancias para las cuales hay establecidas una denominación común internacional pueden usarse en forma de sales o de ésteres. Los radicales o grupos correspondientes pueden llegar a tener una composición tan compleja que resulte incómodo referirse a ellos mediante la nomenclatura química sistemática. Las siguientes denominaciones comunes abreviadas han sido ideadas o elegidas para algunos de estos radicales y grupos y se sugiere que se empleen con las denominaciones comunes internacionales propuestas

barzuxetanum

barzuxetan

4-{{(2*R*)-2-[bis(carboxymethyl)amino]-3-[[{(1*S*,2*S*)-2-[bis(carboxymethyl)amino]cyclohexyl]}(carboxymethyl)amino]propyl}phenyl)carbamothioyl

barzuxétan

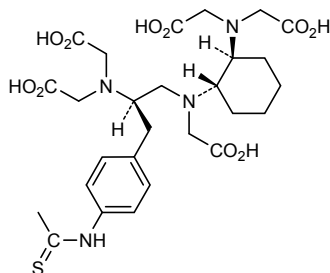
4-{{(2*R*)-2-[bis(carboxyméthyl)amino]-3-[[{(1*S*,2*S*)-2-[bis(carboxyméthyl)amino]cyclohexyl]}(carboxyméthyl)amino]propyl}phényl)carbamothioyle

barzuxetán

4-{{(2*R*)-2-[bis(carboximetil)amino]-3-[[{(1*S*,2*S*)-2-[bis(carboximetil)amino]ciclohexil]}(carboximetil)amino]propil}fenil)carbamotioil

C₂₆H₃₅N₄O₁₀S

157380-45-5



**AMENDMENTS TO PREVIOUS LISTS
MODIFICATIONS APPORTÉES AUX LISTES ANTÉRIEURES
MODIFICACIONES A LAS LISTAS ANTERIORES**

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 104
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 104
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 104
(WHO Drug Information, Vol. 24, No. 4, 2010)

- p. 389 **pracinostatium**
 pracinostat *replace the chemical name by the following one*
 pracinostat *sustitúyase el nombre químico por el siguiente*
- (2E)-3-{2-butyl-1-[2-(diethylamino)ethyl]-1H-benzimidazol-5-yl}-
 N-hydroxyprop-2-enamide
- (2E)-3-{2-butyl-1-[2-(diethylamino)etil]-1H-benzimidazol-5-il}-
 N-hidroxiprop-2-enamida

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 108
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 108
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 108
(WHO Drug Information, Vol. 26, No. 4, 2012)

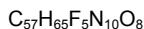
- p. 448 **turoctocogum alfa pegolum #**
 turoctocog alfa pegol *replace the description by the following one*
 turoctocog alfa pégol *remplacer la description par la suivante*
 turoctocog alfa pegol *sustitúyase la descripción por la siguiente*
- human coagulation factor VIII-(1-750)-(1638-1648)-peptide
 compound with human coagulation factor VIIIa light chain,
 glycosylated and pegylated;
- $O^{3,750}$ -[α -methylpoly(oxyethylene) 5-(acetamido)-3,5-dideoxy-D-
 glycerol- α -D-galactopyranosylate-(2 \rightarrow 4)- α -D-
 galactopyranosyl-(1 \rightarrow 4)-2-(acetamido)-2-deoxy- α -D-
 galactopyranosyl]-des-(751-1637)-human coagulation factor VIII-(1-
 1648)-peptide containing 92 kDa factor VIIIa heavy chain compound
 with human coagulation factor VIIIa light chain glycosylated
 (glycoform alfa produced in CHO cells)
- facteur VIII de coagulation humain-(1-750)-(1638-1648)-peptide
 associé à la chaîne légère du facteur VIIIa de coagulation humain
 glycosylés et pégylés;
- $O^{3,750}$ -[5-(acétamido)-3,5-didésoxy-D-glycéro- α -D-galacto-non-2-
 ulopyranosylate de α -méthylpoly(oxyéthylène)-(2 \rightarrow 4)- α -D-
 galactopyranosyl-(1 \rightarrow 4)-2-(acétamido)-2-déoxy- α -D-
 galactopyranosyl]-dès-(751-1637)-facteur VIII de coagulation
 humain-(1-1648)-peptide contenant la chaîne lourde de 92 kDa du
 facteur VIIIa associé à la chaîne légère du facteur VIIIa de coagulation
 humain glycosylés (glycoforme alfa produit par des cellules CHO)

factor VIII de coagulación humano-(1-750)-(1638-1648)-péptido asociado a la cadena ligera del factor VIIIa de coagulación humano glicosilados y pegilados;

$O^{3.750}$ -[5-(acetamido)-3,5-didesoxi-D-*glicero*-β-D-*galacto*-non-2-ulopiranosilolato de α-metilpoli(oxi-etileno)-(2→4)-α-D-galactopiranosil-(1→4)-2-(acetamido)-2-desoxi-α-D-galactopiranosil]-des-(751-1637)-factor VIII de coagulación humano-(1-1648)-péptido que contiene la cadena pesada de 92 kDa del factor VIIIa asociado a la cadena ligera del factor VIIIa de coagulación humano glicosilados (glicoforma alfa producido por células CHO)

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 114
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 114
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 114
(WHO Drug Information, Vol. 29, No. 4, 2015)

p. 655 **pibrentasvirum**
 pibrentasvir *replace the molecular formula by the following one*
 pibrentasvir *remplacer la formule moléculaire brute par la suivante*
 pibrentasvir *sustitúyase la fórmula molecular por la siguiente*



Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 117
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 117
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 117
(WHO Drug Information, Vol. 31, No. 2, 2017)

p. 243	<i>delete/supprimer/suprimáse</i> adavivintum	<i>insert/insérer/insertese</i> lorexivivintum
	adavivint	lorexivivint
	adavivint	loréxivivint
	adavivint	lorexivivint

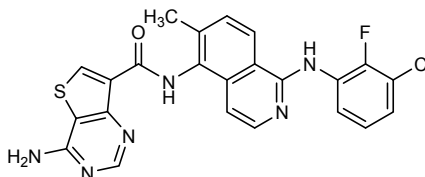
p. 297	<i>delete/supprimer/suprimáse</i> loxicodegolum	<i>insert/insérer/insertese</i> oxycodogolum
	loxicodegol	oxycodegol
	loxicodégol	oxycodégol
	loxicodegol	oxicodegol

p. 352-354	<i>delete/supprimer/suprimáse</i> votrisiranum	<i>insert/insérer/insertese</i> vutrisiranum
	votrisiran	vutrisiran
	votrisiran	vutrisiran
	votrisirán	vutrisirán

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 118
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 118
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 118
(WHO Drug Information, Vol. 31, No. 4, 2017)

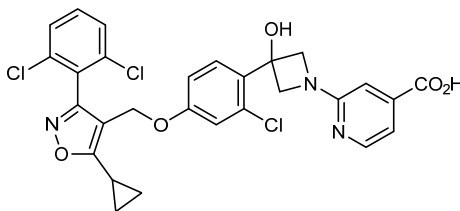
p. 645 **belvarafenibum**
 belvarafenib
 belvarafénib
 belvarafenib

replace the structure by the following one
remplacer la structure par la suivante
sustitúyase la estructura por la siguiente



p. 655 **cilofexorum**
 cilofexor
 cilofexor
 cilofexor

replace the structure by the following one
remplacer la structure par la suivante
sustitúyase la estructura por la siguiente



p. 663 **efinopegdutidum #**
 - 664 efinopegdutide
 éfinopegdutide
 efinopegdutida

replace the description and structure by the following ones
remplacer la description et structure par les suivantes
sustitúyase la descripción y la estructura por las siguientes

oxyntomodulin analogue, conjugated by a 10 kDa polyethylene glycol (PEG) linker (n ~ 225) to an Fc portion dimer of human immunoglobulin G4 (IgG4):

N^{1-1} -{3-[α -(3-{3-[(3RS)-3-({16,20-anhydro-[Ser²>Aib,Ser¹⁶>Glu,Arg¹⁷>Lys,Gln²⁰>Lys,Asp²¹>Glu,Lys³⁰>Cys]-oxyntomodulin (1-30)-peptide 30-amide)-S^{3,30}-yl)-2,5-dioxopyrrolidin-1-yl]propanamido)propyl) poly(oxyethylene)- ω -yloxy]propyl}[immunoglobulin G4 heavy chain constant region C-terminal 221-peptide dimer disulfide], non-glycosylated, immunoglobulin fragment dimer produced in *Escherichia coli*

analogue de l' oxyntomoduline (GLP-1), conjugué par un linker polyéthylène glycol (PEG) de 10 kDa (n ~ 225) à un dimère de fragment Fc d'immunoglobuline G4 (IgG4) humaine:

N^{1-1} -{3-[α -(3-{3-[(3RS)-3-({16,20-anhydro-[Ser²>Aib,Ser¹⁶>Glu,Arg¹⁷>Lys,Gln²⁰>Lys,Asp²¹>Glu,Lys³⁰>Cys]-oxyntomodulin (1-30)-peptide 30-amide)-S^{3,30}-yl)-2,5-dioxopyrrolidin-1-yl]propanamido)propyl) poly(oxyéthylène)- ω -yloxy]propyl}[peptide de 221 acides aminés de la région constante C-terminale de la chaîne lourde G4 d'immunoglobuline, dimère disulfure], non-glycosylé, dimère du fragment d'immunoglobuline produit par *Escherichia coli*

análogo de la oxintomodulina (GLP-1), conjugado por un enlace polietileno glicol (PEG) de 10 kDa (n ~ 225) a un dímero del fragmento Fc de la inmunoglobulina G4 (IgG4) humana:

$N^{1,1}$ -{3-[α -{3-[3-((3RS)-3-((16,20-anhidro-[Ser²>Aib,Ser¹⁶>Glu,Arg¹⁷>Lys,Gln²⁰>Lys,Asp²¹>Glu,Lys³⁰> Cys]-oxintomodulin (1-30)-péptido 30-amida)-S^{3,30}-il)-2,5-dioxopirrolidin-1-il]propanamido)propil]poli(oxietileno)- ω -iloxi]propil]}[péptido de 221 aminoácidos de la región constante C-terminal de la cadena pesada G4 de la inmunoglobulina, dímero disulfuro], no glicosilado, dímero del fragmento de la inmunoglobulina producido por *Escherichia coli*

Conjugated peptide / peptide conjugué / péptido conjugado

HBQGTFTSDY SKYLDEKRAK E³FVQWLMNTC-NH₂

Monomer / monomère / monómero IgG4 Fc

PSCPAPEFLG GPSVFLFPPK PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SQEDPEVQFN 50
 WYVDGVEVHN AKTKPREEQF NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK 100
 GLPSSIEKTI SKAKQPREP QVYTLPPSQE EMTKNQVSLT CLVKGFPYPSD 150
 IAVEWESNGQ PENNYKTPPT VLDSGDSGFFL YSRLTVDKSR WQEGNVFSCS 200
 VMHEALHNHY TQKSLSLSLG K 221

Disulfide bridges location / Positions des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

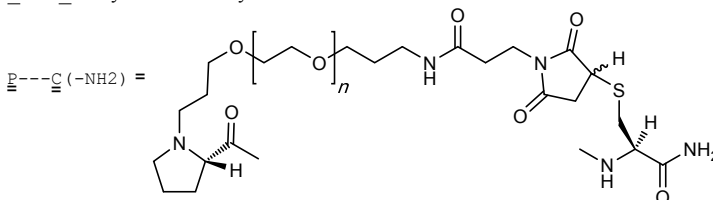
Intra-chain: 35-95 141-199 35'-95' 141'-199'

Inter-chain: 3-3'

Modified residues / résidus modifiés / restos modificados

B = 2-methylalanyl (2-aminoisobutyryl, Aib)

E . . . K = cyclic Glu^{5,16}-Lys^{6,20} amide bond



p. 670

etidaligidum

etidaligide

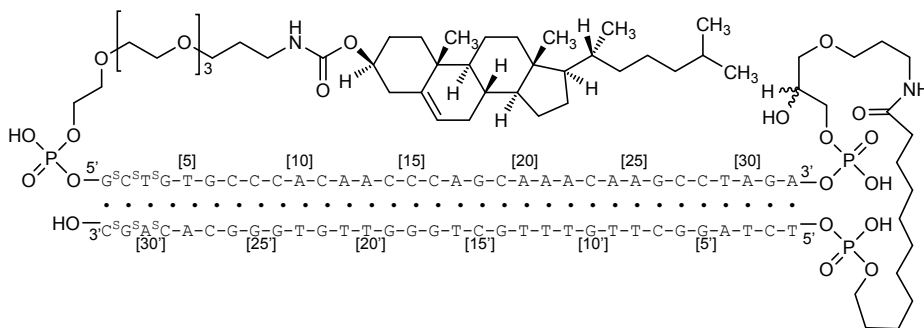
étidaligide

etidaligida

replace the structure by the following one

remplacer la structure par la suivante

sustitúyase la estructura por la siguiente



p. 697	<i>delete</i> opigolixum	<i>insert</i> opigolixum opigolix
p. 703	revosimelinum revosimeline révosiméline revosimelina	<i>replace the action and use by the following one</i> <i>remplacer le mécanisme d'action par le suivant</i> <i>sustitúyase el acción por el siguiente</i> <i>muscarinic receptor antagonist</i> <i>antagoniste des récepteurs muscariniques</i> <i>antagonista de los receptores muscarínicos</i>
p. 726-727	<i>delete/supprimer/suprimáse</i> vanalimabum vanalimab vanalimab vanalimab	<i>insert/insérer/insertese</i> mitazalimabum mitazalimab mitazalimab mitazalimab

ANNEX 1

PROCEDURE FOR THE SELECTION OF RECOMMENDED INTERNATIONAL NONPROPRIETARY NAMES FOR PHARMACEUTICAL SUBSTANCES¹

The following procedure shall be followed by the World Health Organization (hereinafter also referred to as "WHO") in the selection of recommended international nonproprietary names for pharmaceutical substances, in accordance with resolution WHA3.11 of the World Health Assembly, and in the substitution of such names.

Article 1 - Proposals for recommended international nonproprietary names and proposals for substitution of such names shall be submitted to WHO on the form provided therefore. The consideration of such proposals shall be subject to the payment of an administrative fee designed only to cover the corresponding costs of the Secretariat of WHO ("the Secretariat"). The amount of this fee shall be determined by the Secretariat and may, from time to time, be adjusted.

Article 2 - Such proposals shall be submitted by the Secretariat to the members of the Expert Advisory Panel on the International Pharmacopoeia and Pharmaceutical Preparations designated for this purpose, such designated members hereinafter referred to as "the INN Expert Group", for consideration in accordance with the "General principles for guidance in devising International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances", annexed to this procedure². The name used by the person discovering or first developing and marketing a pharmaceutical substance shall be accepted, unless there are compelling reasons to the contrary.

Article 3 - Subsequent to the examination provided for in article 2, the Secretariat shall give notice that a proposed international nonproprietary name is being considered.

a) Such notice shall be given by publication in *WHO Drug Information*³ and by letter to Member States and to national and regional pharmacopoeia commissions or other bodies designated by Member States.

i) Notice shall also be sent to the person who submitted the proposal ("the original applicant") and other persons known to be concerned with a name under consideration.

b) Such notice shall:

i) set forth the name under consideration;

ii) identify the person who submitted the proposal for naming the substance, if so requested by such person;

iii) identify the substance for which a name is being considered;

iv) set forth the time within which comments and objections will be received and the person and place to whom they should be directed;

v) state the authority under which WHO is acting and refer to these rules of procedure.

¹ See Annex 1 in WHO Technical Report Series, No. 581, 1975. The original text was adopted by the Executive Board in resolution EB15.R7 and amended in resolutions EB43.R9 and EB115.R4.

² See Annex 2.

³ Before 1987, lists of international nonproprietary names were published in the *Chronicle of the World Health Organization*.

c) In forwarding the notice, the Secretariat shall request that Member States take such steps as are necessary to prevent the acquisition of proprietary rights in the proposed name during the period it is under consideration by WHO.

Article 4 - Comments on the proposed name may be forwarded by any person to WHO within four months of the date of publication, under article 3, of the name in *WHO Drug Information*.

Article 5 - A formal objection to a proposed name may be filed by any interested person within four months of the date of publication, under article 3, of the name in *WHO Drug Information*.

Such objection shall:

- i) identify the person objecting;
- ii) state his or her interest in the name;
- iii) set forth the reasons for his or her objection to the name proposed.

Article 6 - Where there is a formal objection under article 5, WHO may either reconsider the proposed name or use its good offices to attempt to obtain withdrawal of the objection. Without prejudice to the consideration by WHO of a substitute name or names, a name shall not be selected by WHO as a recommended international nonproprietary name while there exists a formal objection thereto filed under article 5 which has not been withdrawn.

Article 7 - Where no objection has been filed under article 5, or all objections previously filed have been withdrawn, the Secretariat shall give notice in accordance with subsection (a) of article 3 that the name has been selected by WHO as a recommended international nonproprietary name.

Article 8 - In forwarding a recommended international nonproprietary name to Member States under article 7, the Secretariat shall:

- a) request that it be recognized as the nonproprietary name for the substance; and
- b) request that Member States take such steps as are necessary to prevent the acquisition of proprietary rights in the name and to prohibit registration of the name as a trademark or trade name.

Article 9

a) In the extraordinary circumstance that a previously recommended international nonproprietary name gives rise to errors in medication, prescription or distribution, or a demonstrable risk thereof, because of similarity with another name in pharmaceutical and/or prescription practices, and it appears that such errors or potential errors cannot readily be resolved through other interventions than a possible substitution of a previously recommended international nonproprietary name, or in the event that a previously recommended international nonproprietary name differs substantially from the nonproprietary name approved in a significant number of Member States, or in other such extraordinary circumstances that justify a substitution of a recommended international nonproprietary name, proposals to that effect may be filed by any interested person. Such proposals shall be submitted on the form provided therefore and shall:

- i) identify the person making the proposal;
 - ii) state his or her interest in the proposed substitution; and
 - iii) set forth the reasons for the proposal; and
 - iv) describe, and provide documentary evidence regarding the other interventions undertaken in an effort to resolve the situation, and the reasons why these other interventions were inadequate.
-

Such proposals may include a proposal for a new substitute international nonproprietary name, devised in accordance with the General principles, which takes into account the pharmaceutical substance for which the new substitute international nonproprietary name is being proposed.

The Secretariat shall forward a copy of the proposal, for consideration in accordance with the procedure described in subsection (b) below, to the INN Expert Group and the original applicant or its successor (if different from the person bringing the proposal for substitution and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations).

In addition, the Secretariat shall request comments on the proposal from:

- i) Member States and national and regional pharmacopoeia commissions or other bodies designated by Member States (by including a notice to that effect in the letter referred to in article 3(a), and
- ii) any other persons known to be concerned by the proposed substitution.

The request for comments shall:

- i) state the recommended international nonproprietary name that is being proposed for substitution (and the proposed substitute name, if provided);
- ii) identify the person who submitted the proposal for substitution (if so requested by such person);
- iii) identify the substance to which the proposed substitution relates and reasons put forward for substitution;
- iv) set forth the time within which comments will be received and the person and place to whom they should be directed; and
- v) state the authority under which WHO is acting and refer to these rules of procedure.

Comments on the proposed substitution may be forwarded by any person to WHO within four months of the date of the request for comments.

b) After the time period for comments referred to above has elapsed, the Secretariat shall forward any comments received to the INN Expert Group, the original applicant or its successor and the person bringing the proposal for substitution. If, after consideration of the proposal for substitution and the comments received, the INN Expert Group, the person bringing the proposal for substitution and the original applicant or its successor all agree that there is a need to substitute the previously recommended international nonproprietary name, the Secretariat shall submit the proposal for substitution to the INN Expert Group for further processing.

Notwithstanding the foregoing, the original applicant or its successor shall not be entitled to withhold agreement to a proposal for substitution in the event the original applicant or its successor has no demonstrable continuing interest in the recommended international nonproprietary name proposed for substitution.

In the event that a proposal for substitution shall be submitted to the INN Expert Group for further processing, the INN Expert Group will select a new international nonproprietary name in accordance with the General principles referred to in article 2 and the procedure set forth in articles 3 to 8 inclusive. The notices to be given by the Secretariat under article 3 and article 7, respectively, including to the original applicant or its successor (if not the same as the person proposing the substitution, and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations), shall in such event indicate that the new name is a substitute for a previously recommended international nonproprietary name and that Member States may wish to make transitional arrangements in order to accommodate existing products that use the previously recommended international nonproprietary name on their label in accordance with national legislation.

If, after consideration of the proposal for substitution and the comments received in accordance with the procedure described above, the INN Expert Group, the original applicant or its successor and the person bringing the proposal for substitution do not agree that there are compelling reasons for substitution of a previously recommended international nonproprietary name, this name shall be retained (provided always that the original applicant or its successor shall not be entitled to withhold agreement to a proposal for substitution in the event that the original applicant or its successor has no demonstrable continuing interest in the recommended international nonproprietary name proposed to be substituted). In such an event, the Secretariat shall advise the person having proposed the substitution, as well as the original applicant or its successor (if not the same as the person proposing the substitution, and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations), Member States, national and regional pharmacopoeia commissions, other bodies designated by Member States, and any other persons known to be concerned by the proposed substitution that, despite a proposal for substitution, it has been decided to retain the previously recommended international nonproprietary name (with a description of the reason(s) why the proposal for substitution was not considered sufficiently compelling).

ANNEX 2

GENERAL PRINCIPLES FOR GUIDANCE IN DEVISING INTERNATIONAL NONPROPRIETARY NAMES FOR PHARMACEUTICAL SUBSTANCES¹

1. International Nonproprietary Names (INN) should be distinctive in sound and spelling. They should not be inconveniently long and should not be liable to confusion with names in common use.

2. The INN for a substance belonging to a group of pharmacologically related substances should, where appropriate, show this relationship. Names that are likely to convey to a patient an anatomical, physiological, pathological or therapeutic suggestion should be avoided.

These primary principles are to be implemented by using the following secondary principles:

3. In devising the INN of the first substance in a new pharmacological group, consideration should be given to the possibility of devising suitable INN for related substances, belonging to the new group.

4. In devising INN for acids, one-word names are preferred; their salts should be named without modifying the acid name, e.g. "oxacillin" and "oxacillin sodium", "ibufenac" and "ibufenac sodium".

5. INN for substances which are used as salts should in general apply to the active base or the active acid. Names for different salts or esters of the same active substance should differ only in respect of the name of the inactive acid or the inactive base.

For quaternary ammonium substances, the cation and anion should be named appropriately as separate components of a quaternary substance and not in the amine-salt style.

6. The use of an isolated letter or number should be avoided; hyphenated construction is also undesirable.

7. To facilitate the translation and pronunciation of INN, "f" should be used instead of "ph", "t" instead of "th", "e" instead of "ae" or "oe", and "i" instead of "y"; the use of the letters "h" and "k" should be avoided.

¹ In its Twentieth report (WHO Technical Report Series, No. 581, 1975), the WHO Expert committee on Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances reviewed the general principles for devising, and the procedures for selecting, INN in the light of developments in pharmaceutical compounds in recent years. The most significant change has been the extension to the naming of synthetic chemical substances of the practice previously used for substances originating in or derived from natural products. This practice involves the use of a characteristic "stem" indicative of a common property of the members of a group. The reason for, and the implications of, the change are fully discussed.

The guiding principles were updated during the 13th Consultation on nonproprietary names for pharmaceutical substances (Geneva, 27-29 April 1983) (PHARM S/NOM 928 13 May 1983, revised 18 August 1983).

8. Provided that the names suggested are in accordance with these principles, names proposed by the person discovering or first developing and marketing a pharmaceutical preparation, or names already officially in use in any country, should receive preferential consideration.

9. Group relationship in INN (see General principle 2) should if possible be shown by using a common stem. The following list contains examples of stems for groups of substances, particularly for new groups. There are many other stems in active use.¹ Where a stem is shown without any hyphens it may be used anywhere in the name.

Latin	English	
-acum	-ac	anti-inflammatory agents, ibufenac derivatives
-adolum	-adol }	analgesics
-adol-	-adol-}	
-astum	-ast	antiasthmatic, antiallergic substances not acting primarily as antihistaminics
-astinum	-astine	antihistaminics
-azepamum	-azepam	diazepam derivatives
bol	bol	steroids, anabolic
-cain-	-cain-	class I antiarrhythmics, procainamide and lidocaine derivatives
-cainum	-caine	local anaesthetics
cef-	cef-	antibiotics, cephalosporanic acid derivatives
-cillinum	-cillin	antibiotics, 6-aminopenicillanic acid derivatives
-conazolom	-conazole	systemic antifungal agents, miconazole derivatives
cort	cort	corticosteroids, except prednisolone derivatives
-coxibum	-coxib	selective cyclo-oxygenase inhibitors
-entanum	-entan	endothelin receptor antagonists
gab	gab	gabamimetic agents
gado-	gado-	diagnostic agents, gadolinium derivatives
-gatanum	-gatan	thrombin inhibitors, antithrombotic agents
gest	gest	steroids, progestogens
gli	gli	antihyperglycaemics
io-	io-	iodine-containing contrast media
-metacinum	-metacin	anti-inflammatory, indometacin derivatives
-mycinum	-mycin	antibiotics, produced by <i>Streptomyces</i> strains
-nidazolom	-nidazole	antiprotozoal substances, metronidazole derivatives
-ololum	-olol	β-adrenoreceptor antagonists
-oxacinum	-oxacin	antibacterial agents, nalidixic acid derivatives
-platinum	-platin	antineoplastic agents, platinum derivatives
-poetinum	-poetin	erythropoietin type blood factors
-pril(at)um	-pril(at)	angiotensin-converting enzyme inhibitors
-profenum	-profen	anti-inflammatory substances, ibuprofen derivatives
prost	prost	prostaglandins
-relinum	-relin	pituitary hormone release-stimulating peptides
-sartanum	-sartan	angiotensin II receptor antagonists, antihypertensive (non-peptidic)
-vaptanum	-vaptan	vasopressin receptor antagonists
vin-	vin- }	vinca-type alkaloids
-vin-	-vin-}	

¹ A more extensive listing of stems is contained in the working document WHO/EMP/RHT/TSN/2013.1 which is regularly updated and can be requested from the INN Programme, WHO, Geneva.

ANNEXE 1

**PROCEDURE A SUIVRE EN VUE DU CHOIX DE DENOMINATIONS
COMMUNES INTERNATIONALES RECOMMANDEES POUR LES
SUBSTANCES PHARMACEUTIQUES¹**

L'Organisation mondiale de la Santé (également désignée ci-après sous l'appellation « OMS ») observe la procédure exposée ci-dessous pour l'attribution de dénominations communes internationales recommandées pour les substances pharmaceutiques, conformément à la résolution WHA3.11 de l'Assemblée mondiale de la Santé, et pour le remplacement de telles dénominations.

Article 1 - Les propositions de dénominations communes internationales recommandées et les propositions de remplacement de telles dénominations sont soumises à l'OMS sur la formule prévue à cet effet. L'examen de telles propositions est soumis au paiement d'une taxe administrative destinée uniquement à couvrir les coûts correspondants assumés par le Secrétariat de l'OMS (« le Secrétariat »). Le montant de cette taxe est déterminé par le Secrétariat et peut être modifié de temps à autre.

Article 2 - Ces propositions sont soumises par le Secrétariat aux experts désignés à cette fin parmi les personnalités inscrites au Tableau d'experts de la Pharmacopée internationale et des Préparations pharmaceutiques, ci-après désignés sous l'appellation « le Groupe d'experts des DCI » ; elles sont examinées par les experts conformément aux « Directives générales pour la formation de dénominations communes internationales pour les substances pharmaceutiques » reproduites ci-après². La dénomination acceptée est la dénomination employée par la personne qui découvre ou qui, la première, fabrique et lance sur le marché une substance pharmaceutique, à moins que des raisons majeures n'obligent à s'écarter de cette règle.

Article 3 - Après l'examen prévu à l'article 2, le Secrétariat notifie qu'un projet de dénomination commune internationale est à l'étude.

a) Cette notification est faite par une insertion dans *WHO Drug Information*³ et par l'envoi d'une lettre aux Etats Membres et aux commissions nationales et régionales de pharmacopée ou autres organismes désignés par les Etats Membres.

i) Notification est également faite à la personne qui a soumis la proposition (« le demandeur initial ») et à d'autres personnes portant à la dénomination mise à l'étude un intérêt notoire.

b) Cette notification contient les indications suivantes :

i) dénomination mise à l'étude;

ii) nom de l'auteur de la proposition tendant à attribuer une dénomination à la substance, si cette personne le demande ;

iii) définition de la substance dont la dénomination est mise à l'étude ;

iv) délai pendant lequel seront reçues les observations et les objections à l'égard de cette dénomination ; nom et adresse de la personne habilitée à recevoir ces observations et objections ;

v) mention des pouvoirs en vertu desquels agit l'OMS et référence au présent règlement.

¹ Voir annexe 1 dans OMS, Série de Rapports techniques, N° 581, 1975. Le texte original a été adopté par le Conseil exécutif dans sa résolution EB15.R7 et amendé dans ses résolutions EB43.R9 et EB115.R4.

² Voir annexe 2.

³ Avant 1987, les listes de dénominations communes internationales étaient publiées dans la *Chronique de l'Organisation mondiale de la Santé*.

c) En envoyant cette notification, le Secrétariat demande aux Etats Membres de prendre les mesures nécessaires pour prévenir l'acquisition de droits de propriété sur la dénomination proposée pendant la période au cours de laquelle cette dénomination est mise à l'étude par l'OMS.

Article 4 - Des observations sur la dénomination proposée peuvent être adressées à l'OMS par toute personne, dans les quatre mois qui suivent la date de publication de la dénomination dans *WHO Drug Information* (voir l'article 3).

Article 5 - Toute personne intéressée peut formuler une objection formelle contre la dénomination proposée dans les quatre mois qui suivent la date de publication de la dénomination dans *WHO Drug Information* (voir l'article 3).

Cette objection doit s'accompagner des indications suivantes :

- i) nom de l'auteur de l'objection ;
- ii) intérêt qu'il ou elle porte à la dénomination en cause ;
- iii) raisons motivant l'objection contre la dénomination proposée.

Article 6 - Lorsqu'une objection formelle est formulée en vertu de l'article 5, l'OMS peut soit soumettre la dénomination proposée à un nouvel examen, soit intervenir pour tenter d'obtenir le retrait de l'objection. Sans préjudice de l'examen par l'OMS d'une ou de plusieurs appellations de remplacement, l'OMS n'adopte pas d'appellation comme dénomination commune internationale recommandée tant qu'une objection formelle présentée conformément à l'article 5 n'est pas levée.

Article 7 - Lorsqu'il n'est formulé aucune objection en vertu de l'article 5, ou que toutes les objections présentées ont été levées, le Secrétariat fait une notification conformément aux dispositions du paragraphe a) de l'article 3, en indiquant que la dénomination a été choisie par l'OMS en tant que dénomination commune internationale recommandée.

Article 8 - En communiquant aux Etats Membres, conformément à l'article 7, une dénomination commune internationale recommandée, le Secrétariat :

- a) demande que cette dénomination soit reconnue comme dénomination commune de la substance considérée ; et
- b) demande aux Etats Membres de prendre les mesures nécessaires pour prévenir l'acquisition de droits de propriété sur cette dénomination et interdire le dépôt de cette dénomination comme marque ou appellation commerciale.

Article 9 -

a) Dans le cas exceptionnel où une dénomination commune internationale déjà recommandée donne lieu à des erreurs de médication, de prescription ou de distribution ou en comporte un risque démontrable, en raison d'une similitude avec une autre appellation dans la pratique pharmaceutique et/ou de prescription, et où il apparaît que ces erreurs ou ces risques d'erreur ne peuvent être facilement évités par d'autres interventions que le remplacement éventuel d'une dénomination commune internationale déjà recommandée, ou dans le cas où une dénomination commune internationale déjà recommandée diffère sensiblement de la dénomination commune approuvée dans un nombre important d'Etats Membres, ou dans d'autres circonstances exceptionnelles qui justifient le remplacement d'une dénomination commune internationale recommandée, toute personne intéressée peut formuler une proposition dans ce sens. Cette proposition est présentée sur la formule prévue à cet effet et doit s'accompagner des indications suivantes :

- i) nom de l'auteur de la proposition ;
- ii) intérêt qu'il ou elle porte au remplacement proposé ;
- iii) raisons motivant la proposition ; et

iv) description, faits à l'appui, des autres interventions entreprises pour tenter de régler le problème et exposé des raisons pour lesquelles ces interventions ont échoué.

Les propositions peuvent comprendre une proposition de nouvelle dénomination commune internationale de remplacement, établie conformément aux Directives générales, compte tenu de la substance pharmaceutique pour laquelle la nouvelle dénomination commune internationale de remplacement est proposée.

Le Secrétariat transmet une copie de la proposition pour examen, conformément à la procédure exposée plus loin au paragraphe b), au Groupe d'experts des DCI et au demandeur initial ou à son successeur (s'il s'agit d'une personne différente de celle qui a formulé la proposition de remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles).

De plus, le Secrétariat demande aux entités et personnes ci-après de formuler des observations sur la proposition :

i) les Etats Membres et les commissions nationales et régionales de pharmacopée ou d'autres organismes désignés par les Etats Membres (en insérant une note à cet effet dans la lettre mentionnée à l'article 3.a), et

ii) toutes autres personnes portant au remplacement proposé un intérêt notoire.

La demande d'observations contient les indications suivantes :

i) dénomination commune internationale recommandée pour laquelle un remplacement est proposé (et la dénomination de remplacement proposée, si elle est fournie) ;

ii) nom de l'auteur de la proposition de remplacement (si cette personne le demande) ;

iii) définition de la substance faisant l'objet du remplacement proposé et raisons avancées pour le remplacement ;

iv) délai pendant lequel seront reçus les commentaires et nom et adresse de la personne habilitée à recevoir ces commentaires ; et

v) mention des pouvoirs en vertu desquels agit l'OMS et référence au présent règlement.

Des observations sur la proposition de remplacement peuvent être communiquées par toute personne à l'OMS dans les quatre mois qui suivent la date de la demande d'observations.

b) Une fois échu le délai prévu ci-dessus pour la communication d'observations, le Secrétariat transmet les observations reçues au Groupe d'experts des DCI, au demandeur initial ou à son successeur et à l'auteur de la proposition de remplacement. Si, après avoir examiné la proposition de remplacement et les observations reçues, le Groupe d'experts des DCI, l'auteur de la proposition de remplacement et le demandeur initial ou son successeur reconnaissent tous qu'il est nécessaire de remplacer la dénomination commune internationale déjà recommandée, le Secrétariat soumet la proposition de remplacement au Groupe d'experts des DCI pour qu'il y donne suite.

Nonobstant ce qui précède, le demandeur initial ou son successeur n'est pas habilité à refuser son accord à une proposition de remplacement au cas où il ne peut être démontré qu'il porte un intérêt durable à la dénomination commune internationale recommandée qu'il est proposé de remplacer.

Dans le cas où une proposition de remplacement est soumise au Groupe d'experts des DCI pour qu'il y donne suite, le Groupe choisit une nouvelle dénomination commune internationale conformément aux Directives générales mentionnées à l'article 2 et selon la procédure décrite dans les articles 3 à 8 inclus. La notification faite par le Secrétariat en vertu de l'article 3 et de l'article 7, respectivement, y compris au demandeur initial ou à son successeur (si ce n'est pas la même personne que celle qui a

proposé le remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles), doit dans un tel cas indiquer que la nouvelle dénomination remplace une dénomination commune internationale déjà recommandée et que les Etats Membres peuvent souhaiter prendre des mesures transitoires pour les produits existants qui utilisent la dénomination commune internationale déjà recommandée sur leur étiquette conformément à la législation nationale.

Si, après examen de la proposition de remplacement et des observations communiquées conformément à la procédure exposée plus haut, le Groupe d'experts des DCI, le demandeur initial ou son successeur et l'auteur de la proposition de remplacement ne s'accordent pas sur le fait qu'il y a des raisons impératives de remplacer une dénomination commune internationale déjà recommandée, cette dernière est conservée (étant entendu toujours que le demandeur initial ou son successeur n'est pas habilité à refuser son accord à une proposition de remplacement au cas où il ne peut être démontré qu'il porte un intérêt durable à la dénomination commune internationale recommandée qu'il est proposé de remplacer). Dans un tel cas, le Secrétariat informe l'auteur de la proposition de remplacement, ainsi que le demandeur initial ou son successeur (s'il s'agit d'une personne différente de celle qui a formulé la proposition de remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles), les Etats Membres, les commissions nationales et régionales de pharmacopée, les autres organismes désignés par les Etats Membres et toutes autres personnes portant un intérêt notoire au remplacement proposé que, malgré une proposition de remplacement, il a été décidé de conserver la dénomination commune internationale déjà recommandée (avec une brève description de la ou des raisons pour lesquelles la proposition de remplacement n'a pas été jugée suffisamment impérative).

ANNEXE 2

DIRECTIVES GENERALES POUR LA FORMATION DE DENOMINATIONS COMMUNES INTERNATIONALES APPLICABLES AUX SUBSTANCES PHARMACEUTIQUES¹

1. Les dénominations communes internationales (DCI) devront se distinguer les unes des autres par leur consonance et leur orthographe. Elles ne devront pas être d'une longueur excessive, ni prêter à confusion avec des appellations déjà couramment employées.

2. La DCI de chaque substance devra, si possible, indiquer sa parenté pharmacologique. Les dénominations susceptibles d'évoquer pour les malades des considérations anatomiques, physiologiques, pathologiques ou thérapeutiques devront être évitées dans la mesure du possible.

Outre ces deux principes fondamentaux, on respectera les principes secondaires suivants :

3. Lorsqu'on formera la DCI de la première substance d'un nouveau groupe pharmacologique, on tiendra compte de la possibilité de former ultérieurement d'autres DCI appropriées pour les substances apparentées du même groupe.

4. Pour former des DCI des acides, on utilisera de préférence un seul mot. Leurs sels devront être désignés par un terme qui ne modifie pas le nom de l'acide d'origine : par exemple «oxacilline» et «oxacilline sodique», «ibufénac» et «ibufénac sodique».

5. Les DCI pour les substances utilisées sous forme de sels devront en général s'appliquer à la base active (ou à l'acide actif). Les dénominations pour différents sels ou esters d'une même substance active ne différeront que par le nom de l'acide inactif (ou de la base inactif).

¹ Dans son vingtième rapport (OMS, Série de Rapports techniques, N° 581, 1975), le Comité OMS d'experts des Dénominations communes pour les Substances pharmaceutiques a examiné les directives générales pour la formation des dénominations communes internationales et la procédure à suivre en vue de leur choix, compte tenu de l'évolution du secteur pharmaceutique au cours des dernières années. La modification la plus importante a été l'extension aux substances de synthèse de la pratique normalement suivie pour désigner les substances tirées ou dérivées de produits naturels. Cette pratique consiste à employer des syllabes communes ou groupes de syllabes communes (segments-clés) qui sont caractéristiques et indiquent une propriété commune aux membres du groupe des substances pour lequel ces segments-clés ont été retenus. Les raisons et les conséquences de cette modification ont fait l'objet de discussions approfondies.

Les directives ont été mises à jour lors de la treizième consultation sur les dénominations PHARM pour les substances pharmaceutiques (Genève, 27-29 avril 1983) (PHARM S/NOM 928, 13 mai 1983, révision en date du 18 août 1983).

En ce qui concerne les substances à base d'ammonium quaternaire, la dénomination s'appliquera de façon appropriée au cation et à l'anion en tant qu'éléments distincts d'une substance quaternaire. On évitera de choisir une désignation évoquant un sel aminé.

6. On évitera d'ajouter une lettre ou un chiffre isolé ; en outre, on renoncera de préférence au trait d'union.

7. Pour simplifier la traduction et la prononciation des DCI, la lettre « f » sera utilisée à la place de « ph », « t » à la place de « th », « e » à la place de « ae » ou « oe », et « i » à la place de « y » ; l'usage des lettres « h » et « k » sera aussi évité.

8. On retiendra de préférence, pour autant qu'elles respectent les principes énoncés ici, les dénominations proposées par les personnes qui ont découvert ou qui, les premières, ont fabriqué et lancé sur le marché les préparations pharmaceutiques considérées, ou les dénominations déjà officiellement adoptées par un pays.

9. La parenté entre substances d'un même groupe (voir Directive générale 2) sera si possible indiquée dans les DCI par l'emploi de segments-clés communs. La liste ci-après contient des exemples de segments-clés pour des groupes de substances, surtout pour des groupes récents. Il y a beaucoup d'autres segments-clés en utilisation active.¹ Les segments-clés indiqués sans trait d'union pourront être insérés n'importe où dans une dénomination.

Latin	Français	
-acum	-ac	substances anti-inflammatoires du groupe de l'ibufénac
-adolum	-adol	
-adol-	-adol-	} analgésiques
-astum	-ast	
		antiasthmatiques, antiallergiques n'agissant pas principalement en tant qu'antihistaminiques
-astinum	-astine	antihistaminiques
-azepamum	-azéпам	substances du groupe du diazépam
bol	bol	stéroïdes anabolisants
-cain-	-caïn-	antiarythmiques de classe I, dérivés du procaïnamide et de la lidocaïne
		anesthésiques locaux
-cainum	-caïne	antibiotiques, dérivés de l'acide céphalosporanique
cef-	céf-	antibiotiques, dérivés de l'acide 6-aminopénicillanique
-cillinum	-cilline	agents antifongiques systémiques du groupe du miconazole
-conazolium	-conazole	corticostéroïdes, autres que les dérivés de la prednisolone
cort	cort	inhibiteurs sélectifs de la cyclo-oxygénase
-coxibum	-coxib	antagonistes du récepteur de l'endothéline
-entanum	-entan	gabamimétiques
gab	gab	agents diagnostiques, dérivés du gadolinium
gado-	gado-	antithrombines, antithrombotiques
-gatrimum	-gatrane	stéroïdes progestogènes
gest	gest	antihyperglycémiant
gli	gli	produits de contraste iodés
io-	io-	substances anti-inflammatoires du groupe de l'indométacine
-metacinum	-métacine	antibiotiques produits par des souches de <i>Streptomyces</i>
-mycinum	-mycine	substances antiprotozoaires du groupe du métronidazole
-nidazolium	-nidazole	antagonistes des récepteurs β-adrénergiques
-ololum	-olol	substances antibactériennes du groupe de l'acide nalidixique
-oxacinum	-oxacine	antinéoplasiques, dérivés du platine
-platinum	-poétine	facteurs sanguins de type érythropoïétine
-poetinum	-pril(ate)	inhibiteurs de l'enzyme de conversion de l'angiotensine
-pril(at)um	-profène	substances anti-inflammatoires du groupe de l'ibuprofène
-profenum	prost	prostaglandines

¹ Une liste plus complète de segments-clés est contenue dans le document de travail WHO/EMP/RHT/TSN/2013.1 qui est régulièrement mis à jour et qui peut être demandé auprès du programme des DCI, OMS, Genève.

-relinum	-réline	peptides stimulant la libération d'hormones hypophysaires
-sartanum	-sartan	antagonistes d'un récepteur de l'angiotensine II, antihypertenseurs (non peptidiques)
-vaptanum	-vaptan	antagonistes du récepteur de la vasopressine
vin-	vin- }	alcaloïdes du type vinca
-vin-	-vin- }	

ANEXO 1

**PROCEDIMIENTO DE SELECCIÓN DE DENOMINACIONES COMUNES INTERNACIONALES
RECOMENDADAS PARA SUSTANCIAS FARMACÉUTICAS¹**

La Organización Mundial de la Salud (OMS) seguirá el procedimiento que se expone a continuación tanto para seleccionar denominaciones comunes internacionales recomendadas para las sustancias farmacéuticas, de conformidad con lo dispuesto en la resolución WHA3.11, como para sustituir esas denominaciones.

Artículo 1 - Las propuestas de denominaciones comunes internacionales recomendadas y las propuestas de sustitución de esas denominaciones se presentarán a la OMS en los formularios que se proporcionen a estos efectos. El estudio de estas propuestas estará sujeto al pago de una tasa destinada a sufragar los costos de administración que ello suponga para la Secretaría de la OMS («la Secretaría»). La Secretaría establecerá la cuantía de esa tasa y podrá ajustarla periódicamente.

Artículo 2 - Estas propuestas serán sometidas por la Secretaría a los miembros del Cuadro de Expertos en Farmacopea Internacional y Preparaciones Farmacéuticas encargados de su estudio, en adelante designados como «el Grupo de Expertos en DCI», para que las examinen de conformidad con los «Principios generales de orientación para formar denominaciones comunes internacionales para sustancias farmacéuticas», anexos a este procedimiento.² A menos que haya poderosas razones en contra, la denominación aceptada será la empleada por la persona que haya descubierto o fabricado y comercializado por primera vez esa sustancia farmacéutica.

Artículo 3 - Tras el examen al que se refiere el artículo 2, la Secretaría notificará que está en estudio un proyecto de denominación internacional.

a) Esa notificación se hará mediante una publicación en *Información Farmacéutica OMS*³ y el envío de una carta a los Estados Miembros y a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas u otros organismos designados por los Estados Miembros.

i) La notificación será enviada también a la persona que haya presentado la propuesta («el solicitante inicial») y a otras personas que tengan un interés especial en una denominación objeto de estudio.

b) En esa notificación se incluirán los siguientes datos:

i) la denominación sometida a estudio;

ii) la identidad de la persona que ha presentado la propuesta de denominación de la sustancia, si lo pide esa persona;

iii) la identidad de la sustancia cuya denominación está en estudio;

¹ Véase el anexo 1 en OMS, Serie de Informes Técnicos, N° 581, 1975. El texto vigente fue adoptado por el Consejo Ejecutivo en su resolución EB15.R7 y modificado en las resoluciones EB43.R9 y EB115.R4..

² Véase el anexo 2.

³ Hasta 1987 las listas de DCI se publicaban en la *Crónica de la Organización Mundial de la Salud*.

iv) el plazo fijado para recibir observaciones y objeciones, así como el nombre y la dirección de la persona a quien deban dirigirse; y

v) los poderes conferidos para el caso a la OMS y una referencia al presente procedimiento.

c) Al enviar esa notificación, la Secretaría solicitará de los Estados Miembros la adopción de todas las medidas necesarias para impedir la adquisición de derechos de patente sobre la denominación propuesta, durante el periodo en que la OMS la tenga en estudio.

Artículo 4 - Toda persona puede formular a la OMS observaciones sobre la denominación propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a su publicación en *Información Farmacéutica OMS*, conforme a lo dispuesto en el artículo 3.

Artículo 5 - Toda persona interesada puede presentar una objeción formal a una denominación propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a su publicación en *Información Farmacéutica OMS*, conforme a lo dispuesto en el artículo 3.

Esa objeción deberá acompañarse de los siguientes datos:

i) la identidad de la persona que formula la objeción;

ii) las causas que motivan su interés por la denominación; y

iii) las causas que motivan su objeción a la denominación propuesta.

Artículo 6 - Cuando se haya presentado una objeción formal en la forma prevista en el artículo 5, la OMS podrá reconsiderar el nombre propuesto o utilizar sus buenos oficios para intentar lograr que se retire la objeción. La OMS no seleccionará como denominación común internacional una denominación a la que se haya hecho una objeción formal, presentada según lo previsto en el artículo 5, que no haya sido retirada, todo ello sin perjuicio de que la Organización examine otra denominación o denominaciones sustitutivas.

Artículo 7 - Cuando no se haya formulado ninguna objeción en la forma prevista en el artículo 5, o cuando todas las objeciones presentadas hayan sido retiradas, la Secretaría notificará, conforme a lo dispuesto en el párrafo a) del artículo 3, que la denominación ha sido seleccionada por la OMS como denominación común internacional recomendada.

Artículo 8 - Al comunicar a los Estados Miembros una denominación común internacional, conforme a lo previsto en el artículo 7, la Secretaría:

a) solicitará que esta denominación sea reconocida como denominación común para la sustancia de que se trate; y

b) solicitará a los Estados Miembros que adopten todas las medidas necesarias para impedir la adquisición de derechos de patente sobre la denominación, y prohíban que sea registrada como marca de fábrica o como nombre comercial.

Artículo 9

a) En el caso excepcional de que, debido a su semejanza con otra denominación utilizada en las prácticas farmacéuticas y/o de prescripción, una denominación común internacional recomendada anteriormente ocasione errores de medicación, prescripción o distribución, o suponga un riesgo manifiesto de que esto ocurra, y parezca que tales errores o potenciales errores no sean fácilmente subsanables con otras medidas que no sean la posible sustitución de esa denominación común internacional recomendada anteriormente; en el caso de que una denominación común internacional recomendada anteriormente difiera considerablemente de la denominación común aprobada en un número importante de Estados Miembros, o en otras circunstancias excepcionales que justifiquen el cambio de una denominación común internacional recomendada, cualquier persona interesada puede presentar propuestas en este sentido. Esas propuestas se presentarán en los formularios que se proporcionen a estos efectos e incluirán los siguientes datos:

- i) la identidad de la persona que presenta la propuesta;
- ii) las causas que motivan su interés en la sustitución propuesta;
- iii) las causas que motivan la propuesta; y
- iv) una descripción, acompañada de pruebas documentales, de las otras medidas que se hayan adoptado con el fin de resolver la situación y de los motivos por los cuales dichas medidas no han sido suficientes.

Entre esas propuestas podrá figurar una relativa a una nueva denominación común internacional sustitutiva, formulada con arreglo a los Principios generales y que tenga en cuenta la sustancia farmacéutica para la que se propone la nueva denominación común internacional sustitutiva.

La Secretaría enviará al Grupo de Expertos en DCI y al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que sea una persona diferente de la que ha presentado la propuesta de sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales) una copia de la propuesta, para que sea examinada de conformidad con el procedimiento descrito en el párrafo *b) infra*. Además, la Secretaría solicitará observaciones sobre la propuesta:

- i) a los Estados Miembros y a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas u otros organismos designados por los Estados Miembros (ello se hará incluyendo una notificación a tal efecto en la carta a la que se refiere el párrafo *a)* del artículo 3), y
- ii) a cualquier persona que tenga un interés especial en la sustitución propuesta.

Al solicitar que se formulen estas observaciones se facilitarán los siguientes datos:

- i) la denominación común internacional recomendada que se propone sustituir (y la denominación sustitutiva propuesta, si se ha facilitado);
- ii) la identidad de la persona que ha presentado la propuesta de sustitución (si lo pide esa persona);
- iii) la identidad de la sustancia a la que se refiere la sustitución propuesta y las razones para presentar la propuesta de sustitución;
- iv) el plazo fijado para recibir observaciones, así como el nombre y la dirección de la persona a quien deban dirigirse; y
- v) los poderes conferidos para el caso a la OMS y una referencia al presente procedimiento.

Toda persona puede formular a la OMS observaciones sobre la sustitución propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a la fecha en que se realizó la solicitud de observaciones.

b) Una vez agotado el mencionado plazo para la formulación de observaciones, la Secretaría enviará todos los comentarios recibidos al Grupo de Expertos en DCI, al solicitante inicial o a su sucesor, y a la persona que haya presentado la propuesta de sustitución. Si después de examinar la propuesta de sustitución y las observaciones recibidas, el Grupo de Expertos en DCI, la persona que haya presentado la propuesta de sustitución y el solicitante inicial, o su sucesor, están de acuerdo en la necesidad de sustituir la denominación común internacional recomendada anteriormente, la Secretaría remitirá la propuesta de sustitución al Grupo de Expertos en DCI para que la tramite.

No obstante lo anterior, el solicitante inicial o su sucesor no tendrán derecho a impedir el acuerdo sobre una propuesta de sustitución en el caso de que hayan dejado de tener un interés demostrable en la denominación común internacional cuya sustitución se propone.

En caso de que la propuesta de sustitución sea presentada al Grupo de Expertos en DCI para que la tramite, este grupo seleccionará una nueva denominación común internacional de conformidad con los Principios generales a los que se refiere el artículo 2 y al procedimiento establecido en los artículos 3 a 8 inclusive. En ese caso, en las notificaciones que la Secretaría ha de enviar con arreglo a los artículos 3 y 7, respectivamente, incluida la notificación al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que no sea la misma persona que propuso la sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales), se indicará que la nueva denominación sustituye a una denominación común internacional recomendada anteriormente y que los Estados Miembros podrán, si lo estiman oportuno, adoptar disposiciones transitorias aplicables a los productos existentes en cuya etiqueta se utilice, con arreglo a la legislación nacional, la denominación común internacional recomendada anteriormente que se haya sustituido.

En caso de que, después de haber estudiado la propuesta de sustitución y los comentarios recibidos de conformidad con el procedimiento descrito anteriormente, el Grupo de Expertos en DCI, el solicitante inicial o su sucesor y la persona que haya presentado la propuesta de sustitución no lleguen a un acuerdo sobre la existencia de razones poderosas para sustituir una denominación común internacional recomendada anteriormente, esta denominación se mantendrá (siempre en el entendimiento de que el solicitante inicial o su sucesor no tendrán derecho a impedir el acuerdo sobre una propuesta de sustitución en el caso de que hayan dejado de tener un interés demostrable en la denominación común internacional cuya sustitución se propone). En ese caso, la Secretaría comunicará a la persona que haya propuesto la sustitución, así como al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que no sea la misma persona que propuso la sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales), a los Estados Miembros, a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas o a otros organismos designados por los Estados Miembros y a cualquier otra persona que tenga interés en la sustitución propuesta, que, pese a la presentación de una propuesta de sustitución, se ha decidido mantener la denominación común internacional recomendada anteriormente (con una descripción de la o las razones por las que se ha considerado que la propuesta de sustitución no estaba respaldada por razones suficientemente poderosas).

ANEXO 2

PRINCIPIOS GENERALES DE ORIENTACIÓN PARA FORMAR DENOMINACIONES COMUNES INTERNACIONALES PARA SUSTANCIAS FARMACÉUTICAS¹

1. Las denominaciones comunes internacionales (DCI) deberán diferenciarse tanto fonética como ortográficamente. No deberán ser incómodamente largas, ni dar lugar a confusión con denominaciones de uso común.

2. La DCI de una sustancia que pertenezca a un grupo de sustancias farmacológicamente emparentadas deberá mostrar apropiadamente este parentesco. Deberán evitarse las denominaciones que puedan tener connotaciones anatómicas, fisiológicas, patológicas o terapéuticas para el paciente.

Estos principios primarios se pondrán en práctica utilizando los siguientes principios secundarios:

3. Al idear la DCI de la primera sustancia de un nuevo grupo farmacológico, deberá tenerse en cuenta la posibilidad de poder formar DCI convenientes para las sustancias emparentadas que se agreguen al nuevo grupo.

4. Al idear DCI para ácidos, se preferirán las de una sola palabra; sus sales deberán denominarse sin modificar el nombre del ácido: p. ej. «oxacilina» y «oxacilina sódica», «ibufenaco» y «ibufenaco sódico».

¹ En su 20º informe (OMS, Serie de Informes Técnicos, Nº 581, 1975), el Comité de Expertos de la OMS en Denominaciones Comunes para las Sustancias Farmacéuticas revisó los Principios generales para formar denominaciones comunes internacionales (DCI), y su procedimiento de selección, a la luz de las novedades registradas en los últimos años en materia de compuestos farmacéuticos. El cambio más importante había consistido en hacer extensivo a la denominación de sustancias químicas sintéticas el método utilizado hasta entonces para las sustancias originadas en productos naturales o derivadas de éstos. Dicho método conlleva la utilización de una «partícula» característica que indica una propiedad común a los miembros de un grupo. En el citado informe se examinan en detalle las razones y consecuencias de este cambio.

Los Principios generales de orientación se actualizaron durante la 13ª consulta sobre denominaciones comunes para sustancias farmacéuticas (Ginebra, 27 a 29 de abril de 1983) (PHARM S/NOM 928, 13 de mayo de 1983, revisado el 18 de agosto de 1983).

5. Las DCI para las sustancias que se usan en forma de sal deberán en general aplicarse a la base activa o al ácido activo. Las denominaciones para diferentes sales o ésteres de la misma sustancia activa solamente deberán diferir en el nombre del ácido o de la base inactivos.

En los compuestos de amonio cuaternario, el catión y el anión deberán denominarse adecuadamente por separado, como componentes independientes de una sustancia cuaternaria y no como sales de una amina.

6. Deberá evitarse el empleo de letras o números aislados; también es indeseable el empleo de guiones.

7. Para facilitar la traducción y la pronunciación, se emplearán de preferencia las letras «f» en lugar de «ph», «t» en lugar de «th», «e» en lugar de «ae» u «oe», e «i» en lugar de «y»; se deberá evitar el empleo de las letras «h» y «k».

8. Siempre que las denominaciones propuestas estén de acuerdo con estos principios, recibirán una consideración preferente las denominaciones propuestas por la persona que haya descubierto las sustancias, o que fabrique y comercialice por primera vez una sustancia farmacéutica, así como las denominaciones ya adoptadas oficialmente en cualquier país.

9. El parentesco entre sustancias del mismo grupo se pondrá de manifiesto en las DCI (véase el Principio 2) utilizando una partícula común. En la lista que figura a continuación se indican ejemplos de partículas para grupos de sustancias, en particular para grupos nuevos. Existen muchas otras partículas que se usan habitualmente.¹ Cuando una partícula aparece sin guión alguno, puede utilizarse en cualquier lugar de la palabra.

Latin	Español	
- <i>acum</i>	- <i>aco</i>	antiinflamatorios derivados del ibufenaco
- <i>adolum</i>	- <i>adol</i>)	analgésicos
- <i>adol-</i>	- <i>adol-</i>)	
- <i>astum</i>	- <i>ast</i>	antiasmáticos, sustancias antialérgicas cuya acción principal no es la antihistamínica
- <i>astinum</i>	- <i>astina</i>	antihistamínicos
- <i>azepamum</i>	- <i>azepam</i>	derivados del diazepam
<i>bol</i>	<i>bol</i>	esteroides anabolizantes
- <i>cain-</i>	- <i>caína-</i>	antiarrítmicos de clase I, derivados de procainamida y lidocaína
- <i>cainum</i>	- <i>caína-</i>	anestésicos locales
<i>cef-</i>	<i>cef-</i>	antibióticos, derivados del ácido cefalosporánico
- <i>cillinum</i>	- <i>cilina</i>	antibióticos derivados del ácido 6-aminopenicilánico
- <i>conazolium</i>	- <i>conazol</i>	antifúngicos sistémicos derivados del miconazol
<i>cort</i>	<i>cort</i>	corticosteroides, excepto derivados de prednisolona
- <i>coxibum</i>	- <i>coxib</i>	inhibidores selectivos de ciclooxigenasa
- <i>entanum</i>	- <i>entán</i>	antagonistas del receptor de endotelina
<i>gab</i>	<i>gab</i>	gabamiméticos
<i>gado-</i>	<i>gado-</i>	agentes para diagnóstico derivados de gadolinio
- <i>gartranum</i>	- <i>gatrán</i>	inhibidores de la trombina antitrombóticos
<i>gest</i>	<i>gest</i>	esteroides progestágenos
<i>gli</i>	<i>gli</i>	hipoglucemiantes, antihiperglucémicos
<i>io-</i>	<i>io-</i>	medios de contraste iodados
- <i>metacinum</i>	- <i>metacina</i>	antiinflamatorios derivados de indometacina
- <i>mycinum</i>	- <i>micina</i>	antibióticos producidos por cepas de <i>Streptomyces</i>
- <i>nidazolium</i>	- <i>nidazol</i>	antiprotozoarios derivados de metronidazol
- <i>ololum</i>	- <i>olol</i>	antagonistas de receptores β -adrenérgicos
- <i>oxacinum</i>	- <i>oxacino</i>	antibacterianos derivados del ácido nalidíxico
- <i>platinum</i>	- <i>platino</i>	antineoplásicos derivados del platino

¹ En el documento de trabajo WHO/EMP/RHT/TSN/2013.1, que se actualiza periódicamente y puede solicitarse al Programa sobre Denominaciones Comunes Internacionales, OMS, Ginebra, figura una lista más amplia de partículas.

<i>-poetinum</i>	<i>-poetina</i>	factores sanguíneos similares a la eritropoyetina
<i>-pril(at)um</i>	<i>-pril(at)</i>	inhibidores de la enzima conversora de la angiotensina
<i>-profenum</i>	<i>-profeno</i>	antiinflamatorios derivados del ibuprofeno
<i>prost</i>	<i>prost</i>	prostaglandinas
<i>-relinum</i>	<i>-relina</i>	péptidos estimulantes de la liberación de hormonas hipofisarias
<i>-sartanum</i>	<i>-sartán</i>	antihipertensivos (no peptídicos) antagonistas del receptor de angiotensina II
<i>-vaptanum</i>	<i>-vaptán</i>	antagonistas del receptor de vasopresina
<i>vin-</i>	<i>vin-</i>)	alcaloides de la vinca
<i>-vin-</i>	<i>-vin-</i>)	